

糖酵解与肺癌相关研究进展

刘博宁 罗猛 综述 周清华 徐克 审校

【中图分类号】 R734.2

Advances in the Research of Glycolysis and Lung Cancer

Boning LIU, Meng LUO, Qinghua ZHOU, Ke XU

Tianjin Key Laboratory of Lung Cancer Metastasis and Tumor Microenvironment, Tianjin Lung Cancer Institute, Tianjin Medical University General Hospital, Tianjin 300052, China

Corresponding author: Qinghua ZHOU, E-mail: zhouqh1016@yahoo.com.cn;
Ke XU, E-mail: ke_xu@hotmail.com

This study was supported by the grants from the National Natural Science Foundation of China (No.30873035), Key Project of Tianjin Municipal Education Commission (No.ZD200714), Key Project of Tianjin Municipal Science and Technology Commission (No.10JCZDJC20800), and Scientific Research Foundation for the Returned Overseas Chinese Scholars from State Education Ministry (all to Ke XU).

肺癌是全球发病率和病死率最高的恶性肿瘤。男性中肺癌占新发肿瘤病例的17%以上，约占癌症死亡总数的23%，且发病率呈上升趋势^[1]。肺癌患者中约80%为非小细胞肺癌（non-small cell lung cancer, NSCLC）。NSCLC 预后较差，主要与局部复发及远处转移有关，而较多患者就诊时已经发生局部侵润（37%）和远处转移（38%）^[2]。在NSCLC等实体肿瘤的生长过程中，癌细胞增殖迅速造成癌组织微环境始终处于相对低氧状态。此现象在实体肿瘤中普遍发生，是肿瘤微环境最重要的特征之一，其主要机制与肿瘤生长不一致造成肿瘤血管结构功能的异常有关。低氧可导致肿瘤细胞的基因及蛋白质表达发生改变，致使肿瘤生长受限，发生细胞周期停滞、凋亡和坏死；同时，低氧也可通过诱导新生血管、加强糖酵解、激活生长因子而抑制凋亡^[3]。近期研究表明，低氧下糖酵解的增强与NSCLC等实体肿瘤的发展、侵袭和转移密切相关。本文就有氧糖酵解中的重要调控因子缺氧诱导因子1（hypoxia-inducible factor-1, HIF-1）和葡萄糖转

运体（glucose transporter, GLUT）与肺癌的相关性进行综述，为肺癌防治提供新的思路和理论基础。

1 瓦博格效应与肿瘤

细胞的能量获取主要源于糖代谢。葡萄糖在体内氧化分解的途径包括氧化磷酸化和糖酵解。正常细胞在有氧条件下主要通过氧化磷酸化产生ATP，而在缺氧条件下则主要通过糖酵解产生ATP。1924年首次提出瓦博格效应（warburg effect），指出细胞在癌变时主要通过糖酵解获取ATP，即在氧充足的条件下其能量代谢的主要途径由三羧酸循环切换为有氧糖酵解^[4]。有氧糖酵解是肿瘤恶变过程中最基础的代谢改变，此现象广泛存在于各种肿瘤组织中，它能够促进肿瘤细胞的增殖、增强侵袭性并参与介导耐药^[4-6]。

大量研究^[7,8]证实瓦博格效应的产生及恶性细胞对其依赖程度由细胞内部和外部环境共同决定，并由多基因（如癌基因RAS、C-MYC、AKT、BCR/ABL和抑癌基因p53等）及信号激酶（如AMP激酶、AKT激酶等）共同调控。其中许多癌基因和抑癌基因自发性改变参与此能量代谢调控过程^[9,10]。此外，参与有氧糖酵解调控的关键因子还有HIF-1、GLUT1和GLUT3、乳酸、糖酵解酶类、碳酸酐酶等，其中尤以HIF-1和GLUT1的过度表达与NSCLC的增殖和转移密切相关^[11-14]。

本研究受国家自然科学基金（No.30873035）、天津市高等学校科技发展基金计划重点项目（No.ZD200714）、天津市应用基础及前沿技术研究计划重点项目（No.10JCZDJC20800）和教育部留学回国人员科研启动基金资助

作者单位：300052 天津，天津医科大学总医院，天津市肺癌研究所，天津市肺癌转移与肿瘤微环境重点实验室（通讯作者：周清华，E-mail: zhouqh1016@yahoo.com.cn；徐克，E-mail: ke_xu@hotmail.com）

2 HIF-1与NSCLC

2.1 HIF-1活性的调节 缺氧可分为急性缺氧（灌注限制性缺氧）和慢性缺氧（弥散限制性缺氧）^[15]，可引发肿瘤细胞基因及蛋白质表达发生改变，诱导血管新生、加强糖酵解、激活生长因子、抑制凋亡，使肿瘤细胞克服并适应低氧和营养缺乏的微环境。HIF-1是一种介导低氧适应性反应的转录因子，可激活许多低氧反应性基因的表达，是在低氧条件下维持氧稳态的关键性物质。HIF-1由HIF-1α和HIF-1β两个亚单位构成，HIF-1α为主要的氧调节亚基，低氧主要通过调节其蛋白水平来影响HIF-1的转录调节作用；HIF-1β则对氧的依赖性较弱，其碱基可以特异性识别靶基因上DNA的结合位点，发挥转录因子的激活特性。HIF-1作为缺氧相对特异性的内源性标记物和缺氧诱导过程中最重要的转录因子，其表达程度可代表肿瘤瞬时缺氧的状况。

近期研究表明，在多种人类肿瘤中癌基因可不依赖缺氧诱导，直接活化HIF-1和其它葡萄糖代谢通路元件。Gatenby等^[16]发现胰岛素样生长因子（insulin-like growth factor, IGF）的刺激以及V-SRC、C-SRC和RAS的激活均可上调HIF-1的表达；此外HER2通路或PI3-AKT通路的激活也可促进HIF-1的合成^[7]。PI3Ka或AKT1的活性突变所致的哺乳动物雷帕霉素靶蛋白（mammalian target of rapamycin, mTOR）信号通路活化，可以促进HIF-1的转录和翻译^[17]。除了癌基因突变外抑癌基因失活也参与了细胞能量代谢调节，如PTEN、LKB1、PML和TSC1/TSC2等抑癌基因的任一功能性失活都可以通过mTOR信号通路促进HIF-1的转录和翻译，诱导代谢相关的基因表达^[18,19]。

2.2 HIF-1与细胞代谢相关性 HIF-1所调控的基因涉及细胞能量代谢、离子代谢、肿瘤的侵袭和转移、干细胞的稳态维持、儿茶酚胺代谢及血管的发生等诸多方面^[20,21]。有研究^[22]表明低氧反应中有55个相关基因上调，其中89%受HIF-1调控；119个相关基因下调，其中17%受HIF-1调控；其中所有的糖酵解酶类均被HIF-1上调。低氧反应中HIF-1介导的关键因子包括血管内皮生长因子（vascular endothelial growth factor, VEGF）、GLUT1和GLUT3、糖酵解酶类、碳酸酐酶、乳酸脱氢酶A、单羧基转运体4、丙酮酸脱氢酶激酶1等，涉及糖酵解、有氧呼吸、线粒体自噬等多方面细胞功能^[16,18,22]。这些缺氧诱导的基因启动子上都含有低氧反应元件（hypoxic response elements, HRE）。HRE是一个增强子，在缺氧条件下细胞核产生的HIF-1与靶基因HRE中的HIF-1结合位点结合促进转

录，从而引起细胞对缺氧产生一系列的反应^[23]。众所周知，AKT可促进肿瘤细胞代谢改变、增强恶性程度，其调控的代谢因子包括与线粒体及凋亡抵抗相关的己糖激酶(hexokinase, HK)、糖酵解限速环节之一的6-磷酸果糖激酶1(6-phosphofructokinase 1, PFK1)以及分布最为广泛的葡萄糖转运体GLUT1^[24]。HIF-1则可上调GLUT1和GLUT3的表达，激活HK1和HK2的转录，上调HK的合成^[25]。

HIF-1可调节能够将丙酮酸转化为乳酸的乳酸脱氢酶A和将乳酸转运出细胞的单羧酸转运蛋白的表达^[25,26]。还有研究^[27]发现HIF-1也参与丙酮酸脱氢酶激酶表达的调控。丙酮酸脱氢酶激酶通过催化丙酮酸脱氢酶磷酸化使之失去活性，因此丙酮酸脱氢酶激酶的激活可以阻止丙酮酸进入线粒体，减少参与三羧酸循环的丙酮酸量，从而减少NADH和FADH2电子链的传递。这是细胞对低氧适应的主要机制之一。肿瘤细胞中HIF-1通过上调糖转运和糖酵解酶的相关基因，促使肿瘤在低氧时采用糖酵解途径^[28]。而相关编码蛋白和肿瘤抑制基因突变造成的HIF-1结构性表达，可使肿瘤在氧充足时仍然采用糖酵解的方式进行能量代谢^[29]。

2.3 HIF-1与NSCLC的相关性研究 HIF-1在肿瘤的发生和转移中扮演着重要角色，其基因多态性与NSCLC预后密切相关^[12]。Zhong等^[30]应用免疫组化方法检测了HIF-1在多种肿瘤中的表达，发现90%的NSCLC组织中HIF-1表达升高，而癌旁组织中未见HIF-1表达。Li等^[31]应用免疫组化方法检测CCR7、HIF-1和HIF-2在94例NSCLC组织中的表达，发现CCR7、HIF-1和HIF-2的阳性表达与NSCLC临床分期和淋巴结转移相关；体外实验发现缺氧可以通过诱导BE1和A549肺癌细胞的HIF-1和HIF-2表达而上调CCR7的表达；应用siRNA技术抑制A549肺癌细胞HIF-1和HIF-2表达则可以下调CCR7表达，并抑制细胞的侵袭转移潜能。Zuo等^[32]应用免疫组化SP法检测HIF-1和VEGF-C蛋白在48例NSCLC癌组织及癌旁组织的表达，结果发现HIF-1和VEGF-C蛋白在癌组织的阳性表达率分别为70.8%（34/48）和68.8%（33/48），明显高于癌旁组织（12.5%和16.7%，P<0.05）；HIF-1和VEGF-C蛋白在癌组织的阳性率与TNM分期及淋巴结转移相关。Wu等^[33]应用组织化学和免疫组织化学方法检测160例NSCLC组织和20例正常肺组织标本的血管生成拟态以及CD82/KAI1、HIF-1蛋白的表达，发现NSCLC组织中CD82/KAI1、HIF-1蛋白及血管生成拟态阳性率分别为37.5%、48.8%和36.9%，而正常肺组织分别为95.0%、0和0；HIF-1蛋白及血管生成拟态之间具有相关性，血管生成拟态与HIF-1蛋白过表达与

NSCLC不良预后相关。这些研究结果提示HIF-1在NSCLC的侵袭迁移过程中扮演着重要角色, HIF-1提高NSCLC侵袭迁移潜能的机理可能与其促进NSCLC细胞有氧糖酵解相关。

2.4 HIF-1在肿瘤治疗中的应用 HIF-1抑制剂类药物总体可分为小分子HIF-1活性抑制剂及相关信号通路阻断剂两类。较早发现的小分子HIF-1活性抑制剂有可溶性鸟苷酸环化酶抑制剂YC-1、热休克蛋白90抑制剂格尔德霉素、苯甲酸类似物以及缺氧性细胞毒素TX-402等。近期研究^[34]还发现异硫氰酸苯乙酯(phenethyl isothiocyanate, PEITC)能通过减少HIF-1的RNA翻译,有效抑制HIF-1蛋白积聚,诱导其内源靶基因CAIX、GLUT1、BNIP3及VEGF发生改变。在乳腺癌中使用HIF抑制剂地高辛和吖啶黄,可有效抑制低氧中赖氨酰氧化酶(lysyl oxidase, LOX)和赖氨酰氧化酶样(lysyl oxidase-like, LOXL)的蛋白表达上调,阻碍胶原蛋白交联,减少骨髓源性干细胞聚集,从而干扰转移微环境形成,抑制乳腺癌细胞的肺转移^[35]。还有研究^[36,37]证实脯氨酰羟化酶(prolyl hydroxylase, PHD)是催化HIF-1降解的限速酶,使用PHD2的强效激活剂KRH102053及其结构类似物KRH102140可降解HIF-1蛋白,抑制其相关调控基因如VEGF、醛缩酶A、烯醇酶1和单羧酸转运蛋白4等,降低多种肿瘤细胞的迁移侵袭活力。在肺癌方面近几年也出现了大量以HIF-1为靶点的研究。多种NSCLC中发现拓扑异构酶I抑制剂拓扑替康(topotecan)及拓扑异构酶II抑制剂依托泊苷(etoposide)能够有效抑制HIF-1蛋白表达及AKT磷酸化,且呈现时间周期依赖性^[38]。在A549细胞中穿心莲内酯可通过TGF1通路上调PHD2,使HIF-1发生快速泛素依赖性降解,下调VEGF的蛋白表达,抑制肿瘤微血管生成^[39]。PX-478作为HIF-1的强效小分子抑制剂,被证实在体内及体外模型中均可抑制肺腺癌及小细胞肺癌的细胞活力,被建议纳入肺癌患者I期临床试验^[40]。还有研究^[41]发现,雷帕霉素能够通过促进HIF-1降解来抑制生存蛋白(survivin)的表达,诱导多种NSCLC细胞系发生凋亡。

基因治疗方面已有多项研究证实利用RNA干扰等相关技术特异性抑制HIF-1活性,可有效抑制多种恶性肿瘤细胞活性。Kamlah等^[42]研究发现,静脉注射HIF-1-siRNA和HIF-2-siRNA可以有效延长Lewis肺癌荷瘤裸鼠的生存期,抑制肿瘤生长并减少血管生成。在宫颈癌细胞中靶向沉默HIF-1可明显下调GLUT1和HK2的基因表达水平,降低糖酵解活性并促进细胞凋亡,抑制体内肿瘤生长^[43]。此外,一些HIF-1上游调控因子也在基因治疗方面受到

关注。研究^[44]表明酪蛋白激酶2(casein kinase 2, CK2)siRNA可通过激活p53降低缺氧环境中HIF-1的活性;靶向激活p53则能有效抑制糖酵解中C-MYC、HIF-1和GLUT的表达,降低能量代谢水平,从而特异性杀伤癌细胞^[45]。

3 GLUT1与肺癌

3.1 GLUT1与肿瘤的相关性 葡萄糖转运体蛋白在哺乳动物细胞糖代谢过程中扮演着重要的角色。葡萄糖是水溶性物质,需要借助GLUT转运通过细胞磷脂双分子层进入胞浆,这是葡萄糖代谢过程中第一个限速步骤。目前发现GLUT家族成员有14种,其中GLUT1、GLUT3和GLUT4与葡萄糖有较高的亲和力,在正常生理条件下可高效地转运葡萄糖。GLUT1在体内分布最广,各组织中均存在表达^[46]。在缺血、缺氧等情况下可出现组织中GLUT1异常增高。由于在恶性肿瘤细胞中常常检测到GLUT1和GLUT3的过表达,所以有学者提出可以将GLUT1作为内源性缺氧标志物来检测肿瘤内的缺氧情况^[47]。近年来发现,GLUT1过度表达与多种肿瘤如肾癌^[48]、乳腺癌^[49]、直肠癌^[50]有关,且与NSCLC的关系最为密切,与其肿瘤组织类型、分化程度、肿瘤体积、淋巴结转移及患者预后均相关。

GLUT在肿瘤中的表达及功能受许多因子调控,其中癌基因和肿瘤缺氧作用最强, GLUT1的广泛过表达可能是这两个因素相互作用的结果。现已知, GLUT1的表达受低氧环境和HRE/HIF复合物双重调控,代谢抑制使GLUT1转化为单向转运,确保低氧诱导葡萄糖摄取增加。在癌细胞中抑制氧化磷酸化的协同作用可上调GLUT1,与此同时HIF-1也可诱导其高表达。Williams等^[51]研究发现在HIF-1缺失的中国仓鼠卵巢癌异种接种物细胞和HIF-1缺失的鼠肝细胞瘤细胞中GLUT1不表达,而野生型移植物坏死区域周围的细胞GLUT1呈过表达。在结构性表达HIF-1的肾脏透明细胞癌中, GLUT1和HIF-1调控的基因表达上调,这提示HIF-1对GLUT1的最终表达水平有决定性作用。

3.2 GLUT1与NSCLC的相关性 研究^[14]表明卵巢癌和NSCLC细胞中缺氧可诱导脱氧葡萄糖(fluorodeoxyglucose, FDG)摄入量增加及GLUT1蛋白表达上调。Ai等^[11]应用免疫组织化学方法检测84例NSCLC组织中GLUT1和HIF-1蛋白的表达,发现GLUT1和HIF-1的阳性表达率分别为95.2% (80/84) 和96.4% (81/84),且具有相关性。这表明GLUT1可能与NSCLC葡萄糖的摄取及糖酵解

有关, HIF-1可能参与了GLUT1的上调。Younes等^[52]应用抗GLUT1和抗GLUT3多克隆抗体对289例I期NSCLC组织进行免疫组织化学检测,结果显示GLUT1阳性率为83% (239/289), GLUT3阳性率为21% (61/289), GLUT1和GLUT3过表达与I期NSCLC较差生存期相关, GLUT1阳性可作为NSCLC恶性侵袭的标记物。Sasaki等^[53]发现GLUT1在NSCLC组织中的表达与KRAS基因突变有关, GLUT1蛋白的过表达与NSCLC的侵袭表型相关, GLUT1阳性的NSCLC患者预后明显差于GLUT1正常表达者。Kaira等^[54]对147例原发性NSCLC组织进行免疫组织化学检测,发现GLUT1和HIF-1在未分化原发性NSCLC中的表达明显高于高分化组和低分化组。上述研究表明GLUT1的表达与NSCLC细胞的恶性增殖和侵袭转移性能密切相关,侵袭性强、生长旺盛的NSCLC细胞常伴有葡萄糖代谢增加。

3.3 GLUT1在肿瘤诊断及治疗中的应用 如今GLUT1已被普遍认为是细胞恶性病变的早期标志,可用作早期癌前病变的诊断依据。大量研究^[55]表明GLUT1的高表达与癌前病变发展无相关性,但与肿瘤进展、分化以及患者预后及生存率存在一定关联。在相关肿瘤治疗方面,研究普遍认为利用GLUT1肿瘤高表达的特点,一方面可应用化疗药物结合葡萄糖,通过GLUT1高效转运来提高药物摄取效率,达到对肿瘤细胞的有效杀伤;另一方面也可通过直接阻断GLUT1在肿瘤细胞中的表达,降低细胞的能量代谢效率而发挥抑癌功效。Subbarayan等^[56]发现,一氧化氮可通过与氧基团结合形成亚硝基蛋白,损伤DNA,而目前获得的亚硝基乙酰青霉胺 (S-nitroso-N-acetyl-penicillamine, SNAP) 并不能直接靶向肿瘤细胞,但如将其与葡萄糖结合形成2-gluSNAP复合物,则能大大提高其杀伤肿瘤细胞的能力。在GLUT1相关分子抑制剂探索方面, Wardell等^[57]发现使用组蛋白脱乙酰基酶抑制剂 (histone deacetylase inhibitors, HDACIs) 可靶向抑制骨髓瘤细胞中GLUT1介导的葡萄糖转运,通过改变碳源摄取途径建立不利于肿瘤细胞快速生长存活的能量代谢模式提高疗效。Cao等^[58]研究表明,联合GLUT抑制剂鬼皮素和化疗药物柔毛霉素可有效提高癌细胞的化疗敏感度,降低抗药性。Lemoine等^[59]应用泛脱乙酰基酶 (pan-deacetylase, DAC) 抑制剂LBH589作用霍杰金淋巴瘤细胞系,发现其能够通过下调HIF-1及下游靶基因GLUT1与VEGF的表达以有效杀伤癌细胞,有望将LBH589联合mTOR抑制剂治疗此类肿瘤患者;同时LBH589也可参与矫正GLUT1相关的FDG-PET临床影像诊断。

在基因治疗方面较多研究选择以GLUT1上游转录因子作为靶点进行干预。有研究^[60]表明应用siRNA技术沉默U251、U87和U373神经胶质瘤细胞的HIF-1后, GLUT1和VEGF蛋白表达水平明显下降;相应裸鼠体内实验中siRNA治疗组比对照组的肿瘤体积减小了约50%。

4 问题与展望

肿瘤生长不一致可导致肿瘤血管功能和结构异常,致使肿瘤组织中出现区域性急性缺氧和慢性缺氧,引起肿瘤细胞的基因及蛋白质表达发生改变,发生细胞生长受限和死亡;同时,低氧也可诱导新生血管、增强糖酵解、抑制凋亡、激活生长因子。葡萄糖的摄取和糖酵解的增强造成肿瘤细胞恶性转化、侵袭转移和对放化疗等治疗的抵抗,使目前的治疗方法难以达到理想的效果,为肿瘤的治疗带来了难题,也提供了新的切入点。目前FDG-PET显像、氧电极应用和肿瘤内源性缺氧标志物的检测已经为肿瘤的早期诊断、治疗前后效果的评估和预后的判断提供了新的方法。然而,尽管有氧糖酵解是肿瘤最明显的能量代谢特征,仍存在一部分肿瘤细胞无法用FDG-PET成像即“PET阴性”肿瘤。是否此类肿瘤细胞并非依赖糖代谢,而是依靠其它形式的生物能量还有待探索。目前HIF-1和GLUT1对糖酵解的调控机制尚不完全清楚,但随着对HIF-1和GLUT1与NSCLC相关研究的深入, HIF-1和GLUT1有望成为NSCLC治疗的新靶点。

参 考 文 献

- 1 Jemal A, Bray F, Center MM, et al. Global cancer statistics. CA Cancer J Clin, 2011, 61(2): 69-90.
- 2 Jemal A, Murray T, Ward E, et al. Cancer statistics, 2005. CA Cancer J Clin, 2005, 55(1): 10-30.
- 3 Horree N, van Diest PJ, van der Groep P, et al. Hypoxia and angiogenesis in endometrioid endometrial carcinogenesis. Cell Oncol, 2007, 29(3): 219-227.
- 4 Vander Heiden MG, Cantley LC, Thompson CB. Understanding the Warburg effect: the metabolic requirements of cell proliferation. Science, 2009, 324(5930): 1029-1033.
- 5 DeBerardinis RJ. Is cancer a disease of abnormal cellular metabolism? New angles on an old idea. Genet Med, 2008, 10(11): 767-777.
- 6 Xu RH, Pelicano H, Zhou Y, et al. Inhibition of glycolysis in cancer cells: a novel strategy to overcome drug resistance associated with mitochondrial respiratory defect and hypoxia. Cancer Res, 2005, 65(2): 613-621.
- 7 Yeung SJ, Pan J, Lee MH. Roles of p53, MYC and HIF-1 in regulating glycolysis-the seventh hallmark of cancer. Cell Mol Life Sci, 2008, 65(24):

- 3981-3999.
- 8 Huang LE. Carrot and stick: HIF-alpha engages c-Myc in hypoxic adaptation. *Cell Death Differ*, 2008, 15(4): 672-677.
 - 9 Pantuck AJ, Zeng G, Belldegrun AS, et al. Pathobiology, prognosis, and targeted therapy for renal cell carcinoma: exploiting the hypoxia-induced pathway. *Clin Cancer Res*, 2003, 9(13): 4641-4652.
 - 10 Fang JS, Gillies RD, Gatenby RA. Adaptation to hypoxia and acidosis in carcinogenesis and tumor progression. *Semin Cancer Biol*, 2008, 18(5): 330-337.
 - 11 Ai B, Pan TC, Zheng Z, et al. The relationship of expression of GLUT1, HIF-1alpha and the uptake of FDG in non-small cell lung cancer. *Zhongguo Fei Ai Za Zhi*, 2007, 10(6): 508-512. [艾波, 潘铁成, 郑智, 等. 非小细胞肺癌中GLUT1、HIF-1α的表达及其与FDG摄取的相关性研究. 中国肺癌杂志, 2007, 10(6): 508-512.]
 - 12 Kuo WH, Shih CM, Lin CW, et al. Association of hypoxia inducible factor-1alpha polymorphisms with susceptibility to non-small-cell lung cancer. *Transl Res*, 2012, 159(1): 42-50.
 - 13 Mees G, Vangestel C, Dierckx R, et al. Carbonic anhydrase IX expression correlates with FDG uptake by primary non-small cell lung cancer. *Cancer Biother Radiopharm*, 2010, 25(2): 149-154.
 - 14 Kim SJ, Rabbani ZN, Vollmer RT, et al. Carbonic anhydrase IX in early-stage non-small cell lung cancer. *Clin Cancer Res*, 2004, 10(23): 7925-7933.
 - 15 Bartrons R, Caro J. Hypoxia, glucose metabolism and the Warburg's effect. *J Bioenerg Biomembr*, 2007, 39(3): 223-229.
 - 16 Gatenby RA, Gillies RJ. Why do cancers have high aerobic glycolysis? *Nat Rev Cancer*, 2004, 4(11): 891-899.
 - 17 Manning BD, Cantley LC. AKT/PKB signaling: navigating downstream. *Cell*, 2007, 129(7): 1261-1274.
 - 18 Semenza GL. HIF-1: upstream and downstream of cancer metabolism. *Curr Opin Genet Dev*, 2010, 20(1): 51-56.
 - 19 Shackelford DB, Vasquez DS, Corbeil J, et al. mTOR and HIF-1alpha-mediated tumor metabolism in an LKB1 mouse model of Peutz-Jeghers syndrome. *Proc Natl Acad Sci USA*, 2009, 106(27): 11137-11142.
 - 20 Semenza GL. Defining the role of hypoxia-inducible factor 1 in cancer biology and therapeutics. *Oncogene*, 2010, 29(5): 625-634.
 - 21 Dery MA, Michaud MD, Richard DE. Hypoxia-inducible factor 1: regulation by hypoxic and non-hypoxic activators. *Int J Biochem Cell Biol*, 2005, 37(3): 535-540.
 - 22 Annibaldi A, Widmann C. Glucose metabolism in cancer cells. *Curr Opin Clin Nutr Metab Care*, 2010, 13(4): 466-470.
 - 23 Semenza GL. HIF-1 mediates the Warburg effect in clear cell renal carcinoma. *J Bioenerg Biomembr*, 2007, 39(3): 231-234.
 - 24 Robey RB, Hay N. Is Akt the "Warburg kinase"? -Akt-energy metabolism interactions and oncogenesis. *Semin Cancer Biol*, 2009, 19(1): 25-31.
 - 25 Iyer NV, Kotch LE, Agani F, et al. Cellular and developmental control of O₂ homeostasis by hypoxia-inducible factor 1 alpha. *Genes Dev*, 1998, 12(2): 149-162.
 - 26 Ullah MS, Davies AJ, Halestrap AP. The plasma membrane lactate transporter MCT4, but not MCT1, is up-regulated by hypoxia through a HIF-1alpha-dependent mechanism. *J Biol Chem*, 2006, 281(14): 9030-9037.
 - 27 Kim JW, Tchernyshyov I, Semenza GL, et al. HIF-1-mediated expression of pyruvate dehydrogenase kinase: a metabolic switch required for cellular adaptation to hypoxia. *Cell Metab*, 2006, 3(3): 177-185.
 - 28 Kim JW, Gao P, Liu YC, et al. Hypoxia-inducible factor 1 and dysregulated c-Myc cooperatively induce vascular endothelial growth factor and metabolic switches hexokinase 2 and pyruvate dehydrogenase kinase 1. *Mol Cell Biol*, 2007, 27(21): 7381-7393.
 - 29 Stubbs M, Bashford CL, Griffiths JR. Understanding the tumor metabolic phenotype in the genomic era. *Curr Mol Med*, 2003, 3(1): 49-59.
 - 30 Zhong H, De Marzo AM, Laughner E, et al. Overexpression of hypoxia-inducible factor 1alpha in common human cancers and their metastases. *Cancer Res*, 1999, 59(22): 5830-5835.
 - 31 Li Y, Qiu X, Zhang S, et al. Hypoxia induced CCR7 expression via HIF-1alpha and HIF-2alpha correlates with migration and invasion in lung cancer cells. *Cancer Biol Ther*, 2009, 8(4): 322-330.
 - 32 Zuo S, Ji Y, Wang J, et al. Expression and clinical implication of HIF-1alpha and VEGF-C in non-small cell lung cancer. *J Huazhong Univ Sci Technol Med Sci*, 2008, 28(6): 674-676.
 - 33 Wu SW, Cheng ZN, Yu L, et al. Expression of CD82/KAI1 and HIF-1alpha in non-small cell lung cancer and their relationship to vasculogenic mimicry. *Zhongguo Fei Ai Za Zhi*, 2011, 14(12): 918-925. [武世伍, 承泽农, 俞岚, 等. CD82/KAI1和HIF-1α在非小细胞肺癌中的表达及其与血管生成拟态的关系. 中国肺癌杂志, 2011, 14(12): 918-925.]
 - 34 Wang XH, Cavell BE, Syed Alwi SS, et al. Inhibition of hypoxia inducible factor by phenethyl isothiocyanate. *Biochem Pharmacol*, 2009, 78(3): 261-272.
 - 35 Wong CC, Zhang H, Gilkes DM, et al. Inhibitors of hypoxia-inducible factor 1 block breast cancer metastatic niche formation and lung metastasis. *J Mol Med*, 2012. [Epub ahead of print]
 - 36 Choi HJ, Song BJ, Gong YD, et al. Rapid degradation of hypoxia-inducible factor-1alpha by KRH102053, a new activator of prolyl hydroxylase 2. *Br J Pharmacol*, 2008, 154(1): 114-125.
 - 37 Nepal M, Gong YD, Park YR, et al. An activator of PHD2, KRH102140, decreases angiogenesis via inhibition of HIF-1α. *Cell Biochem Funct*, 2011, 29(2): 126-134.
 - 38 Choi YJ, Rho JK, Lee SJ, et al. HIF-1alpha modulation by topoisomerase inhibitors in non-small cell lung cancer cell lines. *Cancer Res Clin Oncol*, 2009, 135(8): 1047-1053.
 - 39 Lin HH, Tsai CW, Chou FP, et al. Andrographolide down-regulates hypoxia-inducible factor-1α in human non-small cell lung cancer A549 cells. *Toxicol Appl Pharmacol*, 2011, 250(3): 336-345.
 - 40 Jacoby JJ, Erez B, Korshunova MV, et al. Treatment with HIF-1alpha antagonist PX-478 inhibits progression and spread of orthotopic human small cell lung cancer and lung adenocarcinoma in mice. *J Thorac Oncol*, 2010, 5(7): 940-949.
 - 41 Chen B, Yiping S, Ni J. Rapamycin decreases survivin expression to induce NSCLC cell apoptosis under hypoxia through inhibiting HIF-1α induction. *Mol Biol Rep*, 2012, 39(1): 185-191.

- 42 Kamlah F, Eul BG, Li S, et al. Intravenous injection of siRNA directed against hypoxia-inducible factors prolongs survival in a Lewis lung carcinoma cancer model. *Cancer Gene Ther*, 2009, 16(3): 195-205.
- 43 Jiang JH, Wang ZR, Jiang L, et al. Mechanism of anti-tumor effect of HIF-1alpha silencing on cervical cancer in nude mice. *Zhonghua Zhong Liu Za Zhi*, 2009, 31(11): 820-825.
- 44 Hubert A, Paris S, Piret JP, et al. Casein kinase 2 inhibition decreases hypoxia-inducible factor-1 activity under hypoxia through elevated p53 protein level. *J Cell Sci*, 2006, 119(16): 3351-3362.
- 45 Zawacka-Pankau J, Grinkevich VV, Hünten S, et al. Inhibition of glycolytic enzymes mediated by pharmacologically activated p53: targeting Warburg effect to fight cancer. *J Biol Chem*, 2011, 286(48): 41600-41615.
- 46 Wood IS, Trayhurn P. Glucose transporters (GLUT and SGLT): expanded families of sugar transport proteins. *Br J Nutr*, 2003, 89(1): 3-9.
- 47 Hoskin PJ, Sibtain A, Daley FM, et al. GLUT1 and CAIX as intrinsic markers of hypoxia in bladder cancer: relationship with vascularity and proliferation as predictors of outcome of ARCON. *Br J Cancer*, 2003, 89(7): 1290-1297.
- 48 Ozerlat I. Kidney cancer: targeted therapy of glucose uptake via GLUT1 kills RCC cells. *Nat Rev Urol*, 2011, 8(9): 471.
- 49 Pinheiro C, Sousa B, Albergaria A, et al. GLUT1 and CAIX expression profiles in breast cancer correlate with adverse prognostic factors and MCT1 overexpression. *Histol Histopathol*, 2011, 26(10): 1279-1286.
- 50 Li QQ, Sun YP, Ruan CP, et al. Cellular prion protein promotes glucose uptake through the Fyn-HIF-2alpha-Glut1 pathway to support colorectal cancer cell survival. *Cancer Sci*, 2011, 102(2): 400-406.
- 51 Williams KJ, Telfer BA, Airley RE, et al. A protective role for HIF-1 in response to redox manipulation and glucose deprivation: implications for tumorigenesis. *Oncogene*, 2002, 21(2): 282-290.
- 52 Younes M, Brown RW, Stephenson M, et al. Overexpression of Glut1 and Glut3 in stage I non-small cell lung carcinoma is associated with poor survival. *Cancer*, 1997, 80(6): 1046-1051.
- 53 Sasaki H, Shitara M, Yokota K, et al. Overexpression of GLUT1 correlates with *Kras* mutations in lung carcinomas. *Mol Med Report*, 2012, 5(3): 599-602.
- 54 Kaira K, Okumura T, Nakagawa K, et al. MUC1 Expression in Pulmonary Metastatic Tumors: A Comparison of Primary Lung Cancer. *Pathol Oncol Res*, 2012, 18(2): 439-447.
- 55 Macheda ML, Rogers S, Best JD. Molecular and cellular regulation of glucose transporter (GLUT) proteins in cancer. *J Cell Physiol*, 2005, 202(3): 654-662.
- 56 Subbarayan PR, Wang PG, Lampidis TJ, et al. Differential expression of Glut 1 mRNA and protein levels correlates with increased sensitivity to the glyco-conjugated nitric oxide donor (2-glu-SNAP) in different tumor cell types. *J Chemother*, 2008, 20(1): 106-111.
- 57 Wardell SE, Ilkayeva OR, Wieman HL, et al. Glucose metabolism as a target of histone deacetylase inhibitors. *Mol Endocrinol*, 2009, 23(3): 388-401.
- 58 Cao X, Fang L, Gibbs S, et al. Glucose uptake inhibitor sensitizes cancer cells to daunorubicin and overcomes drug resistance in hypoxia. *Cancer Chemother Pharmacol*, 2007, 59(4): 495-505.
- 59 Lemoine M, Derenzini E, Buglio D, et al. The pan-deacetylase inhibitor panobinostat induces cell death and synergizes with everolimus in Hodgkin lymphoma cell lines. *Blood*, 2012. [Epub ahead of print]
- 60 Gillespie DL, Whang K, Ragel BT, et al. Silencing of hypoxia inducible factor-1alpha by RNA interference attenuates human glioma cell growth *in vivo*. *Clin Cancer Res*, 2007, 13(8): 2441-2448.

(收稿: 2012-03-20 修回: 2012-03-26)

(本文编辑 孙丹)

• 启事 •

《中国肺癌杂志》免收作者审稿费声明

为缩短审稿周期,加快文章发表速度,扩大本刊学术影响,经研究决定,自2008年4月20日起,《中国肺癌杂志》免除所有作者审稿费。本刊专家审稿费用仍照常发放,由本刊承担相关支出。

所有投稿作者仅需提供单位介绍信和基金证明即可。

为了方便作者投稿、专家审稿及提高编辑部工作效率和管理水平,本刊将采用在线投稿方式。

投稿网址 中文 <http://mc03.manuscriptcentral.com/cjlc>

英文 <http://mc03.manuscriptcentral.com/lc>

详情可以访问本刊网站: www.lungca.org

或E-mail编辑: cnlungca@gmail.com; cnlungca@yahoo.com.cn

来电垂询: 022-27219052/27219219