

Additional file 1.*Table 1*

The list of the most up- or down-regulated genes (log2fold >1, p<0.001),
detected in RNA-seq results

ENSEMBL	GENEID	log2FoldChange	pvalue
ENSG00000151014	NOCT	1.1278659623439	0.000941606267027992
ENSG00000120833	SOCS2	2.0504468752887	0.00092593130547183
ENSG00000112276	BVES	1.26769850568987	0.000881935966655393
ENSG00000174628	IQCK	1.06819366457118	0.000872913918491421
ENSG00000213949	ITGA1	1.2442292902673	0.000845922945581372
ENSG00000169660	HEXD	1.19111853140118	0.000777708952185828
ENSG00000120156	TEK	1.00645945481703	0.000764242274015411
ENSG00000248371	LINC02056	5.10761348327503	0.000749490407715721
ENSG00000147180	ZNF711	1.16002758881779	0.000682808020990383
ENSG00000272666	LOC105373098	5.75400633674126	0.000605936922427521
ENSG00000134516	DOCK2	1.37457361994248	0.00060453797043174
ENSG00000151572	ANO4	2.7909616184794	0.000556568060765207
ENSG00000234390	USP27X-AS1	5.68652655694973	0.000546610645622212
ENSG00000197520	FAM177B	3.61881536144924	0.00052555557176319
ENSG00000012211	PRICKLE3	1.15101120036533	0.000501699202569791
ENSG00000155324	GRAMD2B	1.07450183666277	0.000495487506614399
ENSG00000069696	DRD4	4.33131172018853	0.000470855317357136
ENSG00000135929	CYP27A1	1.93014740427748	0.000463256192845908
ENSG00000054690	PLEKHH1	1.98371931424119	0.000412316185557409
ENSG00000083067	TRPM3	4.85311860642595	0.000379590288876007
ENSG00000141837	CACNA1A	1.49809899618035	0.000364068448288353
ENSG00000164674	SYTL3	1.48831686349051	0.00036259813345302
ENSG00000073849	ST6GAL1	1.54683690854983	0.000348003377386205
ENSG00000227028	SLC8A1-AS1	3.56401634012482	0.000306542346817078
ENSG00000269720	CCDC194	5.54020576121654	0.000305162049503625
ENSG00000090376	IRAK3	1.06980346573454	0.000284792508919551
ENSG00000170745	KCNS3	2.1319759716617	0.000283466283646417
ENSG00000117594	HSD11B1	3.85619421956538	0.000281048504041834
ENSG00000250133	HOXC-AS2	1.81024466883612	0.000253581708757258
ENSG00000161921	CXCL16	3.49048190574275	0.000222386303728324
ENSG00000118946	PCDH17	5.84808942136331	0.000199908013971467
ENSG00000224577	LINC01117	5.04724463484312	0.000198777205125794
ENSG00000053747	LAMA3	2.25270520587294	0.000192076190728554
ENSG00000140379	BCL2A1	2.91031562939355	0.000172775943172152
ENSG00000168010	ATG16L2	1.18859147385287	0.00014312617449048
ENSG00000106034	CPED1	1.09719949942388	0.000138266126744213
ENSG00000168961	LGALS9	1.75241146131657	0.000129694116261419
ENSG00000137203	TFAP2A	2.43225794815518	0.000122443521309763
ENSG00000241106	HLA-DOB	5.95615147227474	0.000119654036084881

ENSG00000100336	APOL4	4.37291096759825	0.000119019233308413
ENSG00000065320	NTN1	3.63373522454441	0.000118874086667775
ENSG00000080561	MID2	1.19314950658134	0.000116677218432945
ENSG00000105246	EBI3	4.65519490007117	0.000115460842292837
ENSG00000183421	RIPK4	5.65774408742871	0.000103046279713727
ENSG00000137462	TLR2	4.65264944086634	0.000101953341654442
ENSG00000167995	BEST1	1.30849337694627	9.55249378992441e-05
ENSG00000234883	MIR155HG	2.20948996512214	9.45330346337193e-05
ENSG00000115363	EVA1A	1.12706487110817	7.78063752723867e-05
ENSG00000251136	LOC101929709	1.19704217109422	7.38367933573985e-05
ENSG00000081803	CADPS2	1.95663986604037	7.29847719868878e-05
ENSG00000277462	ZNF670	1.630223099331	6.71408570805932e-05
ENSG00000177294	FBXO39	6.15231808736946	6.57549497357355e-05
ENSG00000196371	FUT4	1.08427601015209	6.16208881480929e-05
ENSG00000070961	ATP2B1	1.04272359643985	5.71865658791953e-05
ENSG00000175592	FOSL1	1.27012181494185	4.99156686918105e-05
ENSG00000182022	CHST15	2.14265857476084	4.93896088396958e-05
ENSG00000196843	ARID5A	1.45391672599454	4.92119843533804e-05
ENSG00000182957	SPATA13	1.34136763437233	4.74736199936601e-05
ENSG00000137266	SLC22A23	1.59401184358631	4.69346807705999e-05
ENSG00000172403	SYNPO2	1.88375465924773	4.06901016432123e-05
ENSG00000163554	SPTA1	6.28128178800481	3.91663045726822e-05
ENSG00000170340	B3GNT2	1.09184768584566	3.52864898404501e-05
ENSG00000003400	CASP10	1.79785895983865	3.34668480026689e-05
ENSG00000164877	MICALL2	1.23012389303661	2.92895228209296e-05
ENSG00000196358	NTNG2	1.54004113425707	2.83553812630185e-05
ENSG00000157368	IL34	3.27284523559915	2.32298602546096e-05
ENSG00000149131	SERPING1	2.99816285273425	2.09122514181614e-05
ENSG00000172817	CYP7B1	5.94594085491614	1.93519983374156e-05
ENSG00000152229	PSTPIP2	1.44223246677122	1.87738447242821e-05
ENSG00000103642	LACTB	1.09635226407969	1.84027189529928e-05
ENSG00000119698	PPP4R4	4.7893405807233	1.81052454062622e-05
ENSG00000100918	REC8	2.13994080108997	1.72112785107364e-05
ENSG00000132357	CARD6	1.75164294501212	1.56967822859369e-05
ENSG00000183831	ANKRD45	6.48064595114872	1.55679223304786e-05
ENSG00000008516	MMP25	6.61831673269453	1.52805453288794e-05
ENSG00000141682	PMAIP1	2.40108152931267	1.44651638711117e-05
ENSG00000090530	P3H2	1.12983889113685	1.29861079199562e-05
ENSG00000166073	GPR176	1.02640001311676	1.24687066820861e-05
ENSG00000133687	TMTC1	1.83555693253374	1.2402800760349e-05
ENSG00000144596	GRIP2	5.07969473457076	1.18326908549239e-05
ENSG00000164308	ERAP2	2.68969370017518	1.1711534359991e-05
ENSG00000185338	SOCS1	1.59397550164824	1.09598818915826e-05
ENSG00000183153	GJD3	6.09455786491865	1.0135895224872e-05
ENSG00000150630	VEGFC	1.7680930959059	9.40487644094026e-06
ENSG00000183347	GBP6	6.075360528626	9.25868867089312e-06

ENSG00000129595	EPB41L4A	3.24319452332398	8.36958506742457e-06
ENSG00000146006	LRRTM2	1.46116126219596	7.70310100556427e-06
ENSG00000165949	IFI27	5.11257082515827	7.18756755822948e-06
ENSG00000108342	CSF3	6.83850590308535	6.68128330463516e-06
ENSG00000148344	PTGES	1.88510658783374	6.46019938902115e-06
ENSG00000006210	CX3CL1	6.67219124827696	5.99252516676366e-06
ENSG00000137727	ARHGAP20	1.33122561728959	5.90858521240159e-06
ENSG00000147647	DPYS	5.66654971195784	5.15291164108269e-06
ENSG00000166016	ABTB2	1.16352814188477	4.85188379831507e-06
ENSG00000170365	SMAD1	1.0759143876213	4.7740405865802e-06
ENSG00000204287	HLA-DRA	6.65806446828281	4.65051120065226e-06
ENSG00000185404	SP140L	1.07002812087803	4.52812071305236e-06
ENSG00000135373	EHF	7.19607634676399	4.15191261338528e-06
ENSG00000164136	IL15	1.63155562141585	3.70246886984201e-06
ENSG00000213928	IRF9	3.07438274768115	3.38981985955086e-06
ENSG00000134198	TSPAN2	3.0342609795147	3.26776080184334e-06
ENSG00000105499	PLA2G4C	3.70788407651592	2.91394126011873e-06
ENSG00000073331	ALPK1	1.1865134303131	2.88381584330362e-06
ENSG00000272269	LOC105374952	3.65152643181874	2.45711892962567e-06
ENSG00000112137	PHACTR1	2.96683037821465	2.1531990231917e-06
ENSG00000131669	NINJ1	1.18901683767125	2.14226759332733e-06
ENSG00000181804	SLC9A9	1.67259301891651	2.10665116648107e-06
ENSG00000110693	SOX6	1.79072340704559	1.76670280195522e-06
ENSG00000144810	COL8A1	1.18339036290575	1.57923974588387e-06
ENSG00000137842	TMEM62	1.10744714124339	1.4447544626929e-06
ENSG00000107968	MAP3K8	1.67474676793659	1.3763109853634e-06
ENSG00000111424	VDR	1.09488937514724	1.1982731127491e-06
ENSG00000151611	MMAA	1.15860371762013	1.16819215905396e-06
ENSG00000197191	CYSRT1	5.77537470809513	1.09294691444009e-06
ENSG00000254087	LYN	1.2500257418608	1.03136949066006e-06
ENSG00000060491	OGFR	1.02069286379042	9.37756358720795e-07
ENSG00000158859	ADAMTS4	1.12749834554628	8.57043331350195e-07
ENSG00000141052	MYOCD	1.54621110008814	8.42442441756778e-07
ENSG00000173626	TRAPPC3L	5.57976298900865	8.41955202869956e-07
ENSG00000101017	CD40	3.35949984471495	5.05453978550234e-07
ENSG00000143387	CTSK	1.72108693676258	4.69795586466678e-07
ENSG00000118849	RARRES1	1.83302164147269	4.66339068112077e-07
ENSG00000134954	ETS1	1.06658746342803	3.54068351056387e-07
ENSG00000221926	TRIM16	1.25300656126187	3.38102865976997e-07
ENSG00000136514	RTP4	4.77320370976851	3.36094743393453e-07
ENSG00000187764	SEMA4D	2.42390578916788	3.06199439090422e-07
ENSG00000153993	SEMA3D	1.5243007729297	2.32045634482412e-07
ENSG00000163734	CXCL3	2.53546796761968	1.97243052889509e-07
ENSG00000168404	MLKL	1.11839093955446	1.96357139430883e-07
ENSG00000146232	NFKBIE	2.7525921056669	1.70742217232938e-07
ENSG00000096996	IL12RB1	5.11497241119248	1.67261455426381e-07

ENSG00000197635	DPP4	1.14732612562478	1.62373258763165e-07
ENSG00000138646	HERC5	5.53408932595714	1.58688286956104e-07
ENSG00000079335	CDC14A	1.34926078613695	1.54384942075992e-07
ENSG00000106829	TLE4	1.2429336769055	1.53041492837019e-07
ENSG00000177674	AGTRAP	1.15854419741217	9.76749706361301e-08
ENSG00000204261	PSMB8-AS1	2.9187292301527	8.7033244794255e-08
ENSG00000120217	CD274	3.50441066658639	7.28256554331136e-08
ENSG00000197977	ELOVL2	2.15278429984613	6.9357693251954e-08
ENSG00000143106	PSMA5	1.0144309567635	6.36117032255105e-08
ENSG00000198832	SELENOM	1.20548982698604	4.79915137353293e-08
ENSG00000206337	HCP5	5.0054616014583	4.6139418707416e-08
ENSG00000125430	HS3ST3B1	2.22259322607863	4.51339200763381e-08
ENSG00000110492	MDK	1.0205373786236	4.30547858992214e-08
ENSG00000028277	POU2F2	1.20386759678885	3.88682693753501e-08
ENSG00000099998	GGT5	1.6241020996559	3.72670574607758e-08
ENSG00000185507	IRF7	2.52337725077893	3.09658025111597e-08
ENSG00000136490	LIMD2	1.84135658948879	2.51856381295555e-08
ENSG00000130066	SAT1	1.41829266603941	2.23734515832838e-08
ENSG00000102554	KLF5	1.89572730638731	2.17060183367843e-08
ENSG00000181617	FDCSP	8.93108257176734	2.02521854299574e-08
ENSG00000168016	TRANK1	1.57741127203515	1.94465183089933e-08
ENSG00000108771	DHX58	2.74957085395859	1.48757218626855e-08
ENSG00000128203	ASPHD2	2.03722153349538	1.4826371426773e-08
ENSG00000178860	MSC	3.14244301969032	1.40607320788539e-08
ENSG00000204397	CARD16	1.67992869980284	1.30529203920258e-08
ENSG00000243811	APOBEC3D	3.02088495184325	1.27487620773326e-08
ENSG00000163347	CLDN1	6.23551366898877	1.18133880918729e-08
ENSG00000111266	DUSP16	1.3342383497992	1.05242783449059e-08
ENSG00000120526	NUDCD1	1.00755651450974	9.89791414799214e-09
ENSG00000158773	USF1	1.00573198096931	7.56936951622328e-09
ENSG00000154721	JAM2	2.25422683762138	6.80366374836027e-09
ENSG00000050730	TNIP3	2.8124374885313	6.78377765307773e-09
ENSG00000124549	BTN2A3P	1.37691896018362	6.46072578673332e-09
ENSG00000110330	BIRC2	1.01615276712489	5.08928299476638e-09
ENSG00000127191	TRAF2	1.41941150093064	4.96517377373328e-09
ENSG00000204516	MICB	1.7879903128343	2.43303895836806e-09
ENSG00000158286	RNF207	1.94779864865561	1.9452599188378e-09
ENSG00000133805	AMPD3	1.30985979130581	1.93143382700073e-09
ENSG00000116194	ANGPTL1	1.93858318596754	1.85072427389887e-09
ENSG00000171729	TMEM51	1.46644347322614	1.74743963367901e-09
ENSG00000066583	ISOC1	1.02407872997122	1.4607558555401e-09
ENSG00000133321	PLAAT4	5.71749441476515	1.36563297725199e-09
ENSG00000205885	C1RL-AS1	1.34482919307702	1.17182276135021e-09
ENSG00000132003	ZSWIM4	1.37871250931537	1.07921122409636e-09
ENSG00000159128	IFNGR2	1.01731285443956	1.06709930506368e-09
ENSG00000144837	PLA1A	7.26617198990162	1.02015020201019e-09

ENSG00000160932	LY6E	1.08400124521356	9.79693116167539e-10
ENSG00000105835	NAMPT	1.22025376438586	6.29229101699105e-10
ENSG00000136052	SLC41A2	1.33088371526975	5.07768740423392e-10
ENSG00000172575	RASGRP1	6.60385931664907	4.69034441211705e-10
ENSG00000028137	TNFRSF1B	2.35910485425244	4.2838686936928e-10
ENSG00000166801	FAM111A	1.01675625353296	3.9644074898318e-10
ENSG00000134321	RSAD2	6.11822718391184	3.85812488516928e-10
ENSG00000104312	RIPK2	1.782336870373	3.16340071511561e-10
ENSG00000125730	C3	6.56607126153943	2.94518189268112e-10
ENSG00000169621	APLF	1.40504285164764	2.84073201591277e-10
ENSG00000142961	MOB3C	1.44922701925155	2.70309073395658e-10
ENSG00000206190	ATP10A	1.77668896662561	2.56847483182715e-10
ENSG00000166920	C15orf48	6.93549275893957	2.50060063835134e-10
ENSG00000125826	RBCK1	1.02674983771313	1.98295148365357e-10
ENSG00000137571	SLCO5A1	4.54483925810326	1.57942738404537e-10
ENSG00000205413	SAMD9	1.90329653498227	1.53263270011893e-10
ENSG00000135905	DOCK10	1.19967111782259	1.49372869202019e-10
ENSG00000152689	RASGRP3	6.30903744025233	1.46837182812064e-10
ENSG00000105639	JAK3	2.40365148737099	1.29133729601067e-10
ENSG00000164430	CGAS	1.39470412061381	1.26095607162617e-10
ENSG00000138685	FGF2	1.36007699319376	1.19848461031997e-10
ENSG00000123992	DNPEP	1.41583421663187	1.1907864439607e-10
ENSG00000120337	TNFSF18	7.03987862046234	1.12225258964721e-10
ENSG00000168899	VAMP5	1.65553748029281	1.04038048887784e-10
ENSG00000126561	STAT5A	1.65663780003344	1.02970147437136e-10
ENSG00000114423	CBLB	1.18743131507798	1.00337702200949e-10
ENSG00000197646	PDCD1LG2	2.07620507117494	7.98871095195003e-11
ENSG00000198604	BAZ1A	1.02754989641957	5.20512871555755e-11
ENSG00000183486	MX2	3.13467430794919	5.15846468980879e-11
ENSG00000058866	DGKG	5.64762648124016	3.91137852007211e-11
ENSG00000173114	LRRN3	4.14968996404837	3.6317234977939e-11
ENSG00000171608	PIK3CD	1.37842712554253	3.36118633829508e-11
ENSG00000134326	CMPK2	5.75015356758205	2.69722698486412e-11
ENSG00000146859	TMEM140	4.81410685604932	2.54370036983785e-11
ENSG00000178882	RFLNA	2.4565072972565	2.33939786106637e-11
ENSG00000105339	DENND3	1.45343210913477	1.95914702058689e-11
ENSG00000121858	TNFSF10	7.3271914285067	1.60968627569017e-11
ENSG00000135114	OASL	5.28826082397122	1.36405569707464e-11
ENSG00000130487	KLHDC7B	6.03109319240224	1.31085060091526e-11
ENSG00000137124	ALDH1B1	1.25552944494615	1.19037120627347e-11
ENSG00000136244	IL6	4.61689708836973	1.15160816040538e-11
ENSG00000136205	TNS3	1.36179259444956	1.11949966875886e-11
ENSG00000172183	ISG20	3.90014177032716	8.70844167709546e-12
ENSG00000165895	ARHGAP42	1.37414979848543	8.1354866228441e-12
ENSG00000081041	CXCL2	2.73144430961171	5.80757080886226e-12
ENSG00000029153	ARNTL2	1.28726613192655	5.1665975870197e-12

ENSG00000128849	CGNL1	2.11721332014202	4.74064564157173e-12
ENSG00000128284	APOL3	4.15329860268324	4.41197468946912e-12
ENSG00000166881	NEMP1	1.2162476054723	3.69859515179937e-12
ENSG00000166592	RRAD	5.62508713263	2.83524701866438e-12
ENSG00000049249	TNFRSF9	5.33857062373063	2.60010492204827e-12
ENSG00000120498	TEX11	7.74664746498842	1.78405263514864e-12
ENSG00000117069	ST6GALNAC5	1.59553185750491	1.483707271110906e-12
ENSG00000065060	UHRF1BP1	1.33193362966923	1.0319553413438e-12
ENSG00000179583	CIITA	6.78245007932864	9.22537431287347e-13
ENSG00000122877	EGR2	3.19159329173212	8.37304609387647e-13
ENSG00000139192	TAPBPL	2.60935668435578	8.25554353079251e-13
ENSG00000048052	HDAC9	2.95676840448643	7.21115963147975e-13
ENSG00000172123	SLFN12	1.19871068774138	5.19661027963124e-13
ENSG00000163755	HPS3	1.04856293151449	4.24674293825216e-13
ENSG00000154655	L3MBTL4	7.06155880656404	3.47156484805914e-13
ENSG00000100985	MMP9	8.74553542752449	2.98226941636726e-13
ENSG00000132481	TRIM47	2.99660862375441	2.76911554666615e-13
ENSG00000165806	CASP7	1.23459702364813	2.41171948556613e-13
ENSG00000167191	GPRC5B	3.38487699144013	2.39658351192062e-13
ENSG00000110218	PANX1	1.13016544358406	2.00513572435935e-13
ENSG00000168062	BATF2	5.44376901921291	1.80616110886107e-13
ENSG00000138448	ITGAV	1.09970190273615	1.1687988979183e-13
ENSG00000138435	CHRNA1	5.99006997287951	9.73553446385992e-14
ENSG00000088387	DOCK9	1.36332573786816	8.82747394392679e-14
ENSG00000164619	BMPER	1.37438775963337	5.70686477701797e-14
ENSG00000155465	SLC7A7	2.70386733335155	4.52155348260249e-14
ENSG00000119714	GPR68	3.17588340158559	3.20829419700247e-14
ENSG00000197721	CR1L	7.75608991362372	3.06960577801282e-14
ENSG00000167034	NKX3-1	3.32782041930788	2.93784181477859e-14
ENSG00000137767	SQOR	1.85603901389398	1.73637438250042e-14
ENSG00000180628	PCGF5	1.42644406788667	1.60616801337235e-14
ENSG00000168386	FILIP1L	1.88668906494412	1.00298768395348e-14
ENSG00000115008	IL1A	2.46787282008439	9.96563065296521e-15
ENSG00000085449	WDFY1	1.01797453254496	7.49594032805924e-15
ENSG00000145147	SLIT2	1.1417857260431	5.93283002898002e-15
ENSG00000136732	GYPC	1.20553046826866	3.85112154540324e-15
ENSG00000178685	PARP10	3.24319884277265	3.57191008075201e-15
ENSG00000185245	GP1BA	7.24219386170273	3.56043889024305e-15
ENSG00000168310	IRF2	1.07270759976747	2.39205637025769e-15
ENSG00000117586	TNFSF4	2.45787875154554	2.37699700584617e-15
ENSG00000185885	IFITM1	3.81942266976714	2.37502195403698e-15
ENSG00000186470	BTN3A2	1.93998114154565	2.36327086024061e-15
ENSG00000196739	COL27A1	1.33868994294433	2.23076410840349e-15
ENSG00000104320	NBN	1.21034930348623	2.10895664501257e-15
ENSG00000213886	UBD	7.68367061472836	1.83616707157697e-15
ENSG00000116663	FBXO6	2.99671315260107	1.40588176585438e-15

ENSG00000155629	PIK3AP1	5.19486531045649	1.30354074545694e-15
ENSG00000122515	ZMIZ2	1.07001694790357	1.20129597382369e-15
ENSG00000085662	AKR1B1	1.70641078744884	1.03646189650011e-15
ENSG00000162772	ATF3	3.21283385603815	9.90081914929569e-16
ENSG00000130303	BST2	5.66076385485507	9.4470286077385e-16
ENSG00000161791	FMNL3	1.20308594181872	9.3283227310742e-16
ENSG00000104518	GSDMD	1.70726727573876	7.06765382657383e-16
ENSG00000136436	CALCOCO2	1.10152701552797	6.43943784826758e-16
ENSG00000114270	COL7A1	1.93161261713768	3.96771315590885e-16
ENSG00000155363	MOV10	1.3311626266151	3.93262734223342e-16
ENSG00000131378	RFTN1	1.05193813720617	3.43445246457531e-16
ENSG00000140511	HAPLN3	4.71439614965591	1.41118316420185e-16
ENSG00000154451	GBP5	9.48026120845911	8.19159836042755e-17
ENSG00000138411	HECW2	2.48508341324228	3.64456122264258e-17
ENSG00000196954	CASP4	1.04630521573991	3.44184695375514e-17
ENSG00000106785	TRIM14	1.79676143920438	2.96812395683679e-17
ENSG00000041357	PSMA4	1.34961664462438	2.93859575287364e-17
ENSG00000096968	JAK2	1.59188391980916	2.7866256816184e-17
ENSG00000132109	TRIM21	2.04971096286219	1.47846633519857e-17
ENSG00000169429	CXCL8	4.42780527247209	9.86048478350815e-18
ENSG00000177989	ODF3B	4.19635973249736	8.44650252527789e-18
ENSG00000131979	GCH1	4.65045907188508	7.00133161120451e-18
ENSG00000106366	SERPINE1	1.82522893693592	4.84948143371885e-18
ENSG00000004468	CD38	7.78548990787374	4.32497991764467e-18
ENSG00000134470	IL15RA	5.76611436037966	2.49516201903104e-18
ENSG00000111859	NEDD9	2.2289215550746	2.16307848324986e-18
ENSG00000167996	FTH1	1.32905670583257	2.15505265788208e-18
ENSG00000108679	LGALS3BP	1.20798635797181	1.16875098526872e-18
ENSG00000186088	GSAP	3.23968636029088	1.00766794450914e-18
ENSG00000079385	CEACAM1	8.46056838700829	8.54062454282667e-19
ENSG00000183722	LHFPL6	1.38170873956405	6.66222172363344e-19
ENSG00000055332	EIF2AK2	1.19375125679434	5.19574084350167e-19
ENSG00000205220	PSMB10	4.19670129496256	5.1273880630489e-19
ENSG00000102524	TNFSF13B	3.76974237643683	4.96583426381239e-19
ENSG00000056558	TRAF1	4.01183101542365	4.92323597845198e-19
ENSG00000157873	TNFRSF14	3.97176414580032	2.61651940374175e-19
ENSG00000125538	IL1B	2.38201418278132	2.21128564619922e-19
ENSG00000166750	SLFN5	1.29780097096986	1.909578494193e-19
ENSG00000129667	RHBDF2	2.19420216627218	1.14920347211113e-19
ENSG00000130813	SHFL	1.68879340266814	8.01714752812414e-20
ENSG00000239713	APOBEC3G	2.65968132583354	7.97112659409191e-20
ENSG00000181381	DDX60L	2.17188587028225	5.99456424364974e-20
ENSG00000041982	TNC	2.30343798581791	4.72575698229605e-20
ENSG00000173391	OLR1	8.35685965677046	2.94075991295605e-20
ENSG00000145365	TIFA	2.1188973131453	2.37315067994406e-20
ENSG00000100647	SUSD6	1.93120688249085	1.54459620801828e-20

ENSG00000184979	USP18	3.87621790992504	1.04240620739015e-20
ENSG00000196116	TDRD7	1.71802199749789	5.81628519027628e-21
ENSG00000109790	KLHL5	1.10099962804017	5.53414044095343e-21
ENSG00000154175	ABI3BP	2.92720385695161	4.40054409328974e-21
ENSG00000104951	IL4I1	8.54663807012643	1.29947671161656e-22
ENSG00000204525	HLA-C	2.66012063242909	4.45861803196722e-23
ENSG00000104635	SLC39A14	1.49038047237895	3.67740136682372e-23
ENSG00000136147	PHF11	2.08521745543431	1.54818294250703e-23
ENSG00000089127	OAS1	10.2479365936309	8.33155352855343e-24
ENSG00000170873	MTSS1	2.79763054905567	7.51132082625029e-24
ENSG00000155287	SLC25A28	1.85168642903826	5.16089690176982e-24
ENSG00000169871	TRIM56	1.34040176382548	4.1792077225957e-24
ENSG00000141574	SECTM1	4.22856426013323	3.95499780540876e-24
ENSG00000145779	TNFAIP8	1.92823770262946	3.45123172029808e-24
ENSG00000128641	MYO1B	1.1048948027327	1.9751054056828e-24
ENSG00000135148	TRAFD1	1.85716454310051	1.76120883304752e-24
ENSG00000112149	CD83	5.16501131990299	1.01998133566297e-24
ENSG00000010030	ETV7	8.27152203554633	5.12878156560055e-25
ENSG00000187608	ISG15	3.22153574195408	2.71909214884911e-25
ENSG00000163874	ZC3H12A	2.40680740956907	2.66721727242909e-25
ENSG00000151883	PARP8	1.78163542343281	7.13567272780975e-26
ENSG00000159110	IFNAR2	2.03669402966012	2.37943349741837e-26
ENSG00000013374	NUB1	1.60872537470465	2.09893100477241e-26
ENSG00000188313	PLSCR1	2.2702778246311	5.32269417706003e-27
ENSG00000173821	RNF213	1.55152676469332	4.54774957818856e-27
ENSG00000000971	CFH	1.97470217046361	2.92832445301866e-27
ENSG00000134070	IRAK2	2.86927505730572	2.18866616854532e-27
ENSG00000131203	IDO1	12.1983294435231	3.44091464756629e-28
ENSG00000185745	IFIT1	3.93037407860801	3.2831333447801e-28
ENSG00000113583	C5orf15	1.31217638194296	1.97972386289243e-28
ENSG00000138642	HERC6	3.97252207071333	1.27595830209767e-28
ENSG00000185650	ZFP36L1	1.23087793090158	6.94368747005189e-29
ENSG00000263528	IKBKE	1.93237838567358	4.4604669284629e-29
ENSG00000163735	CXCL5	4.68405568627085	3.47358567347839e-29
ENSG00000083799	CYLD	1.46155954808041	1.19110826634327e-29
ENSG00000204267	TAP2	3.12541688042484	4.38529601783333e-30
ENSG00000113504	SLC12A7	2.17816290131313	6.61945183852253e-31
ENSG00000225492	GBP1P1	7.81320288956448	6.42032069188467e-31
ENSG00000166889	PATL1	1.45966756865022	1.38275899227265e-31
ENSG00000152778	IFIT5	2.13488599654879	7.01927045901142e-32
ENSG00000163131	CTSS	9.18577257817935	3.50765939665501e-32
ENSG00000123609	NMI	2.58097487893455	3.16087004843448e-32
ENSG00000130589	HELZ2	2.56289422664009	2.70065661077673e-32
ENSG00000003402	CFLAR	1.63579536154302	1.01364133680998e-32
ENSG00000114127	XRN1	1.39001843124391	6.13760961421964e-33
ENSG00000138755	CXCL9	13.2921418102202	1.85682277346774e-33

ENSG00000170581	STAT2	2.09917701409114	1.68583841278615e-33
ENSG00000067066	SP100	1.54345028393048	1.35327477451865e-33
ENSG00000124226	RNF114	1.32554093827002	9.04377699190007e-34
ENSG00000197142	ACSL5	10.0085187449485	5.99602044383844e-34
ENSG00000256043	CTSO	2.10226747525224	2.81017700874576e-34
ENSG00000109320	NFKB1	1.98545103347661	2.21667429058999e-34
ENSG00000168685	IL7R	3.93020112702902	3.23298977849887e-35
ENSG00000180616	SSTR2	10.1940646234242	2.14984184997327e-35
ENSG00000117226	GBP3	2.59869323376708	4.21871829332863e-36
ENSG00000059378	PARP12	3.16344416674437	1.58828260795694e-36
ENSG00000163545	NUAK2	3.17476950276546	1.48870645599373e-36
ENSG00000162645	GBP2	5.12178224306299	1.31426864829254e-36
ENSG00000019582	CD74	7.06181643167449	7.49593182299262e-37
ENSG00000131323	TRAF3	1.26800228023167	4.21913229562359e-38
ENSG00000158714	SLAMF8	10.3468235635817	1.89443976486202e-38
ENSG00000126709	IFI6	4.60180324277488	6.74284760295289e-39
ENSG00000137496	IL18BP	3.70961736858384	2.0047920837363e-39
ENSG00000271503	CCL5	12.2401253591528	1.29730445122524e-39
ENSG00000111335	OAS2	9.56544927728301	5.13114253532536e-40
ENSG00000121060	TRIM25	2.02281014539828	2.61860189115969e-40
ENSG00000163840	DTX3L	2.67932765221233	4.75029258164779e-41
ENSG00000111331	OAS3	4.70379604469726	4.09761159515042e-41
ENSG00000206503	HLA-A	2.80168115783592	1.20018104690302e-41
ENSG00000160710	ADAR	1.30670698928247	7.91786714022353e-42
ENSG00000185215	TNFAIP2	3.55971471162244	1.7520425548595e-42
ENSG00000006118	TMEM132A	2.08801230856396	1.04436298393905e-42
ENSG00000128335	APOL2	2.79718049526518	2.81738632846888e-43
ENSG00000116514	RNF19B	2.22769041859693	9.09307617149797e-44
ENSG00000159403	C1R	3.31815471745847	2.38115155104595e-44
ENSG00000169245	CXCL10	12.4507666366978	2.34365297427136e-44
ENSG00000136048	DRAM1	2.83910775458683	2.06181557497099e-44
ENSG00000169248	CXCL11	12.6699701869505	2.03593825612241e-45
ENSG00000137965	IFI44	3.84126303796204	1.83573182377746e-45
ENSG00000104856	RELB	3.46616112598545	2.34393326670285e-47
ENSG00000104321	TRPA1	3.35637235876021	3.00217807400477e-48
ENSG00000023445	BIRC3	7.38874300269848	2.39957399006317e-48
ENSG00000137959	IFI44L	7.0566726203028	6.27982867182864e-49
ENSG00000184371	CSF1	2.48345085761036	2.02469507244434e-49
ENSG00000160326	SLC2A6	3.38014573404184	4.21538710195832e-50
ENSG00000185880	TRIM69	2.61096192449544	2.9242473920424e-50
ENSG00000119922	IFIT2	4.51065701846977	5.28115701232775e-51
ENSG00000085117	CD82	2.84697783913871	1.36245941970539e-51
ENSG00000124201	ZNFX1	2.22608679453458	1.24854430644958e-51
ENSG00000101347	SAMHD1	2.99499505347486	1.07217176220945e-51
ENSG00000026950	BTN3A1	2.25451323135286	2.79796672336031e-52
ENSG00000137752	CASP1	3.15617171515283	2.11028072259064e-52

ENSG00000173918	C1QTNF1	3.56888385120194	8.18089839910144e-53
ENSG00000164342	TLR3	3.7638137603315	7.51788651075023e-54
ENSG00000111801	BTN3A3	2.4510290789167	5.68336026834804e-55
ENSG00000140853	NLRC5	2.40971205865313	2.13756500545443e-55
ENSG00000146457	WTAP	1.66396511027504	1.12057773811921e-56
ENSG00000204264	PSMB8	2.95897246661328	2.86162666716321e-60
ENSG00000182179	UBA7	2.79146909029159	4.43543294865818e-63
ENSG00000117228	GBP1	5.4849591278334	8.67661003387524e-64
ENSG00000092010	PSME1	2.32456571008615	2.45234257845555e-64
ENSG00000164307	ERAP1	2.39198919150681	3.30220047616486e-65
ENSG00000118503	TNFAIP3	4.08837560822987	1.57434813470824e-65
ENSG00000110446	SLC15A3	4.4245558340413	1.49632918705144e-65
ENSG00000119917	IFIT3	4.76585067325236	2.22461015981923e-66
ENSG00000145901	TNIP1	2.79712581165011	2.08542277185152e-67
ENSG00000123240	OPTN	2.24541789808995	7.75162724578911e-69
ENSG00000107201	DDX58	3.26566827381875	3.92313240483679e-69
ENSG00000100906	NFKBIA	3.13456287853344	2.93210391788634e-71
ENSG00000140464	PML	2.16354453633286	1.22881743094025e-71
ENSG00000050344	NFE2L3	2.95463052152133	1.98841429857885e-73
ENSG00000162692	VCAM1	5.03332804326892	8.30486046398411e-75
ENSG00000125347	IRF1	5.05512845635621	6.87885248019072e-75
ENSG00000132274	TRIM22	2.68936285753241	5.75460027561119e-76
ENSG00000138496	PARP9	2.99069552748706	1.61400909563963e-77
ENSG00000157601	MX1	5.57083763195883	1.92874976343526e-78
ENSG00000182326	C1S	4.1235454377124	7.77166505833095e-79
ENSG00000068079	IFI35	4.37730575003352	8.99245143075107e-80
ENSG00000115267	IFIH1	4.72791654709258	3.56460603219033e-81
ENSG00000100342	APOL1	5.26477424695378	1.78386444455822e-82
ENSG00000133106	EPSTI1	4.65526281679211	5.48342457253915e-83
ENSG00000156587	UBE2L6	2.86577078052323	1.62153555368822e-86
ENSG00000132530	XAF1	4.102424954281	3.29955550198887e-88
ENSG00000162654	GBP4	7.54104348108632	2.3080081599632e-88
ENSG00000140105	WARS1	3.35344663868919	4.19693620730509e-90
ENSG00000077150	NFKB2	2.9799789651188	2.00221518111186e-92
ENSG00000240065	PSMB9	5.5411448612068	1.2945094173056e-92
ENSG00000221963	APOL6	3.245179390496	1.63808455778275e-95 6.95169938611548e-100
ENSG00000090339	ICAM1	7.45649573388841	100
ENSG00000100911	PSME2	2.94085942094947	7.7576613378632e-101 1.22730484554262e-105
ENSG00000204592	HLA-E	2.54698204521068	105
ENSG00000108691	CCL2	4.49669596154457	1.81477857837999e-107 1.25786987934563e-115
ENSG00000137628	DDX60	3.83393209187308	115
ENSG00000112096	SOD2	4.67315542586998	6.36270444588102e-123 123

ENSG00000177409	SAMD9L	4.15856088363939	8.46806287780526e-127
ENSG00000231925	TAPBP	2.42949524723615	1.03178025723561e-127
ENSG00000166710	B2M	2.71130097266835	1.17164616417153e-132
ENSG00000002549	LAP3	3.53727103735013	2.85110428230042e-149
ENSG00000025708	TYMP	4.61870923464223	2.25882707463123e-156
ENSG00000173193	PARP14	3.68831011027336	4.21244705297921e-188
ENSG00000234745	HLA-B	5.12957393054837	3.16379099332301e-216
ENSG00000168394	TAP1	4.5538380222852	2.04449702082612e-231
ENSG00000008517	IL32	8.3130153873193	1.1608901310363e-231
ENSG00000115415	STAT1	4.38970246199904	3.78659217268625e-254
ENSG00000004776	HSPB6	-1.29609188587191	5.74185010414917e-10
ENSG00000006468	ETV1	-1.05733443121114	5.17685621827303e-10
ENSG00000010278	CD9	-1.76713748196478	5.87302647994597e-11
ENSG00000010438	PRSS3	-2.5386850182412	0.00017818689840293
ENSG00000011201	ANOS1	-2.05933943127474	1.82726489866164e-05
ENSG00000011347	SYT7	-2.64047565562867	1.8867478903155e-07
ENSG00000013588	GPRC5A	-2.40741113667698	1.37968351965679e-25
ENSG00000019991	HGF	-1.7893807875047	2.64889602411393e-10
ENSG00000042493	CAPG	-1.0928261131359	3.00032491282531e-08
ENSG00000048342	CC2D2A	-1.0194946278421	3.36900168362273e-05
ENSG00000058668	ATP2B4	-1.27699794571778	1.18538185979832e-15
ENSG00000059915	PSD	-4.1814667832563	8.18442691320732e-05
ENSG00000060656	PTPRU	-1.10919809950933	3.2189677879694e-08
ENSG00000067992	PDK3	-1.4316906914433	0.000105193907515794
ENSG00000072195	SPEG	-1.15262494115095	9.07827423203478e-06
ENSG00000074181	NOTCH3	-1.64260781969597	7.89309912512986e-12
ENSG00000076706	MCAM	-1.15372106906888	0.000716889632013674
ENSG00000085185	BCORL1	-1.06871973515412	2.79830938016938e-05
ENSG00000091409	ITGA6	-1.65095890179867	7.86060154610608e-07
ENSG00000091986	CCDC80	-1.03152438695977	6.10846455904164e-18
ENSG00000092445	TYRO3	-1.18063967559179	1.87340128552746e-05
ENSG00000095383	TBC1D2	-1.43431674943046	1.24877561439937e-11
ENSG00000099204	ABLIM1	-2.3384775833805	2.39959607116407e-09
ENSG00000099282	TSPAN15	-2.05173580023909	1.43789461926407e-05
ENSG00000100321	SYNGR1	-1.66914348197994	0.000112400908766485
ENSG00000100422	CERK	-1.17007684165884	1.47649279151493e-08
ENSG00000101187	SLCO4A1	-2.7356409239846	0.000506522111331839
ENSG00000101265	RASSF2	-2.41102599134466	2.26920055852265e-05
ENSG00000102271	KLHL4	-1.85121529602724	0.000149108524807892
ENSG00000102468	HTR2A	-4.10371540250057	0.000329100798825866

ENSG00000102802	MEDAG	-4.11443076215237	4.45419757022868e-08
ENSG00000103485	QPRT	-1.45767210660436	0.000189569752622686
ENSG00000104081	BMF	-5.80224836486112	0.000248139256461089
ENSG00000104332	SFRP1	-1.60362384953858	2.08077125679311e-13
ENSG00000104368	PLAT	-2.42331034745487	4.57292752334556e-23
ENSG00000104722	NEFM	-3.77351116722761	3.31799045163523e-14
ENSG00000105989	WNT2	-4.50284383713522	0.000423854783068011
ENSG00000106123	EPHB6	-2.06870496500932	3.75497130656108e-07
ENSG00000106976	DNM1	-1.16007592061685	6.41217875529436e-05
ENSG00000108405	P2RX1	-3.69731757117002	0.00030699080178715
ENSG00000108840	HDAC5	-1.00902799286653	0.000146092640950346
ENSG00000108984	MAP2K6	-2.22569689807438	0.000465595659703554
ENSG00000109099	PMP22	-1.26421851624948	7.60432521625996e-06
ENSG00000109511	ANXA10	-1.59838737298488	4.77257754760392e-06
ENSG00000109654	TRIM2	-1.04525297223505	9.34310736513525e-12
ENSG00000110002	VWA5A	-1.73231504021556	4.83952036868233e-05
ENSG00000110400	NECTIN1	-1.06734561546812	1.85026719241319e-05
ENSG00000110436	SLC1A2	-5.39571392075205	0.000257681129853472
ENSG00000111057	KRT18	-1.41771366540011	8.50703177448805e-06
ENSG00000113389	NPR3	-4.32317633857707	1.82203804713665e-05
ENSG00000113594	LIFR	-1.35245726524238	1.55524179857027e-16
ENSG00000114115	RBP1	-1.1786415402599	0.000378592406454519
ENSG00000115461	IGFBP5	-2.82839149776502	5.00093840217207e-07
ENSG00000115525	ST3GAL5	-1.65819776549905	2.87343652333841e-19
ENSG00000115648	MLPH	-1.79367632491326	0.000110814308808374
ENSG00000116133	DHCR24	-1.11121700277033	9.68155642309628e-06
ENSG00000116285	ERRFI1	-1.06530005036834	5.63867843231309e-05
ENSG00000116741	RGS2	-1.96107411082133	2.68962003052272e-09
ENSG00000118785	SPP1	-2.84940079836584	2.32847185646834e-05
ENSG00000119938	PPP1R3C	-1.1265732985211	8.54988233399144e-07
ENSG00000120693	SMAD9	-2.33111081663877	0.000592244008724887
ENSG00000120885	CLU	-1.03041516958625	9.89441382813047e-06
ENSG00000121039	RDH10	-1.41270968843276	0.000272621794965456
ENSG00000121904	CSMD2	-1.31232039456886	1.45846959777207e-06
ENSG00000122778	KIAA1549	-1.13644280603156	1.03371459649169e-05
ENSG00000123358	NR4A1	-2.23126016463383	1.83669052872085e-05
ENSG00000124191	TOX2	-1.39482286752145	3.92430318565749e-05
ENSG00000124920	MYRF	-1.3238480783624	2.53219695798292e-06
ENSG00000125378	BMP4	-1.91276489150991	0.00018894182054735
ENSG00000125384	PTGER2	-1.87505703514883	2.80727082937512e-06
ENSG00000125827	TMX4	-1.10237839646353	1.11129537477606e-11
ENSG00000125848	FLRT3	-2.39660030819259	7.92270100174124e-07
ENSG00000126016	AMOT	-1.14403117652375	6.03953594749272e-05
ENSG00000127418	FGFRL1	-1.37478374968091	9.82693532414861e-11
ENSG00000128052	KDR	-1.62375327258599	4.31546399837624e-05
ENSG00000128564	VGF	-5.39605826983748	0.000186449523859436

ENSG00000130592	LSP1	-2.75567639757489	5.57445342433235e-06
ENSG00000130600	H19	-4.00179436739813	2.71185168499707e-05
ENSG00000131386	GALNT15	-2.8931301585319	0.000994758382017181
ENSG00000132561	MATN2	-1.21337201688899	1.76860593231651e-07
ENSG00000132563	REEP2	-1.60362359148023	0.000461278488820919
ENSG00000134072	CAMK1	-1.13917880805943	5.23073175957468e-06
ENSG00000134569	LRP4	-1.29006631707868	5.63584036507653e-06
ENSG00000136928	GABBR2	-3.47045937080377	2.28672813812886e-06
ENSG00000137501	SYTL2	-1.4859781292628	2.42325337560372e-05
ENSG00000137642	SORL1	-1.62652602830283	0.000293080814065798
ENSG00000138336	TET1	-1.25078226503612	2.45827751485965e-05
ENSG00000138678	GPAT3	-2.53467860449104	1.62632945606738e-05
ENSG00000139209	SLC38A4	-1.72567013930395	8.64539011258265e-06
ENSG00000140015	KCNH5	-2.15938627302269	0.000614556709851106
ENSG00000141469	SLC14A1	-4.52436745825709	3.17258124293311e-13
ENSG00000143320	CRABP2	-3.09716042706822	1.68957690301427e-17
ENSG00000143786	CNIH3	-1.9523147734776	0.000404176731377668
ENSG00000143867	OSR1	-1.80778409308267	7.63997973179747e-05
ENSG00000144136	SLC20A1	-1.14542309407219	6.40099198043804e-08
ENSG00000144476	ACKR3	-1.16061074283743	0.000241472398937785
ENSG00000144645	OSBPL10	-1.2154979333293	3.41098220255481e-07
ENSG00000144730	IL17RD	-1.57374255916069	0.000303587546796678
ENSG00000145358	DDIT4L	-2.54342004167968	1.0973102981764e-10
ENSG00000145990	GFOD1	-1.53287617045211	0.000585614766234049
ENSG00000146674	IGFBP3	-1.62848623279657	1.9596426665061e-07
ENSG00000147251	DOCK11	-1.17439234199392	3.78025018248406e-11
ENSG00000149090	PAMR1	-1.58202919696393	3.24123667281258e-08
ENSG00000149150	SLC43A1	-1.59902865792536	9.7869049120083e-05
ENSG00000149294	NCAM1	-1.91186037072793	7.841820148276e-10
ENSG00000149451	ADAM33	-1.59830126065759	3.14386937582598e-07
ENSG00000151136	BTBD11	-1.2399305137962	2.83003114826123e-06
ENSG00000151150	ANK3	-1.1358347218725	8.95422906128502e-07
ENSG00000151692	RNF144A	-1.47522877215484	6.40326498354536e-10
ENSG00000152127	MGAT5	-1.50877435922371	1.29532330992525e-12
ENSG00000152580	IGSF10	-2.14797840524037	0.000418337906631958
ENSG00000154122	ANKH	-1.04639597138991	6.44608226518293e-08
ENSG00000154217	PITPNC1	-1.58753141399515	3.85785925907433e-05
ENSG00000154309	DISP1	-1.31586510280372	0.000329127091150822
ENSG00000154639	CXADR	-2.80453276976283	2.61736794151892e-07
ENSG00000154734	ADAMTS1	-1.53387822065608	0.000119497337935859
ENSG00000156103	MMP16	-1.42429954838836	4.71034430751114e-11
ENSG00000156475	PPP2R2B	-4.25507519704465	0.000484701157672848
ENSG00000157168	NRG1	-1.26421547360211	6.87808675634686e-08
ENSG00000157470	FAM81A	-3.26510580324551	0.000176187913727747
ENSG00000159167	STC1	-2.1879417963338	4.35734416215352e-05
ENSG00000161714	PLCD3	-1.60954618631347	1.88472742378964e-11

ENSG00000162076	FLYWCH2	-1.20519298059959	6.75427817105321e-06
ENSG00000162545	CAMK2N1	-1.27579938212261	3.0885857944481e-05
ENSG00000162595	DIRAS3	-1.88133722317435	1.12079810955927e-05
ENSG00000163485	ADORA1	-1.99681994839578	0.000148676260382795
ENSG00000164056	SPRY1	-3.15408971536469	0.000406627367798435
ENSG00000164107	HAND2	-1.66890775007403	1.5125094705679e-10
ENSG00000164251	F2RL1	-1.85321441541447	1.33082370466689e-05
ENSG00000164850	GPER1	-2.36185451059296	0.000185572747292813
ENSG00000165821	SALL2	-1.21141123240034	7.70293342811096e-07
ENSG00000166106	ADAMTS15	-3.01206909966044	5.85573726864862e-07
ENSG00000166396	SERPINB7	-2.04215829354011	3.4182971627225e-05
ENSG00000166897	ELFN2	-2.33242640589103	3.02297501744819e-08
ENSG00000168077	SCARA3	-1.29102864286445	2.65736389987463e-08
ENSG00000168268	NT5DC2	-1.20583745028176	9.60319182102654e-09
ENSG00000169439	SDC2	-1.18699538360129	4.95106372104796e-12
ENSG00000170271	FAXDC2	-1.58945652757479	6.05995331156145e-05
ENSG00000170500	LONRF2	-4.60126241155977	1.71913923972196e-08
ENSG00000171033	PKIA	-1.40107551778075	7.65790769212383e-06
ENSG00000171208	NETO2	-1.13404389204951	1.03513007049729e-06
ENSG00000171345	KRT19	-2.19096575979855	1.85329849102743e-19
ENSG00000171408	PDE7B	-1.09447422125702	4.68578470024403e-05
ENSG00000171724	VAT1L	-1.5905080913579	8.99284056446914e-07
ENSG00000172020	GAP43	-1.89699322934688	3.35205821072963e-05
ENSG00000172348	RCAN2	-5.76314946409263	8.76695504899359e-06
ENSG00000172554	SNTG2	-4.27013136917344	0.000259104681597941
ENSG00000173210	ABLIM3	-1.20893981230532	3.40538374029878e-08
ENSG00000173530	TNFRSF10D	-2.01067209531938	1.53504068841991e-17
ENSG00000174600	CMKLR1	-3.00561559226357	0.000129384083809244
ENSG00000174804	FZD4	-1.30018590983418	4.12070647331181e-08
ENSG00000174807	CD248	-1.57015232199293	1.06580710837144e-09
ENSG00000175866	BAIAP2	-1.11317345861615	0.000184197914427559
ENSG00000176438	SYNE3	-1.18171938808066	1.32915411151006e-05
ENSG00000176909	MAMSTR	-1.80473572159389	0.000887944992831477
ENSG00000178662	CSRNP3	-1.47934394921192	6.00690096894525e-05
ENSG00000179388	EGR3	-2.13499011335024	0.000700458544112681
ENSG00000181072	CHRM2	-3.02030078493172	0.0007620867058574
ENSG00000182621	PLCB1	-1.70880002143837	1.05445073642152e-09
ENSG00000184005	ST6GALNAC3	-1.48004902126042	5.69343237505762e-06
ENSG00000185432	METTL7A	-1.99507709913066	0.000498249805274523
ENSG00000185551	NR2F2	-1.57348289571112	2.97294173574676e-25
ENSG00000185585	OLFML2A	-1.83283838113477	8.5473611934822e-13
ENSG00000185630	PBX1	-1.29322023696493	9.53370718239379e-07
ENSG00000185920	PTCH1	-1.54972657054395	3.86805524249612e-07
ENSG00000187955	COL14A1	-1.75145176323401	0.000218675950228065
ENSG00000188211	NCR3LG1	-1.0593396943948	5.31708223868143e-07
ENSG00000188385	JAKMIP3	-2.87037166620088	0.00042236516134696

ENSG00000188483	IER5L	-1.20515159704749	0.000358273570842716
ENSG00000189184	PCDH18	-1.11602480050623	1.98807380031776e-06
ENSG00000196155	PLEKHG4	-1.95931751412963	5.30881131967673e-17
ENSG00000196440	ARMCX4	-1.10384057574217	5.71990508562971e-07
ENSG00000196460	RFX8	-1.19425394238886	1.59339301191678e-05
ENSG00000196562	SULF2	-2.65918651092864	5.99905031296506e-07
ENSG00000196814	MVB12B	-1.11808013124313	0.000208803618088034
ENSG00000197381	ADARB1	-1.00648678069284	7.20013805447836e-06
ENSG00000197971	MBP	-1.53689099903353	5.2783257120907e-06
ENSG00000204131	NHSL2	-1.57406610055275	2.89715983059043e-09
ENSG00000205213	LGR4	-1.50155439665083	3.01960045021924e-05
ENSG00000205336	ADGRG1	-1.72546001174265	0.000453030564720647
ENSG00000205978	NYNRIN	-1.15233580634232	0.000332093711619168
ENSG00000221890	NPTXR	-1.6168615775978	2.13163066877306e-05
ENSG00000221955	SLC12A8	-2.17832121362956	3.20715891979491e-09
ENSG00000226950	DANCR	-1.64430586820857	1.25028867207251e-10
ENSG00000233384	CNIH3-AS2	-6.13969606401808	2.97101192646868e-09
ENSG00000242265	PEG10	-1.45782415511102	3.05571006701568e-14
ENSG00000243244	STON1	-1.44616332777011	0.000224844387521343
ENSG00000243335	KCTD7	-1.11161357662066	0.000162828035882013
ENSG00000245522	LINC02709	-5.23712394882415	0.000399642614231336
ENSG00000268089	GABRQ	-2.29001025487188	0.000105913662479048
ENSG00000269190	FBXO17	-1.17569283837609	5.21430203143944e-06
ENSG00000270885	RASL10B	-2.48736346504715	0.000863697273296006
ENSG00000271447	MMP28	-5.50886424889782	0.000945972658217407
ENSG00000275342	PRAG1	-1.25827506673706	2.94557882061419e-08
ENSG00000279192	PWAR5	-1.18139949200922	2.65361837733039e-05