RESEARCH ARTICLE



Open Access

Gene expression profiling of 49 human tumor xenografts from *in vitro* culture through multiple *in vivo* passages - strategies for data mining in support of therapeutic studies

Melinda G Hollingshead^{1*}, Luke H Stockwin², Sergio Y Alcoser³, Dianne L Newton², Benjamin C Orsburn⁴, Carrie A Bonomi², Suzanne D Borgel², Raymond Divelbiss², Kelly M Dougherty², Elizabeth J Hager³, Susan L Holbeck⁵, Gurmeet Kaur⁶, David J Kimmel², Mark W Kunkel⁵, Angelena Millione², Michael E Mullendore², Howard Stotler² and Jerry Collins⁷

Abstract

Background: Development of cancer therapeutics partially depends upon selection of appropriate animal models. Therefore, improvements to model selection are beneficial.

Results: Forty-nine human tumor xenografts at in vivo passages 1, 4 and 10 were subjected to cDNA microarray analysis yielding a dataset of 823 Affymetrix HG-U133 Plus 2.0 arrays. To illustrate mining strategies supporting therapeutic studies, transcript expression was determined: 1) relative to other models, 2) with successive in vivo passage, and 3) during the in vitro to in vivo transition. Ranking models according to relative transcript expression in vivo has the potential to improve initial model selection. For example, combining p53 tumor expression data with mutational status could guide selection of tumors for therapeutic studies of agents where p53 status purportedly affects efficacy (e.g., MK-1775). The utility of monitoring changes in gene expression with extended in vivo tumor passages was illustrated by focused studies of drug resistance mediators and receptor tyrosine kinases. Noteworthy observations included a significant decline in HCT-15 colon xenograft ABCB1 transporter expression and increased expression of the kinase KIT in A549 with serial passage. These trends predict sensitivity to agents such as paclitaxel (ABCB1 substrate) and imatinib (c-KIT inhibitor) would be altered with extended passage. Given that gene expression results indicated some models undergo profound changes with in vivo passage, a general metric of stability was generated so models could be ranked accordingly. Lastly, changes occurring during transition from in vitro to in vivo growth may have important consequences for therapeutic studies since targets identified in vitro could be over- or under-represented when tumor cells adapt to in vivo growth. A comprehensive list of mouse transcripts capable of cross-hybridizing with human probe sets on the HG-U133 Plus 2.0 array was generated. Removal of the murine artifacts followed by pairwise analysis of in vitro cells with respective passage 1 xenografts and GO analysis illustrates the complex interplay that each model has with the host microenvironment.

Conclusions: This study provides strategies to aid selection of xenograft models for therapeutic studies. These data highlight the dynamic nature of xenograft models and emphasize the importance of maintaining passage consistency throughout experiments.

Keywords: Xenograft models, Affymetrix HG-U133 Plus 2.0 array, cDNA microarray, NCI-60 cell line screen, Transcriptomic stability, Transcriptomic expression, *in vitro* to *in vivo* transition

* Correspondence: hollingm@mail.nih.gov

¹Biological Testing Branch, National Cancer Institute at Frederick, 1050 Boyles Street, Building 1043, Room 11, Frederick, MD 21702, USA

Full list of author information is available at the end of the article



© 2014 Hollingshead et al.; licensee BioMed Central Ltd. This is an Open Access article distributed under the terms of the Creative Commons Attribution License (http://creativecommons.org/licenses/by/2.0), which permits unrestricted use, distribution, and reproduction in any medium, provided the original work is properly credited. The Creative Commons Public Domain Dedication waiver (http://creativecommons.org/publicdomain/zero/1.0/) applies to the data made available in this article, unless otherwise stated.

Background

Xenograft models remain a cornerstone technology in the development of anti-cancer agents [1]. The ability of immunocompromised rodents to support the growth of human tumors provides an invaluable transition between in vitro testing, pre-clinical development and clinical trials. For decades, data from xenograft models has informed development decisions with respect to dosing schedules, pharmacokinetics/pharmacodynamics (PK/PD) and potential toxicities. Yet several challenges remain, including understanding the extent to which well-characterized xenograft models replicate the biology and growth characteristics of patient disease. Furthermore, with the paradigm shift towards agents with specific molecular targets and personalized medicine, a comprehensive molecular profile for xenograft models may be essential for successful in vivo evaluation. To this end, considerable resources are being applied to the generation of novel xenograft models combined with molecular profiling of existing models [2].

Within the Developmental Therapeutics Program (DTP) of the National Cancer Institute, the primary *in vitro* assay used to detect potential anti-cancer activity is the NCI-60 cell line screen. To date, this panel of human tumor lines has been used to evaluate almost one hundred thousand pure compounds and approximately fifty thousand natural product extracts. Many of these cell lines will grow as subcutaneous xenografts, thus cell lines sensitive to an agent in vitro were often subjected to further analyses in xenografts derived from those cell lines. The NCI-60 panel has been extensively molecularly characterized, with data available for gene expression, DNA variation (mutation and SNPs), protein expression, DNA methylation, microRNA expression and metabolomics (http://dtp. cancer.gov/mtargets/mt_index.html) [3-9]. The COM-PARE algorithm (http://dtp.nci.nih.gov/docs/compare/ compare.html) allows investigators to correlate NCI-60 drug activity profiles with all other open agents in the database and with molecular characteristics of the cells [10]. While the in vitro grown cells have been characterized, the corresponding subcutaneous xenografts had not. However, other studies have succeeded in molecular profiling of other xenografts [2,11,12]. These predominantly cDNA and tissue-array based studies lack the potential for retrospective cross-platform analysis that underscores the NCI-60 cell line set.

The MicroXeno Project was initiated to generate genome-wide cDNA microarray data for all subcutaneous xenograft models currently used within the DTP. Comprehensive transcriptomic analysis will help address questions such as: Can expression of molecular target[s] help inform model selection for a given agent or target, or to what extent and by what manner do specific cell line tumors adapt during prolonged growth *in vivo*? The work presented here provides a reference dataset that can be used to confirm the genetic characteristics and stability of models going forward. This ongoing project will ultimately encompass over 100 models, with data from cell lines and successive xenograft passages. The panel includes tumor cell lines from diverse histological origins including leukemia/ lymphoma, non-small cell lung, colon, CNS, melanoma, ovarian, renal, prostate, liver, gastric, head and neck, pancreatic, and breast cancer. It also includes, but is not limited to, many of the cell lines in the NCI-60 panel (http://dtp. cancer.gov/docs/misc/common_files/cell_list.html).

Here we describe the procedures and quality control criteria used to derive MicroXeno release 1.0. The study utilizes Affymetrix HG-U133 Plus 2.0 arrays, capable of identifying more that 30,000 human transcripts from >54,000 probe sets [13]. The current release encompasses 49 experiments with each consisting of data from the originating cell lines and the resulting xenografts at passages 1, 4 and 10 (P1, P4, P10). In addition, we detail several approaches to utilize the data to predict possible biological outcomes. We propose that this dataset [and subsequent releases] will improve selection and execution of subcutaneous xenograft experiments during the evaluation of cancer therapeutics. As this study is based primarily on lines from the NCI-60 panel, the potential also exists for integration with other NCI-60 datasets (mutational analysis, protein arrays, etc.). Rapid dissemination of this data will also permit the extramural community to perform meta-analyses in support of their own in vivo studies.

Results and discussion

This study focused on generating pan-genomic cDNA microarray data for diverse xenograft models from the time of initial implantation to the tenth passage using the Affymetrix HG-U133 Plus 2.0 array. Each experiment comprised the originating *in vitro* cell lines [designated P0] along with tumor samples from *in vivo* passages 1, 4 and 10. For each *in vivo* passage, five tumors were harvested. The 49 human xenograft experiments contained within this release led to the generation of 844 arrays. Table 1 details the specific cell lines along with tumor types, histology, host strain and any special growth requirements or irregularities.

Microarray data quality control

Multiple layers of quality control criteria were applied to the dataset. First, the 844 CEL files (including P4 and P10 of SF-268 and SF-539) were visually inspected using DChip (http://www.hsph.harvard.edu/cli/complab/dchip/) to identify arrays with structural defects. Significant physical issues were identified in one MDA-MB-231 T P4 sample, which was removed. Next, .CEL files were uploaded and analyzed *en masse* using the QC tools contained within

Table 1 Tumor cell lines, host mice, protocol variances

Tumor type ^a	Tumor name	Histology	Mouse strain	Comments
Breast	MCF7 ^b	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0, 4 samples P1
	MDA-MB-231 T	Adenocarcinoma, from mouse	nu/nu NCr	2 samples P0
Cervical	HeLa-Luc	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
CNS	SF-268 ^c	Anaplastic Astrocytoma	NOD.SCID/NCr	2 samples P0, P4 and P10 are mouse
	SF-539 ^c	Glioblastoma	NOD.SCID/NCr	2 samples P0, P4 and P10 are mouse
	U251	Glioblastoma	nu/nu NCr	2 samples P0
Colon	COLO 205	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	
	HCC-2998	Carcinoma	nu/nu NCr	
	HCT-116	Carcinoma	nu/nu NCr	
	HCT-15	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	
	HT-29	Adenocarcinoma, GR III	nu/nu NCr	
	KM12	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	
	SW-620	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	
Gastric	GTL 16	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
Leukemia/	AS283	AIDs related Burkitts Lymphoma	SCID/NCr	2 samples P0
Lymphoma	CA46	B Lymphocyte Burkitts Lymphoma	SCID/NCr	2 samples P0
	CCRF-CEM	Acute Lymphoblastic Leukemia (T-ALL)	SCID/NCr	
	HL-60(TB)	Promyelocytic Leukemia	SCID/NCr	3 samples P5 substituted for P4; 4 P0 samples
	K-562	Chronic Myelogenous Leukemia	SCID/NCr	5 samples P5 substituted for P4, 4 samples P10
	MOLT-4	Acute Lymphoblastic Leukemia	SCID/NCr	
	SR	Large Cell, Immunoblastic	SCID/NCr	
Liver	HuH-7	Differentiated Hepatocellular Carcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
Lung	A549	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	
	A549/Asc-1	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	3 samples P4, 2 samples P0
	EKVX	Adenocarcinoma	SCID/NCr	2 samples P0
	HOP-62	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	4 samples P1
	HOP-92	Large Cell, undifferentiated	nu/nu NCr	
	NCI-H226	Squamous Carcinoma	nu/nu NCr	2 samples P1
	NCI-H23	Adenocarcinoma, NSCLC	nu/nu NCr	2 samples P0
	NCI-H460	Large Cell Carcinoma	nu/nu NCr	
	NCI-H522	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
Melanoma	A375	Metastatic Malignant Melanoma	nu/nu NCr	2 samples P0
	COLO 829	Malignant Melanoma	nu/nu NCr	2 samples P0
	LOX IMVI	Malignant Amelanocytic Melanoma	nu/nu NCr	2 samples P0
	M14	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
	MALME-3 M	Malignant Melanoma	nu/nu NCr	2 samples P0, 4 samples P4
	MDA-MB-435	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0, 3 samples P10
	MDA-N ^d	HER2/ERB2 transfectant of MDA-MB-435	nu/nu NCr	2 samples P0
	UACC-62	Malignant Melanoma	nu/nu NCr	
Ovarian	CP70	Carcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
	OVCAR-3	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
	OVCAR-5	Carcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
Pancreatic	AsPC-1	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
Prostate	PC-3	Adenocarcinoma	Male nu/nu NCr	2 samples PO
	PC-3/M ^e	Metastatic PC-3 subline	Male nu/nu NCr	

Renal	786-0	Adenocarcinoma	nu/nu NCr	
	CAKI-1	Renal Cell Carcinoma	nu/nu NCr	2 samples P0
	RXF 393	Poorly Differentiated Hypernephroma	nu/nu NCr	
	SN12C	Carcinoma	nu/nu NCr	2 samples PO

 Table 1 Tumor cell lines, host mice, protocol variances (Continued)

^aTumor cells derived from the 4th *in vitro* passage were innoculated subcutaneously into mice. Tumors were passaged 10 consecutive times in mice. At passages 1, 4, and 10 (P1, P4, P10, respectively), 5 tumors were harvested, cut into small pieces and flash frozen in liquid nitrogen. Samples were then processed as described in Methods. For comparative purposes, 3 samples of the *in vitro* cultivated cells at passage 4 (P0) were also prepared for microarray analysis. ^b3 mg/kg Q7D SC Estradiol.

^cMatrigel 18.1 mg/mL P1 only.

^dHER2/ERBB2 transfectant of MDA-MB-435.

^ePC3 subline isolated from liver metastasis in mice.

Genespring GX11 (Agilent, Santa Clara, CA). Results demonstrated one replicate from the PC-3 P10 had control probe errors and it was excluded (Figure 1A). The hybridization was repeated using the original PC-3 P10 RNA sample on a new chip that yielded satisfactory results and was included in further analyses. Lastly, principal component analysis (PCA) was used to identify outliers. For example, results shown in Figure 1B identify one population of arrays segregated from the primary component. Closer inspection identified these .CEL files as passages 4 and 10 of SF-268 and SF-539. This finding suggested a conserved problem with late passage for these lines. We then investigated whether displacement of tumor cells by an outgrowth of mouse cells was responsible for the observed effects. Results from endpoint PCR (Figure 1C) using mouse and human specific primers

directed against PTGER2 [14] showed the first in vivo passage of SF-268 and SF-539 tumors contained both mouse and human genomic DNA as expected, but all tumors harvested from 4th and 10th serial passages were devoid of human genomic DNA. The SF-268 and SF-539 models differed from others in the study in that they utilized Matrigel[®] to initially establish tumor growth in passage 1 and they were implanted into NOD.SCID/NCr mice since growth in athymic nu/nuNCr mice was unsuccessful. It is recognized that NOD.SCID/NCr mice have a propensity for spontaneous tumor formation [15] and also it is reasonable to speculate that Matrigel[®] (a growth-factor rich gel secreted by EHS (Engelbreth-Holm-Swarm) mouse sarcoma cells) may encourage spontaneous host cell outgrowth. This emphasizes the need for routine monitoring of mouse outgrowth especially when Matrigel[®], and possibly





a NOD.SCID background are employed. Although mouse outgrowth was not a problem for the remaining models, this phenomenon should be an important consideration for studies involving serial passage of tumor fragments over extended periods of time. In light of these results, P4 and P10 samples for SF-268 and SF-539 were not included in this data release.

Hierarchical clustering QC

All experiments were subjected to hierarchical clustering to confirm similarity in microarray signatures for cell lines and subsequent xenograft passages. Fold-change data [100-fold cut-off] for each parameter was used to generate the hierarchical cluster shown in Additional file 1. This analysis confirmed that for the majority of experiments, the originating cell lines and subsequent in vivo passages clustered together. However, P10 data for CAKI-1, SN12C and RXF 393 renal lines were shown to cluster together, suggesting a high degree of similarity between these samples (Additional file 2A). The identity of these tumors was confirmed by repeating the Identifiler[®] STR analyses. Thus, the clustering of these P10 renal tumors of distinct cell line origins had a biological basis and was not the result of technical errors. Other exceptions involved the co-clustering of MDA-MB-435 and MDA-N (Additional file 2B) along with a similar trend for A549 and A549/ Asc-1 (Additional file 2C). These observations were anticipated given that MDA-N is derived from MDA-MB-435 and A549/Asc-1 is a tumorigenic clone of A549. Additionally, two breast cancer cell lines (MCF7 and MDA-MB-231 T) did not cluster together nor did three ovarian lines (OVCAR-3, CP70, and OVCAR-5) (Additional file 2D and E). Closer scrutiny provides a plausible explanation given these lines differ significantly within their categories. Specifically, MCF7 is an estrogen-dependent (ER+) tumor whereas MDA-MB-231 T is triple negative (negative for estrogen receptor, progesterone receptor, Her2/neu). Similarly, CP70 and OVCAR-5 are ovarian carcinomas whereas OVCAR-3 is an adenocarcinoma. OVCAR-3 is also ER + while OVCAR-5 is ER negative and CP70 is a cisplatin-resistant subline of A2780. Following quality control, the final dataset comprised 47 complete experiments and 2 partial experiments (P0 and P1 for SF-268 and SF-539) for a total of 823 arrays.

Monitoring changes in transcript expression

The central goal of this study was to ascertain expression levels for any given transcript across all *in vivo* models and with successive passage. To this end, normalized gene expression data were generated for all 192 conditions [see Additional file 3, txt file should be copied into EXCEL or other spreadsheet application to view]. Throughout the study, when multiple probe sets were present for the same transcript, the Jetset methodology [16] was used to select the most robust candidate. Data for four example probe sets; 205225_at (ESR1, estrogen receptor alpha), 206426_at (MLANA, melan-A), 201839_s_at (EPCAM, epithelial cell adhesion molecule), and 201746_at (TP53, p53) at P1, P4 and P10 are plotted in Figure 2. Results showed that MCF7 cells expressed the highest level of ESR1 across the panel, consistent with their known estrogen receptor positive status and their absolute dependence on exogenous estradiol for growth in mice. Furthermore, ESR1 expression was shown to increase modestly with passage, suggesting serially passaged tumors remain a valid target for estrogen receptor antagonists. MLANA (Melan-A) is a melanoma-restricted antigen and results show expression to be limited primarily to the melanoma cell lines. MLANA expression was relatively consistent with passage, apart from UACC-62 where levels modestly increase at P10. Similarly, EPCAM is highly expressed on many epithelial cells and results show considerable variation in mRNA expression levels even between epithelial lines. While most tumors had stable expression of EPCAM from P1 to P10, there were a few models with notable changes including A549, CaKi-1 and NCI-H460. The final example, TP53/p53 serves to show the value of integrating relative expression data with pre-existing genetic information. This tumor suppressor and master regulator of the cell cycle is frequently mutated or deleted in tumors [17,18]. This analysis confirmed the relative lack of p53 expression in p53-null HL60 cells. However, there was considerable variability in levels of expression for models with mutant p53. This information could be useful for studies of agents targeting cells with mutant/deleted p53 e.g., the Wee1 inhibitor MK-1775 or mutant p53 oncolytic adenovirus [19,20]. Overall, this analysis serves to illustrate the potential of these data within therapeutic studies and provide evidence that mRNA expression can change markedly with in vivo passage.

Another approach to data mining involves plotting the extent of change in expression with passage. To exemplify, analyses were performed on two groups of therapeutically relevant transcripts, those involved in drug resistance and those coding for select receptor tyrosine kinases (RTKs). For resistance genes, expression relative to other models at P1 was plotted (Figure 3A) along with the change in expression from P1 to P10 (Figure 3B). Several noteworthy trends were evident. For HCT-15, a highly MDR drugresistant cell line in culture, expression of the multidrug transporter ABCB1 [MDR1] was the highest relative to other lines at P1. However by P10, the expression had declined to that comparable to other tumors. This suggests HCT-15 tumors may acquire sensitivity to agents such as doxorubicin, paclitaxel and other MDR sensitive agents with serial *in vivo* passage [21]. This finding is confirmed by in vivo efficacy data for paclitaxel against subcutaneously implanted HCT-15 xenografts (Additional file 4). As



786-0 A375 0.33 -0.01 0.01 0.41 А 0.59 0.07 0.49 A549 A549 Asc1 -0.08 0.35 0.06 -0.36 -0.01 0.14 0.80 -0.02 -0.09 0.01 -0.07 0.28 0.25 0.3 0.3 AS283 AsPC-1 -0.26 -0.70 -0.33 CA46 0.40 0.20 0.08 -0.14 0.00 -1.94 -1.30 -0.17 CAKI-1 0.14 -0.20 0.31 0.49 0.24 0.36 -0.65 -0.19 CCRF-CEN COLO 205 -0.10 -0.17 -0.17 -0.67 0.32 0.26 -0.14 0.22 0.38 COLO 829 0.05 -0.03 0.18 -0.26 0.10 0.05 0.01 -0.13 -0.03 0.01 -0.34 0.16 -0.02 -0.47 0.14 0.03 -0.15 0.15 CP70 EKVX -0.56 0.35 -0.89 0.13 1.63 0.03 1.55 3.34 1.95 2.33 0.69 **GTL 16** -0.20 0.19 -0.32 0.40 HCC-2998 0.01 1.79 0.31 -0.15 0.03 -0.47 -0.09 0.60 -0.48 -0.19 -0.03 0.31 HCT-116 HCT-15 -0.06 0.06 -0.35 -0.13 1.56 -0.17 -0.15 0.02 0.08 -0.06 HL-60(TB) 0.24 HOP-62 HOP-92 HT-29 1.06 0.21 -0.13 0.14 -0.73 -0.41 0.02 1.57 2.09 0.28 0.26 -1.88 -2.04 -0.55 0.28 0.20 0.21 0.02 0.00 0.25 -0.44 0.76 0.21 -0.05 0.39 -0.18 -0.08 -0.40 -0.19 HeLa-luc -0.28 HuH-7 K-562 KM12 1.68 0.50 0.19 0.05 -0.01 0.19 0.04 -0.36 0.00 0.56 -0.23 -0.35 0.26 0.73 -0.18 -1.23 -0.32 LOX IMVI 0.24 -0.03 -0.66 0.05 -0.33 -0.06 -0.24 0.03 0.04 0.26 0.05 0.41 -0.07 -0.01 0.38 -0.08 0.35 M14 1.03 MALME-3M -0.03 -0.02 -0.12 -0.71 -0.85 MCF7 0.19 -0.11 -0.46 MDA-MB-2311 -0.19 -0.42 -0.37 2.88 0.02 -0.45 -0.44 -0.25 .1 27 0.23 0.19 0.11 0.11 0.11 MDA-MB-435 MDA-N 0.04 -0.36 3.29 0.06 -0.12 -1.28 -0.60 0.41 0.15 MOLT-4 NCI-H226 0.04 1.25 0.64 -0.18 0.39 -0.40 -0.09 -0.11 -0.03 -0.10 -0.22 0.24 NCI-H23 NCI-H46 0.00 -0.52 0.22 -0.11 0.10 0.69 -0.33 0.11 -0.26 -0.17 NCI-H522 -0.03 0.35 -0.12 -0.05 -0.09 -0.07 -0.33 -0.36 0.00 0.14 0.08 0.04 OVCAR-3 0.53 -0.53 -0.01 0.79 OVCAR-5 PC-3 0.28 -0.38 -0.03 -0.35 0.10 -0.77 -0.78 PC-3M -0.22 0.04 -0.03 -0.01 -0.24 0.34 0.27 0.04 0.66 -0.74 -0.19 -0.92 0.16 -0.01 -0.02 -0.06 0.13 0.29 0.09 0.11 0.09 -0.47 -0.38 0.37 -0.19 -0.26 **RXF 393** 0.57 0.89 -0 31 -0.40 0.25 0.38 0.37 SN 12C -0.20 -0.18 -0.18 -0.52 -1.66 0.25 0.04 SR SW-620 0.13 -0.07 -0.17 0.13 -0.38 -0.31 U251 -0.06 -0.50 -0.41 -0.20 -0.57 -0.24 0.02 0.31 -0.18 UACC-62 ABCC5 09380_s 0.18 ABCB1 ABCC1 ABCC3 ABCC6 TOP2A TOP2B TP53 atl [201292 atl [211987 atl [201746 ABCC2 ABCG2 BAX [209735 at] [211833 s BCL2 [207005_s_at] GSTP1 [200824_at] MGST1 24918 x TOP1 [208900 s atl atl 786-0 A375 -1.66 -0.18 0.74 -0.23 -0.15 -0.05 0.34 0.20 0.41 0.28 0.46 В 0.94 -0.06 -0.25 -0.27 -0.23 0.28 -0.19 0.02 0.31 0.15 0.38 -0.71 -0.03 0.05 -0.40 0.28 A549 -0.45 -0.29 -0.91 -0.49 -0.16 -0.71 A549 Asc1 0.16 -0.30 -0.40 -1.28 0.18 0.19 -0.52 -0.11 -0.41 0.08 AS283 -0.31 1.40 -0.13 -0.31 -2.72 0.25 -0.04 -0.15 AsPC-1 0.46 -0.35 -0.12 0.61 0.69 0.52 -0.50 CA46 CAKI-1 -0.07 0.00 -0.25 -0.07 0.20 -0.31 0.68 -0.39 0.43 0.22 0.08 0.13 0.04 -0.16 1.09 -0.35 0.87 0.81 0.40 CCRF-CEM 0.18 0.01 0.07 -0.29 0.20 0.10 0.22 COLO 205 COLO 829 -0.39 -0.74 0.50 -0.33 -0.15 0.08 -0.28 0.86 0.19 0.19 0.04 -0.12 -0.22 CP70 0.11 0.10 -0.04 -0.45 -0.35 0.00 -0.62 -0.19 -0.04 0.82 EKVX GTL 16 -0.33 -0.63 0.13 -0.34 -0.49 -0.05 -1.33 0.55 0.43 -0.48 0.14 0.05 -0.09 -0.31 0.43 -0.17 0.27 0.00 0.74 -0.05 0.24 -0.17 0.00 0.09 -0.19 -0.51 0.05 -0.03 1.89 0.44 HCC-2998 0.82 1.63 0.49 -0.16 0.15 0.06 HCT-116 HCT-15 0.73 0.46 -0.01 -0.14 -0.39 0.48 0.10 0.06 HL-60(TB) -0.05 -0.04 0.15 -0.15 -0.15 0.10 -0.10 0.06 0.03 0.08 0.19 -0.12 0.43 HOP-62 HOP-92 -0.99 -0.45 -2.27 -0.56 0.78 0.02 0.17 2.06 -0.52 -0.35 -0.46 0.15 -0.72 -0.68 0.64 0.06 HT-29 0.33 0.28 0.09 0.04 -0.72 0.20 0.08 -1.10 0.40 -0.73 -0.91 -0.49 -0.58 HeLa-luc 0.24 -0.13 HuH-7 0.04 -0.19 0.33 -0.01 0.11 K-562 0.38 0.67 -0.09 -0.14 KM12 LOX IMVI -0.10 0.10 -0.33 0.01 -0.30 -0.09 0.01 0.05 -0.01 -0.62 -0.04 -0.31 -0.33 -0.40 0.14 -0.04 0.38 0.21 -0.40 M14 -0.39 0.51 -0.44 0.11 -0.02 -0.11 0.31 MALME-3M -0.08 -0.18 -1.17 -0.71 0.21 MCF7 1.81 0.17 -0.20 -0.05 -0.02 -0.09 -0.05 0.29 -0.13 -0.08 -0.29 -0.47 -0.16 0.70 -0.03 0.57 -0.06 0.21 0.40 0.02 MDA-MB-231 -0.19 -0.17 0.08 0.43 2.32 0.21 0.28 MDA-MB-435 -0.16 0.48 -0.22 2.17 MDA-N 0.08 -0.45 0.08 0.17 0.03 -0.17 0.03 -0.42 -0.14 -0.16 -0.29 -0.06 -0.34 -0.01 MOLT-4 0.35 0.28 -0.10 2.20 0.25 -0.21 -0.03 -0.79 0.47 NCI-H226 NCI-H23 -0.23 0.64 0.12 -0.01 0.08 -0.40 -0.04 0.17 -0.16 0.62 NCI-H460 -0.46 0.18 -0.05 -0.28 -0.16 -0.12 -0.44 0.50 0.02 -0.10 -0.09 0.16 -0.22 NCI-H522 0.06 0.06 0.08 OVCAR-3 -0.57 -0.35 0.9 -0.67 -0.25 -0.29 0.11 -0.36 0.39 0.52 -0.76 -0.94 -0.64 0.11 0.57 0.35 0.14 0.33 0.61 OVCAR-5 -0.43 -0.11 0.07 -0.11 -0.09 PC-3 PC-3M -0.15 -0.19 0.01 -0.29 -0.26 0.28 0.06 0.25 -0.08 -0.18 0.38 **RXF 393** 0.84 -0.34 0.15 0.20 0.76 0.00 -0.24 0.63 0.17 0.17 0.10 SN 12C 0.36 0.21 0.80 SR SW-620 0.09 0.3 0.09 0.04 -0.17 -0.30 -0.26 0.31 0.14 -0.26 0.12 0.18 -0.45 -1.34 -0.08 -0.45 -0.40 U251 0.11 -0.19 UACC-62 0.02 -0.11 -0.16 0.10 0.08

BCL2

GSTP1

MGST1

0.16

TOP2A

Figure 3 Change in expression from P1 to P10 for a subset of transcripts involved in drug resistance. A) Log2 normalized expression values for each transcript in all models at P1. B) Change in log2 normalized expression for each transcript in all models from P1 to P10. For each probe set, entries are formatted where red is the highest value, green is the lowest and the median is black.

ABCB1

ABCC1

ABCC2

ABCC3 t] [208161_s

ABCC5

ABCC6

0.05

ABCG2 09735_at]

BAX [211833_s

TP53

suggested by the array data, differences in the response of P1 and P8 tumors to paclitaxel treatment were observed. The P1 tumors showed progressive growth in spite of paclitaxel therapy (Additional file 4A). In contrast, the P8 tumors responded to treatment with total growth inhibition (Additional file 4B). Comparison of tumor weights between the P8 vehicle and P8 paclitaxel-treated mice showed statistically significant differences at days 22, 26 and 29 with p values of 0.0004, 0.001, and 0.0001, respectively. In contrast, there was no difference between the P1 vehicle-treated and paclitaxel-treated groups at any time point. These data support the conclusion that HCT-15 human colon tumor xenografts acquire paclitaxel sensitivity during serial *in vivo* passage.

Expression of microsomal glutathione S-transferase (MGST) has been shown to confer resistance to cisplatin [22]. In this analysis, expression of MGST1 [224918_x_at] increased with passage in several cell lines such as LOX IMVI and NCI-H226. Given the general trend toward increased expression from P1 to P10, it could be surmised that increased resistance would be observed in serially passaged tumors. This observation is consistent with our data, where evaluation of cisplatin in subcutaneous LOX IMVI xenografts showed sensitivity to cisplatin declines with serial in vivo passage. When cisplatin was administered at the maximum tolerated dose to LOX-IMV1 tumor-bearing mice at P1, P4 and P10, the optimal percent test/control values were 19%, 41%, and 64%, respectively. The %T/C is inversely related to the tumor sensitivity so the greater the tumor response the lower the %T/C. A %T/C of 40% or lower is indicative of antitumor activity [23]. Thus, as predicted by the changes in MGST1 relative expression in LOX IMV1 tumors with serial in vivo passage, P1 tumors were highly sensitive while the P10 tumors were not. The ranking of relative MGST1 expression levels at P1 shows A549/Asc-1 and A549 have the greatest and MOLT-4 the lowest MGST1 expression. This suggests cisplatin would be inactive against A549 tumors and active against MOLT-4 tumors. This is borne out by in vivo sensitivity testing where MOLT-4 has a statistically significant reduction in tumor growth in mice receiving 3.24 mg cisplatin/kg compared to vehicle controls (Additional file 5A) while A549 tumors do not respond even with an increased cisplatin dose (6.7 mg/kg) and a smaller initial starting tumor size (Additional file 5B).

Interestingly, the reverse trend in mRNA expression was observed in CA46 cells, where MGST1 was downregulated at P10. Here, although no xenograft data exists to confirm this, sensitivity to cisplatin could be predicted to increase with *in vivo* passage. Lastly increased expression of ABCG2, a transporter that enhances resistance to mitoxantrone, daunorubicin and doxorubicin [24] was noted in EKVX cells from P1 to P10.

Results in Figure 4 show a similar analysis focused on a subset of cancer-related receptor tyrosine kinases. Again, several trends were evident. For example, PC-3 M cells expressed the highest relative levels of KDR (VEGFR2; 203934_at) at P1. However, levels declined by P10, an observation that could have consequences for evaluation of therapeutics targeting this pathway (e.g., sorafenib). The melanoma cell lines M14 and MALME-3 M expressed significant levels of KIT (stem cell factor receptor) [205051_s_at] relative to other models at P1. With serial passage, expression of KIT declined slightly in MALME-3 M by P10 whereas the levels were increased in M14 at P10. Conversely, A549 cells expressed low levels of KIT at P1, but expression increased markedly at P10. These observations may have consequences for experiments where a c-Kit inhibitor (e.g., imatinib) is being evaluated.

A general metric of model stability

The prior analysis suggested that significant changes in transcript expression occurred in several models from P1 to P10. Therefore, we sought a general metric of stability for each xenograft model. To achieve this, the number of transcripts showing >3-fold increase or >3-fold decrease (p < 0.05) from P1 to P4 and P1 to P10 was determined for each of 47 models. We reasoned the higher the stability of the model, the smaller the number of transcripts with changes in expression that would be observed between passages. Figure 5 illustrates the results of this analysis, where models such as HL-60 (TB) and MOLT-4 (32 and 66 differentially-expressed transcripts between P1 and P10, respectively) may be defined as highly stable, whereas NCI-H460 and EKVX tumors are markedly altered at P10 (1401 and 1696 differentially expressed transcripts between P1 and P10, respectively) with approximately 50% of these changes occurring between P1 and P4. From this analysis it is evident that protracted in vivo growth profoundly alters the transcriptome for most models. Generation of a simple metric of stability allows models to be ranked according to the degree of change. Whether these changes represent gradual adaptations to growth in a mouse microenvironment or selection-pressure promoting outgrowth of sub-clones remains to be determined. However, it is interesting to note that a survey of genes (CDH1, FN1, KRT19) related to the epithelialmesenchymal transition (EMT) identified widespread changes in several models with passage (results not shown). Given the recognized effects of EMT on drug sensitivity, this phenomenon may be worthy of further scrutiny [25].

The cell line to xenograft transition

This dataset can be interrogated to monitor gene expression changes occurring during the immediate transition from *in vitro* to *in vivo* growth. However, this analysis is complicated by potential interference from

| • | EGFR
[1565483 at] | ERBB2
 | ERBB3
 | FGFR1
[226705 at]

 | FGFR2
[203638 s at]

 | FLT3
[206674 at]

 | IGF1R
[225330 at] | KIT
[205051 s at
 | MET | NGFR
[205858 at] | PDGFA
[205463 s at]
 | TGFBR1
[224793 s at] | TGFBR2
[208944_at] | TGFBR3
[226625 at]
 | KDR
[203934 at] | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | | | |
 | | |
|--|--
--

--
--
--

--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--|---

---	--	--
--|--|--

--|---|--|--
--
---	---
--
--|--|--|---|--
--|--
--
--|--|--|--
--|--|--
--|--|--|---
--|--|--
--|---|--|---
---|---|--|---|---
--	--	---	---
--|--|---|--|---|---|---
--|--
--
---|--
--
---|--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--|--
--
---|--
--
---|--
--
--
--
--
--
--
--
--
--
--|--|---|--
---|--
--
--|--|---
--
---|--|---
--
--|---|--
--|---
--|---|--|--|--
--
--|---|--|--|---|---------------------------------
--
--|--|--|--|--|--|--|--
--|--|--|---|--|---|---|---|--|---
--	---	---	---	--	---
---|---------------------------------|--|---|--|--|--|---
---|---|--
--
---|--
--
---|---
--
--
--
---|--
--
---|--
--
--|--|--|--|--|---
--
--|--|---
--
--|--
--
--|--|---
--
--|---|---|--|--|--|--
---|--|
| A 786-0 | 0.45 | 0.74
 | -4.02
 | 1.30

 | 0.95

 | 0.05

 | -1.26 | -0.24
 | 1.72 | 0.01 | 0.38
 | -0.17 | 0.91 | -2.38
 | 0.14 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| A549 | -0.03 | 1.27
 | 2.36
 | 0.59

 | -0.41

 | 0.05

 | 1.87 | -0.08
 | 0.64 | 0.00 | 0.76
 | 2.70 | 1.39 | -0.42
 | -0.06 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| A549 Asc1
AS283 | 0.15 | 0.60
-2.65
 | 1.87
-4.93
 | 0.96
-2.78

 | 1.32
-0.56

 | 0.13

 | 1.75
-3.94 | -0.03
 | 0.62
-6.25 | -0.04 | 1.49
-2.65
 | -0.33 | 0.37 | -0.49
-2.66
 | -0.11
-0.12 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| AsPC-1
CA46 | 0.56 | 0.53
 | 3.52
 | 0.27

 | 0.65

 | 0.08

 | -0.22 | -0.07
 | 1.79 | 0.23 | 1.72
 | -1.14 | 1.92 | +0.58
 | -0.08 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| CAKI-1 | 0.25 | 1.36
 | 2.87
 | 2.24

 | 3.45

 | -0.03

 | 0.14 | -0.07
 | 1.58 | -0.09 | -1.20
 | 0.00 | 0.29 | -1.11
 | -0.09 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| CCRF-CEM
COLO 205 | 0.30 | -2.98
1.96
 | -4.92
3.17
 | 1.49
-2.82

 | -0.23
-0.37

 | 0.04

 | -2.79
1.57 | -0.05
0.19
 | -6.70
-0.59 | 0.00
-0.15 | -1.79
-1.12
 | 0.06 | -0.33 | -2.70
2.64
 | 0.03 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| COLO 829 | -0.49 | 0.32
 | 4.62
 | 0.25

 | -0.47

 | -0.19

 | 1.61 | 3.36
 | 1.32 | 1.36 | 3.01
 | 0.65 | 1.02 | 0.73
 | 0.67 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| EKVX | +0.58 | 2.55
 | 2.67
 | -0.84

 | 1.76

 | -0.04

 | 1.22 | 1.37
 | -0.10 | -0.13 | 0.69
 | 1.04 | 1.16 | -1.00
 | -0.07 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| GTL 16
HCC-2998 | 0.22 | 0.70
 | 2.15
 | -1.64

 | 2.71

 | 0.05

 | 0.62 | -0.31
 | 2.79 | -0.09
-0.07 | -1.21
 | -0.60
-1.01 | 0.50 | 0.59
 | -0.09 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| HCT-116 | 0.05 | 0.56
 | 0.40
 | 0.15

 | 3.05

 | -0.10

 | -0.83 | -0.11
 | 1.17 | 0.42 | 1.74
 | 0.39 | -0.55 | -1.57
 | -0.14 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| HCT-15
HL-60(TB) | 0.41 | -3.10
 | -4.28
 | -0.66

 | 1.36
0.14

 | 3.50

 | -1.10 | 2.25
 | -0.69
-6.82 | -0.11 | -1.38
-3.00
 | 0.27 | -0.06 | -2.17
 | -0.14 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| HOP-62
HOP-92 | 0.78 | 0.06
 | -4.53
-4.14
 | 2.49

 | 0.19

 | 0.17

 | -0.88 | 0.22
 | -1.43 | 0.53 | 1.04
 | -1.54
0.32 | 0.54 | -1.18
0.89
 | 0.42 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| HT-29 | -0.13 | 1.96
 | 4.00
 | -2.75

 | 4.57

 | -0.06

 | 1.01 | -0.11
 | 1.33 | -0.22 | -0.25
 | -1.74 | 0.68 | 0.00
 | -0.07 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| HeLa-luc
HuH-7 | 0.14 0.15 | -0.24
 | 3.35
 | -1.19
-0.84

 | 1.21
4.97

 | -0.12

 | 0.60 | -0.20
 | -0.32 | 0.21 0.10 | 0.56
 | -0.42 | -0.71 | 3.13
2.06
 | -0.06
-0.06 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| K-562 | 0.32 | -1.23
 | -1.61
 | -2.48

 | -0.33

 | 0.00

 | -2.53 | 0.44
 | -4.66 | 0.11 | -2.06
 | 0.28 | -5.09 | 1.51
 | -0.07 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| LOX IMVI | 0.36 | -2.32
 | -4.56
 | 2.05

 | -0.13

 | 0.18

 | -0.66 | 0.08
 | -0.18 | 0.14 | 1.37
 | 0.09 | 2.08 | 1.58
 | 0.53 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| M14
MALME-3M | -0.31
0.06 | -0.82
-0.77
 | 3.49
4.46
 | 1.69
-0.50

 | -0.44
-0.55

 | -0.09
-0.11

 | 1.64
2.09 | 4.87
8.03
 | -3.24
1.64 | 0.08 | -3.04
-0.16
 | 1.18
1.29 | -0.89
-0.67 | 1.72
2.02
 | 0.16
0.69 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| MCF7 | 0.66 | 1.48
 | 2.64
 | -0.49

 | 1.13

 | 0.77

 | 1.38 | 0.06
 | -1.64 | 0.39 | 0.23
 | -0.69 | -4.42 | -1.80
 | 0.14 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| MDA-MB-43 | -0.15 | -1.54
 | 3.03
 | -2.66

 | -0.43

 | 0.04

 | 0.55 | -0.11
 | 2.07 | -0.20 | -2.57
 | 0.64 | -0.75 | 0.43
 | 4.25 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| MDA-N
MOLT-4 | -0.26 | -0.85
 | 2.72
 | -2.67
0.43

 | -0.40
-0.60

 | 0.06

 | 0.34 | -0.01
 | 1.66
-6.78 | -0.10
-0.06 | -2.22
-0.62
 | 0.96 | -0.32 | 0.60
 | 1.44 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| NCI-H226 | -0.07 | -0.16
 | -0.92
 | 1.81

 | 0.02

 | 0.07

 | 0.52 | -0.30
 | -0.17 | 0.40 | 1.53
 | -0.51 | -1.10 | 3.35
 | -0.13 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| NCI-H23
NCI-H460 | -0.18 | -0.26
 | -2.19
-2.27
 | -0.68

 | -0.48

 | -0.15

 | 0.53 | -0.02
 | -1.14
-0.60 | -0.03 | -0.66
 | 0.48 | -1.29 | 1.66
-0.14
 | 0.29 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| NCI-H522
OVCAR-3 | 0.20 | 2.04
 | -1.70
1.86
 | 0.48

 | 1.59

 | -0.17

 | -2.35 | 0.09
 | -5.30
-1.53 | 0.06 | 0.40
 | -0.76 | -2.03 | -0.77
0.10
 | 0.04 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| OVCAR-5 | 0.59 | 2.11
 | 2.67
 | -0.35

 | 3.18

 | -0.11

 | -0.06 | -0.24
 | 1.20 | -0.06 | 0.74
 | -0.37 | 2.06 | 0.93
 | -0.26 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| PC-3
PC-3M | -0.02 | -0.83
-0.94
 | -1.92
-2.82
 | -0.83
0.04

 | -0.49
-0.33

 | -0.22
-0.11

 | -3.95 | -0.29
-0.52
 | 0.82 | -0.30
-0.27 | -1.24
-2.43
 | -0.45
-0.57 | -0.07 | -1.04
-0.95
 | 5.45 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| RXF 393 | 0.40 | -0.34
 | -4.51
 | 1.51

 | -0.11

 | 0.15

 | -0.81 | -0.03
 | 0.97 | 0.10 | 0.93
 | 0.00 | -0.46 | -0.97
 | 0.05 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| SR | 0.52 | -2.16
 | -4.57
 | -2.58

 | -0.22

 | 0.11

 | -0.65 | 0.16
 | -1.46 | 0.04 | 2.63
 | -0.51 | -1.42 | -1.30
 | 0.09 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| SW-620
U251 | -0.27 | -0.13
-0.10
 | 2.98
 | 0.57

 | -0.34
2.86

 | -0.08
-0.28

 | 0.13 | -0.22
0.14
 | -0.06 | 0.75 | 2.49 2.26
 | -1.34
-0.35 | 1.71
-0.26 | 1.32
-1.97
 | 0.01 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| UACC-62 | -0.16 | -0.05
 | 3.32
 | 1.56

 | 1.37

 | -0.01

 | 0.51 | -0.02
 | -3.83 | 0.85 | 2.49
 | 0.53 | 0.66 | 0.20
 | 0.17 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| | |
 |
 |

 |

 |

 | |
 | | | |
 | | |
 | | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| D | EGFR
[1565483_at] | ERBB2
[216836_s_at
 | ERBB3
[226213_at]
 | FGFR1
[226705_at]

 | FGFR2
[203638_s_at]

 | FLT3
[206674_at]

 | IGF1R
[225330_at] | KIT
[205051_s_at
 | MET
] [203510_at] | NGFR
[205858_at] | PDGFA
[205463_s_at]
 | TGFBR1
[224793_s_at] | TGFBR2
[208944_at] | TGFBR3
[226625_at]
 | KDR
[203934_at] | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375 | EGFR
[1565483_at]
-0.55
-0.16 | ERBB2
[216836_s_at
-0.13
-1.01
 | ERBB3
[226213_at]
-0.27
-1.79
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.05

 | FGFR2
[203638_s_at]
-1.54
0.28

 | FLT3
[206674_at]
0.03
0.02

 | IGF1R
[225330_at]
-0.25
-0.43 | KIT
[205051_s_at
0.03
-0.06
 | MET
[203510_at]
-0.25
-0.41 | NGFR
[205858_at]
-0.11
-0.47 | PDGFA
[205463_s_at]
-0.94
1.00
 | TGFBR1
[224793_s_at]
0.69
-1.57 | TGFBR2
[208944_at]
0.23
-1.23 | TGFBR3
[226625_at]
1.49
-0.77
 | KDR
[203934_at]
-0.14
0.30 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1 | EGFR
[1565483_at]
-0.55
-0.16
1.41
-0.37 | ERBB2
[216836_s_at
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
 | ERBB3
[226213_at]
-0.27
-1.79
-0.27
-0.30
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.05
-2.30
-0.53

 | FGFR2
[203638_s_at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01

 | FLT3
[206674_at]
0.03
0.02
0.00
-0.04

 | IGF1R
[225330_at]
-0.25
-0.43
-1.67
-0.43 | KIT
[205051_s_at
0.03
-0.06
4.66
0.28
 | MET
[203510_at]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02 | NGFR
[205858_at]
-0.11
-0.47
0.15
-0.03 | PDGFA
[205463_s_at]
-0.94
1.00
0.28
0.19
 | TGFBR1
[224793_s_at]
0.69
•1.57
•1.27
-0.47 | TGFBR2
[208944_at]
0.23
-1.23
-1.16
-0.42 | TGFBR3
[226625_at]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
 | KDR
[203934_at]
-0.14
0.30
-0.03
0.05 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
AS283 | EGFR
[1565483_at]
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63 | ERBB2
[216836_s_at
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.18
 | ERBB3
[226213_at]
-0.27
-0.27
-0.27
-0.30
0.41
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.05
-2.30
-0.53
0.53

 | FGFR2
[203638_s_at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41

 | FLT3
[206674_at]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.08

 | IGF1R
[225330_at]
-0.25
-0.43
-1.67
-0.43
-0.43
-0.46 | KIT
[205051_s_at]
0.03
-0.06
4.66
0.28
-0.06
 | MET
[203510_at]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68 | NGFR
[205858_at]
-0.11
-0.47
0.15
-0.03
0.02 | PDGFA
[205463_s_at]
-0.94
1.00
0.28
0.19
-0.15
 | TGFBR1
[224793_s_at]
0.69
-1.57
-1.27
-0.47
-0.16 | TGFBR2
[208944_at]
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77 | TGFBR3
[226625_at]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
 | KDR
[203934_at]
-0.14
0.30
-0.03
0.05
0.24 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
AS283
AsPC-1
CA46 | EGFR
[1565483 at]
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63
0.34
1.96 | ERBB2
[216836_s_at
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.18
-0.18
-0.42
-2.22
 | ERBB3
[226213_at]
-0.27
-1.79
-0.27
-0.30
0.41
-0.01
-0.17
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.05
-2.30
-0.53
0.53
0.04
0.45

 | FGFR2
[203638 s_at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14

 | FLT3
[205674_at]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.08
-0.04
0.09

 | IGF1R
[225330_at]
-0.25
-0.43
-1.67
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20 | KIT
[205051_s_at
0.03
-0.06
4.66
0.28
-0.06
0.12
0.00
 | MET
[203510_at]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68
-0.33
-0.45 | NGFR
[205858_at]
-0.11
-0.47
0.15
-0.03
0.02
-0.23
0.21 | PDGFA
[205463_s_at]
-0.94
1.00
0.28
0.19
-0.15
0.48
-0.08
 | TGFBR1
[224793_s_at]
0.69
-1.57
-1.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90 | TGFBR2
[208944_at]
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77
-0.38
-0.26 | TGFBR3
[226625_at]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
 | KDR
[203934_at]
-0.14
0.30
-0.03
0.05
0.24
0.08
-0.18 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A5283
AsPC-1
CA46
CAKL1
COPC-CEH | EGFR
[1565483 att]
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63
0.34
1.96
-0.44
-0.69 | ERBB2
[216836 s at
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.84
-0.18
-0.42
-0.22
-0.57
0.32
 | ERBB3
[226213 at]
-0.27
-0.27
-0.30
0.41
-0.01
-0.17
-0.61
0.31
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.05
-2.30
-0.53
0.53
0.04
0.45
-0.46
0.81

 | FGFR2
[203638_s_at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14
-2.21
-0.25

 | FLT3
[206674_at]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.08
-0.04
0.09
0.18
0.10

 | IGF1R
(225330_at)
-0.25
-0.43
-1.67
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04 | KIT
[205051_s_at
0.03
-0.06
0.28
-0.06
0.12
0.00
0.00
0.06
 | MET
[203510_at]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68
-0.33
-0.45
-0.51
0.37 | NGFR
[205858_at]
-0.11
-0.47
0.15
-0.03
0.02
-0.23
0.21
0.03
-0.11 | PDGFA
[205463_s_at]
-0.94
1.00
0.28
0.19
-0.15
0.48
-0.08
-0.04
0.17
 | TGFBR1
[224793_s_at]
0.69
-1.57
-0.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55 | TGFBR2
(208944_at)
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77
-0.38
-0.26
0.35
0.22 | TGFBR3
[226625_at]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
 | KDR
[203934_at]
-0.14
0.30
-0.03
0.05
0.24
0.08
-0.18
0.21
-0.06 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A5283
AsPC-1
CAM6
CAK1-1
COLO 205 | EGFR
(1565483_at)
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63
0.34
1.96
-0.44
-0.69
-0.08 | ERBB2
[216836_s_at
-0.13
-0.01
-0.54
-0.84
-0.18
-0.42
-2.22
-0.57
0.32
0.11
 | ERBB3
225213 at)
-0.27
-0.27
-0.30
0.41
-0.01
-0.17
-0.61
0.31
-0.39
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.05
-2.30
-0.53
0.53
0.04
0.45
-0.46
0.81
0.23

 | FGFR2
[203638 s at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14
-2.21
-0.25
0.02

 | FLT3
[206674_at]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.08
-0.04
0.09
0.18
0.10
-0.13

 | IGF1R
(225330_at)
-0.25
-0.43
-1.67
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35 | KIT
[205051_s at
0.03
-0.06
4.66
0.28
-0.06
0.12
0.00
0.00
0.06
-0.16
-0.02
 | MET
[203510_at]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68
-0.03
-0.45
-0.51
0.37
0.09 | NGFR
[205858_at]
-0.11
0.47
0.15
-0.03
0.02
-0.23
0.21
0.03
-0.11
0.11 | PDGFA
[205463 s at]
-0.94
0.28
0.19
-0.15
0.48
-0.08
-0.04
0.17
1.11
 | TGFBR1
[224793 s_at]
0.69
-1.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.59 | TGFBR2
[208944_at]
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77
-0.38
-0.26
0.35
0.22
-0.39 | TGFBR3
[226625_at]
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.32
-0.34
0.23
0.79
 | KDR
[203934_at]
-0.14
0.30
-0.03
0.05
0.24
0.08
-0.18
0.21
-0.06
0.04 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A548 Asc1
CA46
CAK1-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 205
COLO 205 | EGFR
(1565483_at)
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63
0.34
1.96
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.53 | ERBB2 at
-0.13
-0.13
-0.54
-0.54
-0.54
-0.42
-0.42
-0.57
-0.57
-0.32
-0.57
-0.32
-0.11
-0.94
-0.00
 | ER883
2226213_at)
-0.27
-0.27
-0.30
0.41
-0.17
-0.61
0.31
-0.39
-0.79
-0.79
-0.84
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.05
-2.30
-0.53
0.53
0.53
0.04
0.45
-0.46
0.81
0.23
-0.25
2.44

 | FGFR2
[203638 s at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14
-2.21
-0.25
0.02
0.19
-1.42

 | FLT3
[206674_at]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.08
-0.04
0.09
0.18
0.10
-0.13
0.21
0.16

 | IGF1R
(22530 at)
-0.25
-0.43
-1.67
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.32
-0.68 | KIT
[205051 s at
0.03
-0.06
4.66
0.28
-0.06
0.12
0.00
0.06
-0.12
0.00
0.06
-0.12
0.00
0.06
-0.12
0.00
0.06
-0.12
0.00
0.03
-0.12
0.00
0.03
-0.12
0.00
-0.06
-0.12
0.00
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.12
-0.06
-0.16
-0.16
-0.12
-0.06
-0.16
-0.12
-0.06
-0.16
-0.16
-0.12
-0.06
-0.16
-0.12
-0.06
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.12
-0.06
-0.16
-0.16
-0.06
-0.16
-0.02
-0.06
-0.16
-0.02
-0.06
-0.16
-0.02
-0.06
-0.16
-0.02
-0.06
-0.16
-0.02
-0.06
-0.16
-0.02
-0.06
-0.16
-0.02
-0.06
-0.16
-0.02
-0.16
-0.02
-0.16
-0.02
-0.16
-0.02
-0.16
-0.02
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-
 | MET
[203510_at]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68
-0.33
-0.45
-0.51
0.37
0.09
-2.05
0.79 | NGFR
[205858_at]
-0.11
-0.47
0.15
-0.03
0.02
-0.23
0.21
0.03
-0.11
0.11
-1.10
0.06 | PDGFA
[205463 s at]
-0.94
1.00
0.28
0.19
-0.15
0.48
-0.08
-0.04
0.17
1.11
-0.24
-0.17
 | TGFBR1
[224793 s at]
0.69
-1.57
-1.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.59
-0.59
-0.70
-0.60 | TGFBR2
[209944_at]
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77
-0.38
-0.26
0.35
0.22
-0.39
-1.05
0.85 | TGFBR3
[226625_at]
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.78
-0.29
-1.22
 | KDR
[203934_at]
-0.14
0.30
-0.03
0.05
0.24
0.08
-0.18
0.21
-0.06
0.04
-0.16
0.40 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A548
A549 Asc1
A5283
AsPC-1
CORF-CEM
COLO 205
COLO 205
C | EGFR
(1565483 at)
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63
0.34
1.96
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.53
1.68
0.20 | ER882
[216836_9_at
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.42
-0.57
0.32
-0.57
0.32
0.11
-0.94
0.00
-1.31
-0.94
 | ERB83
(226213_at)
-0.27
-1.79
-0.27
-0.30
0.41
-0.01
-0.17
-0.61
0.31
-0.39
-0.79
-0.84
-0.61
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.54
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.05
-2.30
-0.53
0.53
0.04
0.45
-0.46
0.81
0.23
-0.25
2.44
-1.47
 | FGFR2
[203638 e at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14
-0.25
0.02
0.02
0.19
-1.42
1.03
0.57

 | FLT3
[206674_at]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.08
-0.04
0.09
0.18
0.10
-0.13
0.21
0.16
0.01
0.05

 | (225330 at)
-0.25
-0.43
-1.67
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.32
-0.68
0.65
 | KIT
[205051at
0.03
-0.06
0.28
-0.06
0.12
0.00
0.06
-0.16
0.20
1.33
0.16
0.20
 | MET
[203510_at]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68
-0.33
-0.45
-0.51
0.37
0.09
-2.05
0.79
-3.41
-0.29
-0.45
-0.51
-0.21
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.51
-0.45
-0.45
-0.51
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.75
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
-0.79
- | NGFR
[205858_at]
-0.11
-0.47
0.15
-0.03
-0.23
0.21
0.03
-0.21
0.03
-0.11
0.11
0.11
0.10
0.06
0.00 | PDGFA
[205463_s_at]
-0.94
1.00
0.28
0.19
-0.15
0.48
-0.08
-0.04
0.17
1.11
-0.24
-0.17
1.30 | TGFBR1
[224793 • at)
0.69
-1.57
-0.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.59
-0.59
-0.70
-0.60
0.20
0.13
 | TGFBR2
[20944 at]
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77
-0.38
-0.26
0.35
0.22
-0.39
-1.05
0.85
-1.66
0.22 | TGFBR3
[226625_at]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-0.78
-0.29
-1.22 | KDR
[203934 at]
-0.14
0.30
-0.03
0.05
0.24
0.08
-0.18
0.21
-0.06
0.04
-0.16
0.40
-0.16
 | | |
 | |
 | | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | | |

 | |
 | |
 |

 |
 |
 | |
 | |

 | | | |
 | |
 | | |
 | | |
 |
 | | |
 | | | | | | |

 | | | | | | | | | | |
 | | | | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | | | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 | | | | |
 | | |
 | | |
 |
 | | |
 | | | | | | |
 | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A548
A549 Asc1
A5283
AsPC-1
CORF-CEM
COLO 205
COLO 205
C | EGFR
[155543] at
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63
0.34
-0.69
-0.08
1.25
-0.53
1.68
-0.79
0.20 | ERBE2
[216836_9_at
-0.13
-1.01
-0.54
-0.54
-0.84
-0.42
-0.57
0.32
0.11
-0.94
0.00
-1.31
0.34
-0.30
 | ERBB3
(226213_at)
-0.27
-1.79
-0.30
0.41
-0.01
-0.01
-0.17
-0.61
0.31
-0.39
-0.79
-0.84
-0.61
-0.61
-0.22
-0.78
 | FGFR1
(226705_at)
0.80
-1.05
-0.53
0.53
0.04
0.45
-0.46
0.81
0.23
-0.25
2.44
-1.47
0.17
0.01
 | FGFR2
[203638 & at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14
-0.25
0.02
0.19
-1.42
1.03
-0.57
-0.57
-0.43

 | FLT3 [206574_st] 0.03 0.02 0.00 -0.04 -0.08 -0.04 0.09 0.18 0.10 -0.13 0.21 0.16 0.01 -0.05

 | IGF1R
[225330_et]
-0.25
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.32
-0.68
-0.32
-0.68
-0.64
-0.47
 | KIT
[205051_0_at
0.03
-0.06
0.28
-0.06
0.12
0.00
0.06
-0.16
-0.02
1.33
0.16
0.20
-0.01
-0.32
 | MET
[203510.41]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68
-0.33
-0.45
-0.51
-0.51
-0.37
-0.99
-2.05
-0.79
-1.41
0.29
-0.29
-0.30 | NGFR
[205858_at]
-0.11
-0.47
0.15
-0.03
-0.02
-0.23
0.21
0.03
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.10
0.06
0.00
-0.02
-0.07 | PDGFA
[205463_s_at]
-0.94
1.00
0.28
0.19
-0.15
0.48
-0.04
0.07
1.11
-0.24
-0.17
1.20
0.43
-0.89 | TGFBR1
[224793 • et]
0.69
-1.57
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.59
-0.59
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.98
 | TGFBR2
[209944_at]
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77
0.38
-0.26
0.38
-0.26
0.32
0.22
-0.39
-1.05
0.85
-1.66
0.38
0.40 | TGFBR3
[226625_at]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79 | KDR
[203934 at]
-0.14
0.30
-0.03
0.05
0.24
0.08
-0.18
0.21
-0.06
0.04
-0.16
0.40
-0.16
0.001
-0.15
 | | |
 | |
 | | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | | |

 | |
 | |
 |

 |
 |
 | |
 | |

 | | | |
 | |
 | | |
 | | |
 |
 | | |
 | | | | | | |

 | | | | | | | | | | |
 | | | | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | | | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 | | | | |
 | | |
 | | |
 |
 | | |
 | | | | | | |
 | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549
A549 Asc1
A5283
AsPC-1
CA46
CA461
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 205 | EGFR
1565483 at
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63
0.34
-0.69
-0.08
1.25
-0.53
1.68
-0.79
0.20
-0.36
0.42 | ERB52
[216836.0 at
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.18
-0.42
-2.22
-0.57
0.32
0.11
-0.94
-0.00
-1.31
0.34
-0.30
-0.52
-0.19
 | ERBB3
(226213 at)
-0.27
-0.30
0.41
-0.01
-0.17
-0.61
0.31
-0.39
-0.79
-0.84
-0.61
-0.61
-0.79
-0.84
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.30
-0.30
-0.51
-0.30
-0.30
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.31
-0.32
-0.32
-0.31
-0.31
-0.31
-0.32
-0.31
-0.32
-0.32
-0.32
-0.31
-0.32
-0.32
-0.31
-0.32
-0.32
-0.32
-0.31
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.51
-0.51
-0.52
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
 | FGFR1
(226705-at)
0.80
0.05
0.053
0.053
0.04
0.45
0.045
0.045
0.045
0.045
0.045
0.045
0.045
0.045
0.045
0.045
0.025
2.44
-1.07
0.01
-0.001
-0.054
 | FGFR2
[203638 6 at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14
-0.25
0.02
0.19
-1.42
103
-0.25
0.02
0.19
-1.42
103
-0.57
-0.43
-0.61
0.17

 | FLT3
[20674.et]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.08
-0.04
0.09
0.18
0.10
-0.13
0.21
0.16
0.01
-0.05
0.08
0.05
-0.06

 |
IGF1R
[225330_et]
-0.25
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.44
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.32
-0.68
0.65
-0.32
-0.68
0.65
-0.47
-1.73
-0.43
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.13
-0.13
-0.13
-0.13
-0.13
-0.13
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15 | KIT
[205054 _ at
0.03
-0.06
4.66
0.28
-0.06
0.12
0.00
0.06
-0.16
0.20
-0.16
0.20
-0.16
-0.26
 | MET
203510 at)
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68
-0.33
-0.45
-0.51
0.37
0.09
-2.05
0.79
-1.41
0.30
-0.48
0.29
0.30
-0.48
0.02 | NGFR [205858.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 -0.11 -1.10 0.06 0.10 -0.03 -0.21 -0.31 | PDGFA
[205463_0_t1]
-0.94
1.00
0.28
0.19
-0.15
0.48
-0.08
-0.04
0.17
1.11
-0.24
-0.17
1.30
-0.24
-0.17
1.30
-0.43
-0.89
-0.55
1.21
 | TGFBR1
[224793 s at
0.69
-1.57
-0.47
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.59
-0.70
-0.60
0.20
-0.28
0.98
-0.28
0.16 | TGFBR2
202944_at)
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77
-0.38
-0.26
0.35
0.22
-0.39
-1.05
0.85
-0.66
0.38
-0.40
-0.85
-0.43 | TGFBR3
[226025.at]
1.43
0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
0.79
0.23
0.78
0.79
0.23
0.78
0.79
0.29
0.73
0.65
0.679
0.65
0.679
1.22
0.73
0.65
0.79
1.22 | KDR
[203934.at]
-0.14
0.30
0.05
0.24
0.08
-0.18
0.21
-0.06
0.04
-0.16
0.40
-0.16
0.40
-0.15
-0.07
-0.09
 | | |
 | |
 | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | |
 |
 | | | | | | |
 | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | | | |

 | |
 | |
 |

 |
 |
 | |
 |
 |

 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | | |
 |
 | | | | | | | | | | |
 | | | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | |
 | |
 | |
 |
 |
 | |
 | |
 |
 | | | | | |
 | | |
 | |
 |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
A549 Asc1
A549 Asc1
A549
Ast9
Ast9
Ast9
Ast9
Ast9
Ast9
Ast9
Ast | EGFR
[15543.3]
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
0.63
0.34
-0.69
-0.08
1.25
-0.53
1.68
-0.73
1.68
-0.73
1.68
-0.73
-0.53
1.68
-0.73
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | ER862
216836 9 at
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.42
2.72
0.32
0.11
-0.94
-0.44
-0.44
-0.18
-0.42
2.72
0.32
0.11
-0.94
-0.00
-0.57
0.32
0.13
-0.57
0.32
0.34
-0.30
-0.57
-0.30
-0.57
-0.57
-0.32
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
 | ERBB3
[26613 at]
0.27
1.79
0.27
0.30
0.41
0.01
0.01
0.01
0.17
0.61
0.31
0.39
0.79
0.84
0.61
0.22
0.78
0.51
0.23
0.44
0.044
 | FGFR1
(226795 at)
0.80
-1.03
-2.30
0.53
0.53
0.04
0.45
0.46
0.81
0.23
0.23
0.23
0.23
0.24
0.47
0.081
0.23
0.25
2.44
-1.47
0.01
0.01
0.01
0.05
4
0.54
0.54
0.58

 | FGFR2
[203538

 | FLT3
[205974 at]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.04
-0.04
0.09
0.18
0.10
0.10
0.13
0.21
0.16
0.01
0.05
0.08
0.15
-0.06
0.03
0.03

 | IGF1R
[225330_ef]
-0.25
-0.43
-1.67
-0.43
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.32
-0.68
0.65
-0.44
-0.47
-1.73
-0.13
-0.32
-0.68 | KIT str [20591] s. at 0.03 0.06 0.28 0.06 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 1.33 0.16 0.01 0.01 0.01 0.02 1.38 0.16 0.24 0.05 0.16 0.24 1.80
 | MET
203510_at]
-0.25
-0.41
-0.56
-0.02
-0.68
-0.33
-0.45
-0.51
0.37
0.99
-2.05
-2.05
-0.51
0.37
0.99
-2.41
0.29
-1.41
0.29
-0.48
0.29
-0.48
0.29
-0.48
-0.29
-0.41
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.52
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | NGFR
[205855.4]
-0.11
-0.47
-0.47
-0.47
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.15
-0.23
-0.21
-0.11
-0.11
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.23
-0.15
-0.23
-0.15
-0.23
-0.15
-0.23
-0.15
-0.23
-0.15
-0.23
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.23
-0.11
-0.15
-0.15
-0.15
-0.23
-0.11
-0.11
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0 | PDGFA
(205463 &
1)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.19
-0.15
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.07
-0.17
-0.17
-0.17
-0.13
-0.48
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.95
-0.94
-0.95
-0.94
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0.95
-0 | TCFER1
[224733.6.8]
0.69
1.57
0.72
0.47
0.15
0.15
0.15
0.70
0.70
0.70
0.70
0.60
0.70
0.70
0.70 | TGFBR2
202944_at)
0.23
-1.23
-1.16
-0.42
0.77
-0.38
-0.26
0.35
0.22
-0.39
-1.05
0.85
-1.55
0.38
0.26
0.35
0.22
-0.39
-1.05
0.85
-1.25
0.35
0.35
0.35
0.22
-0.43
0.56
0.43
0.56
0.43
0.56
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55 | TGFBR3
[22625_at]
1.49
-0.77
-0.23
0.27
-0.23
0.32
0.32
0.23
0.23
0.29
0.23
0.29
0.29
0.29
0.29
0.29
0.29
0.29
0.29
 | KDR KDR (203934. et) -0.14 -0.30 -0.03 0.05 0.24 0.00 0.05 0.24 0.06 0.08 -0.18 0.21 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.15 -0.09 -0.21 -0.21 -0.21 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc | EGFR
[155453 at 20
0.55
0.16
1.41
0.63
0.34
1.96
0.044
0.09
0.03
1.68
0.79
0.70
0.32
1.68
0.79
0.70
0.32
1.68
0.79
0.25
0.35
1.68
0.79
0.25
0.35
1.68
0.34
0.55
0.35
0.55
0.16
0.55
0.16
0.55
0.16
0.55
0.55
0.16
0.55
0.55
0.16
0.55
0.16
0.55
0.55
0.16
0.55
0.55
0.16
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0.57
0. | 216836 0.13 216836 0.34 -0.13 -0.13 -0.04 0.54 -0.84 -0.54 -0.84 -0.18 -0.32 -0.57 0.32 0.11 0.94 -0.57 0.32 0.11 0.94 -0.59 0.32 0.11 0.94 0.00 -1.31 0.34 0.30 -0.52 -0.16 -0.14
 | ERBB3 [26213 at] 2.72 -0.27 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.39 -0.78 -0.61 0.31 -0.27 0.61 0.21 -0.57 -0.51 0.03 -0.44 0.30
 | FGFR1
[226705_at]
0.80
-1.03
-2.30
0.53
0.53
0.04
0.45
0.46
0.81
0.23
0.25
2.44
-1.47
0.01
0.01
0.01
0.054
0.54
0.80
0.54
 | FGFR2
[203538 _ at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14
-2.21
-0.25
0.02
0.19
-1.42
1.03
-0.57
-0.43
-0.61
0.17
-0.64
-0.55
-0.02

 | FLT3
[205974 at]
0.03
0.02
0.00
-0.04
-0.04
0.09
0.10
0.09
0.10
0.10
0.10
0.11
0.16
0.01
0.05
0.08
0.15
0.03
0.03
0.03
0.021
0.03

 | IGF1R
[225330
ef]
-0.25
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.32
-0.68
-0.65
-0.64
-0.65
-0.44
-0.47
-1.73
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.45
-0.65
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.44
-0.47
-0.35
-0.44
-0.47
-0.35
-0.44
-0.47
-0.35
-0.44
-0.47
-0.35
-0.44
-0.47
-0.35
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45 | KIT at [20595] • at 0.03 0.06 0.06 0.28 0.06 0.06 0.12 0.00 0.66 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 1.33 0.16 0.01 0.031 0.16 0.021 1.38 0.16 0.24 0.80 0.45
 | MET [203510.4] -0.25 -0.41 -0.33 -0.45 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.11 | NGFR
[205555.4]
-0.11
-0.47
-0.47
-0.47
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.11
-0.11
-0.11
-0.10
-0.02
-0.07
-0.06
-0.10
-0.02
-0.07
-0.03
-0.18
-0.18
-0.18
-0.22 | PDGFA
(205463 &
et)
-0.94
-0.94
-0.98
-0.19
-0.15
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.07
-0.17
-0.17
-0.17
-0.89
-0.58
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
- | TGFBR1
[224793_9_69
-5.57
-1.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.55
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.98
-0.28
-0.16
0.47
-0.33
-0.58
-0.28
-0.16
-0.47
-0.38
-0.58
-0.28
-0.16
-0.47
-0.38
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.59
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0. | TGFBR2
205944, at
0.23
1.126
-0.42
0.77
-0.38
-0.26
0.32
0.22
-0.39
-1.05
0.85
-1.66
0.38
0.40
-1.59
-0.43
0.40
-0.42
0.7
-0.38
-0.40
-0.42
-0.56
-0.42
-0.42
-0.56
-0.42
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.42
-0.56
-0.56
-0.42
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56
-0.56 | TGFBR3
[22625_at]
1.49
-0.77
-0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.23
0.23
0.23
0.23
0.23
0.23
0.23
 | KDR 41
233334 41
0.30
0.5
0.24
0.08
0.24
0.08
0.24
0.08
0.21
0.06
0.04
0.06
0.04
0.06
0.04
0.06
0.04
0.05
0.04
0.05
0.07
0.05
0.24
0.21
0.21
0.24
0.21
0.24
0.21
0.24
0.22
0.24
0.22
0.24
0.24
0.21
0.24
0.24
0.21
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.24
0.04
0.24
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
COLO 205
COLO 2 | EGFR
[155453 av]
(155453 av]
-0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.63
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.69
-0.44
-0.69
-0.44
-0.59
-0.5
-0.16
-0.5
-0.16
-0.5
-0.16
-0.5
-0.16
-0.5
-0.16
-0.5
-0.16
-0.5
-0.16
-0.5
-0.16
-0.5
-0.5
-0.5
-0.16
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0.5
-0 | CRB02 [216536,]
 | ERBB3 226213 21 2.72 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.39 -0.27 -0.30 -0.61 0.31 -0.41 -0.07 -0.61 -0.17 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 0.03 -0.44 -0.30 -0.44 -0.30 -0.90 -0.22 -0.78 -0.51 -0.78 -0.41 -0.30 -0.44 -0.22 -0.78 -0.21 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.30 -0.90 -0.22 -0.22 -0.78 -0.25 -0.30 -0.44 -0.30 -0.90 -0.22 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25 -0.30 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25 -0.25
 | FGFR1
[227705.as]
227705.as]
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.17
-0.17
-0.08
-0.54
-0.50
-0.54
-0.53
 | FGFR2
[203538 _ at]
-1.54
0.28
0.77
-1.01
0.41
-0.69
0.14
-2.21
-0.25
0.02
0.19
-1.42
1.03
-0.57
-0.43
-0.61
0.17
-0.64
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02

 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.09
0.18
0.10
0.13
0.21
0.01
0.05
0.08
0.01
0.05
0.08
0.05
0.08
0.03
0.03
0.03
0.021
0.03
0.021
0.03
0.021
0.03
0.03
0.02
0.03
0.02
0.04
0.04
0.04
0.03
0.02
0.04
0.04
0.03
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04

 | IGF1R
[225330,
df)
-0.25
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.32
-0.68
-0.65
-0.32
-0.68
-0.65
-0.44
-0.47
-0.47
-0.47
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.45
-0.65
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.44
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42 | KIT 200051 3 200051 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.10 0.00 0.01 0.00 0.06 0.12 0.00 0.06 0.02 0.00 0.06 0.02 0.016 0.02 0.01 0.02 0.01 0.32 0.16 0.24 1.80 0.045 0.07 0.32
 | MET [203510.4] -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.77 -0.79 -0.41 -0.29 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.42 -0.02 -0.02 -0.10 -1.11 -0.80 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 -0.11 0.11 0.10 0.02 -0.23 0.21 0.03 -0.11 0.10 0.06 0.10 -0.07 -0.07 -0.03 -0.18 -0.64 0.22 -0.22 -0.22 | PDGFA
[205463_6_4]
0.94
1.00
0.28
0.19
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
 | TGFBR1
[224793_s-0;69
-5,77
-1,27
-0,16
-0,15
-0,16
-0,15
-0,16
-0,13
-0,15
-0,59
-0,70
-0,13
-0,59
-0,70
-0,60
-0,13
-0,59
-0,20
-0,13
-0,98
-0,28
-0,13
-0,47
-0,13
-0,98
-0,28
-0,13
-0,47
-0,13
-0,47
-0,28
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,13
-0,55
-0,20
-0,13
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,13
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0,20
-0 | TGFBR2
205944, at
0.23
1.126
-0.42
0.77
-0.38
-0.26
0.32
0.22
-0.39
-1.05
0.85
-1.66
0.38
0.40
-0.43
0.40
-0.43
0.56
0.47
0.56
0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
- | TGFBR3
[22652.a4]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.78
-0.29
-0.23
0.78
-0.29
-0.23
0.78
-0.29
-0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79
-0.23
0.65
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.29
-0.23
0.73
0.65
-0.29
-0.23
0.73
0.65
-0.29
-0.23
0.73
0.65
-0.29
-0.23
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.7 | KDR 41
239394 41
239394
41
0.30
0.5
0.24
0.08
0.24
0.08
0.21
0.06
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.05
0.05
0.24
0.08
0.21
0.08
0.24
0.08
0.24
0.08
0.24
0.08
0.24
0.08
0.24
0.08
0.24
0.08
0.24
0.08
0.24
0.08
0.24
0.04
0.04
0.04
0.21
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.24
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0 | | |
 |
 | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | |
 |
 | | | | | | |
 | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | | | |

 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | | |
 | | |
 | | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | |
 | |
 |
 |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | | |
 | |
 |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
COL 705
COL 0 205
COL 0 20 | EGFR
[15543] 47
(15543] 47
-0.55
-0.16
1.41
-0.37
-0.37
-0.37
-0.37
-0.37
-0.37
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.44
-0.57
-0.5
-0.5
-0.16
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.44
-0.99
-0.42
-0.55
-0.56
-0.44
-0.99
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.42
-0.26
-0.26
-0.42
-0.26
-0.26
-0.42
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0. | ERB62
[216936, a, 4]
-0.13
-0.101
-0.54
-0.84
-0.84
-0.42
-0.57
0.32
-0.11
-0.94
-0.33
-0.42
-0.57
0.32
-0.11
-0.94
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.57
-0.54
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.32
-0.15
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0
 | ERB3 [26213 at] -0.77 -0.30 -0.47 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.79 -0.61 0.31 -0.78 -0.51 0.78 -0.51 0.030 -0.44 0.30 -0.44 0.90 0.22 -0.23
 | FGFR1
[227705
as]
0.4
-2.30
-0.53
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.17
-0.17
-0.17
-0.17
-0.17
-0.17
-0.17
-0.17
-0.17
-0.17
-0.17
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0
 | FGFR2
[203538 _ at]
-1.54
0.77
-0.28
0.77
-0.69
0.14
-2.21
-0.25
0.02
0.19
-1.42
1.03
-0.57
-0.43
-0.61
0.17
-0.64
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.57
-0.58
-0.57
-0.58
-0.57
-0.58
-0.57
-0.58
-0.57
-0.58
-0.57
-0.58
-0.57
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55

 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.09
0.18
0.10
0.13
0.21
0.05
0.08
0.05
0.08
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03

 | IGF1R
[225330 e12
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.45
-0.43
-0.43
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.46
-0.45
-0.43
-0.46
-0.45
-0.43
-0.46
-0.45
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.45
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.44
-0.43
-0.44
-0.43
-0.44
-0.43
-0.44
-0.43
-0.44
-0.43
-0.46
-0.42
-0.44
-0.43
-0.46
-0.42
-0.44
-0.43
-0.46
-0.42
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.46
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.45
-0.43
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45 | KIT 200051 3 200051 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.06 0.12 0.06 0.12 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.032 0.016 0.24 0.04 1.80 0.24 0.05 0.07 0.32 0.045 0.07 0.32
 | MET [203510.4] -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 2.09 0.30 0.41 0.29 0.30 0.41 0.29 0.30 0.48 0.02 0.10 1.11 0.13 0.88 -0.88 | NGFR
[205558.a4]
-0.11
-0.47
-0.35
-0.03
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.15
-0.03
-0.03
-0.11
-0.06
-0.07
-0.02
-0.07
-0.18
-0.64
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22 | PDGFA
(205463 _ e
1)
0.94
1.00
0.28
0.19
0.15
0.48
-0.08
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.17
-1.10
-0.15
-0.48
-0.04
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.28
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38
-0.38 | TGFBR1 1224793 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
-205944, 4]
-20594
-1,16
-0,26
-0,26
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,26
-0,38
-0,46
-0,45
-0,45
-0,46
-0,45
-0,46
-0,45
-0,46
-0,45
-0,46
-0,45
-0,46
-0,45
-0,46
-0,46
-0,46
-0,46
-0,46
-0,46
-0,46
-0,46
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,47
-0,4 | TGFBR3
[22652 a)
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.78
-0.79
0.23
0.78
-0.79
0.23
0.78
-0.79
0.23
0.78
-0.79
1.22
0.73
0.65
-0.79
1.22
0.73
0.65
-0.79
1.22
0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
 | KDR (23939.4. eff (23939.4. eff (300) | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
COL 0205
COL 0 205
COL 0 2 | EGFR
[15543] 47
(15543] 47
-0.55
-0.15
-0.41
-0.37
-0.37
-0.37
-0.37
-0.37
-0.37
-0.37
-0.37
-0.41
-0.99
-0.08
-0.44
-0.99
-0.08
-0.44
-0.99
-0.09
-0.32
-0.55
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.44
-0.99
-0.09
-0.09
-0.04
-0.99
-0.09
-0.32
-0.55
-0.15
-0.15
-0.44
-0.99
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.35
-0.44
-0.99
-0.26
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.32
-0.35
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.26
-0.27
-0.27
-0.27
-0.26
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.26
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.26
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27
-0.27 | 0 0 1216336 -0 -0 13 -0.101 -0.54 -0.84 -0.13 -0.04 -0.32 0.032 0.011 0.94 -0.32 0.11 -0.94 0.032 0.11 0.94 -0.33 0.13 -0.42 2.22 -0.19 0.34 -0.30 -0.54 -0.14 -0.34 -0.30 -0.16 -0.14 -0.78 -1.14 -0.35 -0.10
 | ERB3 [26213 at] -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.79 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 0.33 -0.64 -0.61 0.33 -0.78 -0.51 0.03 -0.44 0.30 0.90 0.22 -0.43 -0.44 0.30 -0.25 -0.44 0.30 -0.20 -0.44 -0.63 -0.48 -0.63
 | FGFR1
[227705
a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.17
-0.17
-0.03
-0.54
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
 | FGFR2
[203538 _ at]
-1.54
0.77
-0.41
-0.69
0.14
-2.21
-0.25
0.02
0.19
-1.42
1.03
-0.57
-0.43
-0.61
0.017
-0.64
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.57
-0.58
-0.58
-0.57
-0.58
-0.58
-0.58
-0.57
-0.58
-0.57
-0.58
-0.58
-0.57
-0.58
-0.58
-0.58
-0.57
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.58
-0.

 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.09
0.18
0.10
0.13
0.21
0.16
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.0

 | IGF1R
[225330 e12
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.31
-0.66
-0.63
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.45
-0.43
-0.43
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.43
-0.46
-0.45
-0.43
-0.46
-0.45
-0.43
-0.46
-0.45
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.44
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.43
-0.45
-0.44
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.45
-0.43
-0.43
-0.43
-0.45
-0.43
-0.45
-0.43
-0.43
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45 | KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.10 0.06 0.12 0.06 0.12 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.032 0.016 0.24 0.04 1.80 0.24 0.05 0.07 0.32 0.045 0.07 0.24 0.010 0.71 0.05
 | MET [203510.4] -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.77 0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.70 -0.11 0.30 -0.42 0.00 -1.11 0.01 -1.13 0.08 -0.80 -0.12 -1.23 | NGFR
[205558.a4]
-0.11
-0.47
-0.35
-0.03
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.15
-0.03
-0.10
-0.07
-0.02
-0.07
-0.03
-0.18
-0.64
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.21
-0.14
-0.21 | PDGFA
(205463 _ e
1
0.94
1.00
0.28
0.19
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0. | TGFBR1 1224793 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
-205944, 4]
-20594
-1,16
-0,27
-0,26
0,37
-0,26
0,38
-0,26
0,33
0,22
-0,39
-0,43
0,45
0,45
0,41
-0,42
0,77
-0,45
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,55
0,5 | TGFBR3
[226625.49]
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.79
0.23
0.78
-0.79
0.23
0.78
-0.79
0.23
0.78
-0.79
0.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.59
1.22
0.73
0.65
-0.79
1.22
0.73
0.65
-0.79
1.22
0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
 | KDR KDR (23939.4. eff -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 -0.14 -0.06 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 -0.07 -0.09 -0.21 -0.02 -0.21 -0.02 -0.15 -0.07 0.02 -0.15 0.07 -0.12 0.14 -0.07 0.07 -0.13 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 20 | EGFR
[15543] 40,55
-0.16
-0.44
-0.57
-0.37
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.44
-0.69
-0.35
-0.16
-0.44
-0.55
-0.16
-0.44
-0.55
-0.16
-0.44
-0.55
-0.16
-0.44
-0.55
-0.16
-0.44
-0.55
-0.16
-0.44
-0.55
-0.16
-0.44
-0.55
-0.16
-0.44
-0.55
-0.16
-0.44
-0.55
-0.55
-0.16
-0.44
-0.99
-0.08
-0.44
-0.99
-0.08
-0.44
-0.99
-0.08
-0.44
-0.99
-0.36
-0.44
-0.99
-0.26
-0.36
-0.45
-0.46
-0.26
-0.36
-0.46
-0.26
-0.36
-0.26
-0.36
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0.26
-0 | 0 0 1216336 -0 -0 13 -0.101 -0.54 -0.84 -0.13 -0.032 -0.07 0.32 0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.33 -0.16 -0.16 -0.16 -0.14 -0.35 -0.10 -0.46 -1.73
 | ERB3 [26213 at] -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.79 -0.84 -0.61 0.31 -0.78 -0.51 0.79 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 0.03 -0.44 0.30 0.90 0.22 -0.43 -0.44 0.30 0.90 0.28 -0.48 -0.63 -0.11 1.84
 | FGFR1
[227705
a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.53
-0.46
-0.53
-0.54
-0.53
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
 | FGFR2
[203538 _ at]
-1.54
0.77
-0.28
0.77
-0.69
0.14
-2.21
-0.25
0.02
0.19
-1.42
1.03
-0.57
-0.43
-0.57
-0.61
0.017
-0.64
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.02
-0.55
-0.55
-0.02
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.5

 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.09
0.18
0.10
0.13
0.21
0.16
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.0

 | IGF1R
[225330 e12
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.44
-0.35
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.43
-0.46
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.43
-0.45
-0.43
-0.44
-0.32
-0.68
-0.44
-0.43
-0.44
-0.45
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.46
-0.43
-0.44
-0.43
-0.44
-0.43
-0.46
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.44
-0.43
-0.43
-0.44
-0.43
-0.46
-0.44
-0.43
-0.46
-0.43
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.45
-0.44
-0.45
-0.45
-0.46
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.68
-0.45
-0.45
-0.45
-0.44
-0.45
-0.68
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45 | KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.06 0.12 0.06 0.12 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.032 0.016 0.24 0.04 1.80 0.24 0.05 0.24 1.80 0.24 1.80 0.24 0.07 0.32 0.07 0.24 0.10 0.71 0.71 0.05 0.24 0.10 0.71 0.75 0.24 1.47 1.47
 | MET [203510.4] -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.77 0.99 -0.90 -0.91 -0.91 -0.92 -0.93 -0.71 -0.72 -0.73 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.70 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.70 -0.79 -0.70 -0.70 -0.70 -0.71 -0.79 -0.79 -0.79 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.023 0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 -0.13 -0.06 -0.07 0.00 -0.13 -0.164 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 0.21 0.21 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 | PDGFA
[205463 _ e
1]
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
1.11
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
1.11
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
1.11
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
1.11
0.04
0.05
1.11
0.04
0.05
1.11
0.04
0.05
1.11
0.04
0.04
0.05
1.12
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0 | TGFBR1 1224793 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
-205944, 4]
-20594, | TGFBR3
[22652.a)
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.79
0.23
0.78
-0.79
0.23
0.78
-0.79
0.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.73
0.65
-0.79
1.22
0.73
0.65
-0.79
1.22
0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.23
0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73 |
KDR
223334.41
223334.41
0.30
-0.14
0.30
-0.33
0.24
0.08
-0.18
0.21
0.06
0.21
0.04
0.21
0.06
0.24
0.08
-0.18
0.21
0.04
0.24
0.04
0.21
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.24
0.08
0.24
0.04
0.24
0.08
0.24
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.07
0.05
0.07
0.05
0.07
0.07
0.07
0.09
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.07
0.02
0.02
0.07
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.02
0.13
0.02
0.13
0.13
0.13
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15 | | |
 |
 | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | |
 |
 | | | | | | |
 | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | | | |

 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | | |
 | | |
 | | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | |
 | | | | | | | | |
 | | | |
 | |
 |
 |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | | |
 | |
 |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 20 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
-0.54
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | 0 0 [216536, g, s] -0.13 -0.10 -0.54 -0.84 -0.54 -0.84 -0.42 -2.22 -0.33 -0.11 -0.94 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.94 -0.34 -0.34 -0.34 -0.55 -0.16 -0.16 -0.14 -0.35 -0.10 -0.46 -0.17
 | ERB3 [226213 at] -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.78 -0.61 0.31 -0.39 -0.84 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.78 -0.74 -0.78 -0.74 -0.74 -0.78 -0.74 -0.74 -0.74 -0.74 -0.74 -0.74 -0.74 -0.74
 | FGFR1
[227058
av]
0.4
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.50
-0.50
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.45
-0.54
-0.54
-0.55
-0.45
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0
 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 -0.57 -0.61 0.71 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.14 -0.57 -0.51 -0.52 -0.53 -0.61 -0.17 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.53 -0.54 -0.55 -0.58 -0.58 -0.25 -0.58 -0.51 -0.52 -0.53 -0.54 -0.55 -0.55 -0.57 -0.57 <tr t=""> <tr <="" th=""><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.05 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.05 0.03 -0.05 0.03 -0.15 -0.12 0.41 -0.05 0.05 0.03 -0.12 0.24 -0.05 0.03 0.04 -0.05 0.05 0.06 0.09 0.03</th><th>IGFIR
[225330 e12
-0.25
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20</th><th>KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 0.03 0.06 0.02 0.04 0.07 0.032 0.04 1.80 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.20 0.20 0.32 0.07 0.32 0.45 0.10 0.71 0.05 2.8 1.47</th><th>1203510 41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.96 -0.78 -0.77 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.74 -0.74</th><th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.02 0.02 0.07 0.007 0.007 0.013 -0.18 -0.19 -0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 -0.11 -0.12</th><th>PDGFA
(205463 _ e
1)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.03
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.28
0.48
0.04
0.48
0.28
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0</th><th>TGFBR1
[224793_969
1.57
1.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.59
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.98
-0.28
0.16
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
0.47
1.82
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.04
1.82
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.05
0.05
0.02
0.20
0.20
0.20
0.20
0.22
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47</th><th>TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4</th><th>TGFBR3
[22652.a4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
0.78
0.79
0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.20
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.</th><th>KDR EXP (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.32
 -0.21 0.35 -0.15 0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.31 0.16 0.407 -0.13 0.15 -0.13</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 20</th><th>EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.15
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.36
0.27
-0.36
0.26
-1.16
-0.85
0.26
-0.26
-1.16
-0.85
0.84
-0.26
-0.35
0.84
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.2</th><th>ERB62
[216536, 9, 4
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.42
-0.22
-0.57
0.32
0.11
-0.94
-0.03
-0.42
-0.57
-0.32
0.11
-0.94
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.32
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.23
-0.22
-0.11
-0.24
-0.18
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.10
-0.42
-0.25
-0.10
-0.42
-0.52
-0.16
-0.16
-0.16
-0.24
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.16
-0.16
-0.24
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.16
-0.16
-0.14
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.2</th><th>ERB3
[226213 at]
-0.27
-0.27
-0.30
-0.41
-0.01
-0.17
-0.61
-0.31
-0.39
-0.78
-0.61
-0.39
-0.78
-0.61
-0.27
-0.61
-0.39
-0.41
-0.41
-0.41
-0.41
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.79
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.79
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.78
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.78
-0.51
-0.28
-0.28
-0.28
-0.18
-0.28
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.9</th><th>FGFR1
[227058
av]
0-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.45
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-1.47
-0.17
-0.47
-0.47
-0.47
-0.50
-0.50
-0.50
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 -0.57 -0.61 0.71 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.14 -0.57 -0.53 -0.61 0.17 -0.62 -0.55 -0.61 0.17 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.53 -0.54 -0.55 -0.58 -0.57 -0.58 -0.57 -0.58 -0.57 -0.80 -0.71</th><th>FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.04
0.03
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01</th><th>IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20</th><th>KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 1.33 0.16 0.02 0.31 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.016 0.32 0.03 0.03 0.07 0.32 0.01 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.02 0.01 0.71 0.05 2.26 0.47 0.06 0.04 <th>1203510 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 0.93 -0.45 0.09 -0.48 0.02 -0.10 1.11 -0.08 -0.88 -0.02 -1.11 -0.08 -2.29 -0.29 -2.21 -2.23 -2.41 -0.71</th><th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.04 0.07 0.00 0.03 0.04 0.05 0.07 0.07 0.07 0.07 0.08 0.09 0.013 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 0.21 0.22 0.23 0.41 0.24 0.2</th><th>PDGFA
(205463 _ e
1)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.08
7
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03</th><th>ТСРВЯ
[224793</th><th>TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
205944, 4]
0,223
1.16
0,42
0,77
-0.38
-0.26
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,41
0,55
0,41
0,65
-0,48
0,41
0,61
0,51
-0,44
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0</th><th>TGFBR3
[22652.4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.59
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73</th><th>KDR E (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.33 0.16 0.19 -0.13 0.16 0.19 -0.06 0.11</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 2</th><th>EGFR [15543.3 47 [15543.3 47 [15543.3 47 [15543.3 47 [15643.3 47 [</th><th>0 0 1216336 -0 -0 13 -0 13 -0 0.8 -0.54 -0.84 -0.84 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.14 -0.35 -0.10 -0.46 -1.73 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39</th><th>ERB3 [226213 at] -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.51 0.39 0.79 -0.81 -0.27
 0.30 0.41 0.01 -0.51 0.78 0.51 0.78 0.51 0.30 0.44 0.30 0.90 0.22 0.78 0.51 0.30 0.44 0.30 0.90 0.28 0.48 0.61 0.30 0.91 0.30 0.91 0.93 0.41 0.79</th><th>FGFR1
[227705 a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.40
-0.46
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.55</th><th>FGFR2 (203538 _ at) -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.64 -0.57 -0.63 -0.64 -0.57 -0.68 0.017 -0.64 -0.55 0.80 0.06 0.14 -0.53 -0.64 -0.55 0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.15 -0.80 -0.15</th><th>FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.09
0.18
0.10
0.13
0.21
0.16
0.01
0.01
0.01
0.01
0.05
0.08
0.03
0.05
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03</th><th>IGFIR
[225330 e12
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.68
-0.44
-0.47
-0.33
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.57
-0.11
-0.55
-0.44
-0.57
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.11
-0.55
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11</th><th>KIT 20001 20001 3 0.006 - 4.66 0.28 0.006 - 0.12 0.00 0.05 - 0.06 - 0.07 - 0.08 - 0.09 - 0.00 - 0.012 - 0.02 - 0.032 - 0.04 - 0.05 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.032 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.07 - 0.24 - 0.04 - 0.24 - 0.04 - 0.05 - 0.04 - 0.05 -</th><th>1203510.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 0.09 -0.29 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 0.09 -0.29 -0.441 0.29 -0.48 0.00 -1.11 0.13 -0.88 -0.88 -0.49 -0.42 -0.11 0.12 -1.23 0.49 -0.42</th><th>NGFR [205555.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.023 0.23 0.21 0.03 0.03 0.011 0.03 0.011 0.03 0.011 0.05 0.07 0.00 -0.13 -0.16 -0.12 -0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22
0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.23 -0.14 0.11 0.12 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22</th><th>PDGFA
(205463 _ e 1
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.94
0.94
0.03
0.28
0.19
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
1.11
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.</th><th>TGFBR1 1224793 </th><th>ToFBR2 205944, aft 0.22 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.45 0.40 0.56 0.42 0.077 -0.45 0.52 1.53 0.41 0.64 0.10 0.41 0.64 0.10</th><th>TGFBR3
[226625.49]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.23
-0.24
-0.59
-0.23
-0.24
-0.59
-0.29
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.24
-0.29
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.19
-0.10
-0.10
-0.10
-0.10
-0.40
-0.10
-0.40
-0.10
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40</th><th>KDR
et
239394.41
239394.41
0.30
0.5
0.24
0.08
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.07
0.05
0.07
0.05
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.02
0.02
0.05
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.09
0.02
0.15
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 Acta
A549 Acta
A549 Acta
CAK1-1
COLF 200
COLO 205
COLO 205
CO</th><th>EGFR EGFR 155453 av 0.5 -0.16 1.41 -0.37 0.63 -0.41 -0.37 -0.63 0.34 -0.65 -0.63 -0.75 -0.63 -0.83 1.68 -0.79 0.20 -0.36 -0.42 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.26 -1.16 -0.80 -0.25 -1.28 0.54 -0.25 -0.25 -1.28 0.15 0.21 0.5 0.15 0.21 -0.45</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 at -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.78 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.31 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.22 -0.78 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.63 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.20 -0.20</th><th>FGFR1
[22705 a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.55
-0.54
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55</th><th>GEFR2 [203538 _ at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.057 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.62 -0.53 -0.61 -0.55 -0.62 -0.55 -0.62 -0.57 -0.580 -0.61 -0.25 -0.80 -0.26 -0.27 -0.80 -0.71 -0.80 -0.71 -0.80 -0.71 -0.80 -0.00</th><th>FLT3 206574 atl 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.04 0.04 0.03 0.02 0.04 0.04 0.03 0.01 0.04 0.03 0.05 0.03 0.03 0.02 0.04 0.05 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.06 0.09 0.03 0.01 0.05 0.03 0.06 0.09 0.03 0.01 0.07 0.01 0.03 0.02 0.04 0.03 0.05 0.03 0.07 0.01</th><th>IGFIR
[225330
e12
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.21
-0.30
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.23
-0.21
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25</th><th>1209091 3 1209091 3 0.03 0.06 0.03 0.06 0.04 0.06 0.05 0.06 0.12 0.00 0.06 0.12 0.00 0.06 0.016 0.02 0.03 0.06 0.04 0.07 0.032 0.016 0.04 1.80 0.032 0.016 0.04 1.80 0.032 0.016 0.045 0.07 0.032 0.016 0.045 0.07 0.032 0.010 0.71 0.05 0.28 1.47 1.406 0.03 0.04 0.019 0.04 0.019</th><th>1203510 </th><th>NGFR
[205558.at] 205559.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.03 0.013 0.010 0.010 0.011 0.02 0.03 0.04 0.05 0.07 0.007 0.007 0.013 -0.18 -0.19 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.21 -0.21 -0.25 -0.26 -0.31 -0.32 -0.33 -0</th><th>PDGFA
(205463 _ e 1
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.48
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.11
0.18
0.07
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.07
0.04
0.03
0.07
0.04
0.04
0.04
0.03
0.07
0.04
0.04
0.04
0.04
0.03
0.04
0.03
0.04
0.04
0.04
0.03
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>ToFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.37 -0.38 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.41 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.45 0.52 1.53 0.41 0.64 0.10 0.99 -0.43 0.41 0.64 0.10 0.99 -0.64 0.10 0.90</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.78 0.79 0.23 0.78 0.79 1.22 0.73 0.65 -0.79 1.12 1.38 -0.12 0.67 0.13 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.41 -0.02</th><th>KDR EXP (23939.4, etc.) -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.03 0.08 -0.18 0.24 0.08 0.13 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 0.07 -0.21 -0.32 -0.21 0.36 -0.21 0.36 -0.21 0.37 0.15 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.21 -0.13 0.16
-0.19 -1.39 -0.36</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
COLO 205
COLO 205
CO</th><th>EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
0.24
-0.36
0.25
-1.16
0.84
-0.26
1.36
0.84
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0</th><th>ERB62 [216336, a) -0.13 -0.101 -0.54 -0.84 -0.37 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.52 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.33 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.27 -0.39 -0.27 -0.39 -0.16 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.53</th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.64 -0.63 -0.44 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.91 -0.91 -0.91 -0.92 -0.41 -0.79 -0.23 -0.91 -0.92 -0.03 -0.99 -0.31 -0.92</th><th>FGFR1
[22705 a)
0
-1.05
-2.30
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.46
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55</th><th>FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.16 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.12 -0.57 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.80 -0.15 -0.15 -0.71 -0.80 -0.00 -0.18 0.07 -0.03 -0.11</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.03 0.04 0.03 0.03 0.04 0.03 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.16 0.03 -0.21 -0.4 -0.05 0.03 -0.12 0.44 -0.05 0.06 0.03 -0.12 0.40 -0.05 0.06 -0.07 0.08 -0.10 -0.07 0.01 -0.03 -0.04 -0.05 -0.05 -0.06 -0.07 0.03 -0.22 -0.24 0.41</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.23 -0.43 -0.46 -0.65 -0.23 -0.43 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.73 -0.73 -0.35 -0.36 -0.68 -0.68 -0.68 -1.73 -0.36
 -0.63 -0.68 -0.61 -0.37 -0.61 -1.13 -0.60 -0.71 -0.72 -0.39 -0.03 -0.03 -0.03 -0.03 -0.03 -0.39 -0.39 -0.21 -0.24</th><th>1209501 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.71 -0.75 -0.71 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.77 -1.13 -0.08 -0.22 -0.29 -0.33 -0.48 -0.02 -0.10 -1.11 -0.88 -0.80 -1.12 -1.21 -1.23 -0.48 -0.77 -1.14 -0.77 -0.41 -0.43</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.05 0.07 0.00 0.00 0.01 0.02 0.07 0.00 0.03 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.23 0.31 0.31 0.33</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.26
0.28
0.04
0.28
0.28
0.04
0.38
0.71
0.18
1.20
0.87
0.28
0.37
0.24
0.03
0.72
0.18
0.38
0.77
0.18
1.30
0.74
0.08
0.77
0.48
0.07
0.48
0.04
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.05
0.12
0.15
0.48
0.04
0.05
0.13
0.11
0.05
0.13
0.04
0.05
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.14
0.03
0.77
0.18
0.03
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0</th><th>TGFBR1 1224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.077 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.64 0.50 0.52 1.53 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.43 0.52 1.53 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 0.03 0.03</th><th>TOFERA 1226625.a/g 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.79 0.23 0.79 0.23 0.79 0.23 0.73 0.65 -0.79 1.12 1.38 -0.28 -0.12 0.67 -0.13 0.45 -0.12 0.67 -1.10 -0.56 0.17 0.04 -0.32 -0.32 -0.32 -0.44 -0.05 -0.17 0.04 -0.32 -1.40 -1.35</th><th>KDR (2393)4. et] (2393)4. et] 0.14 0.30 0.53 0.03 0.05 0.24 0.08 0.13 0.06 0.04 0.16 0.40 0.41 0.42 0.06 0.04 0.16 0.40 0.15 0.07 0.021 0.15 0.07 0.02 0.15 0.07 0.02 0.15 0.16 0.07 0.18 0.19 -0.06 0.11 0.12 -1.39 -0.14 0.12</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A547
CARF-CEM
COLO 205
COLO 205</th><th>EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
0.21
-0.35
0.54
-0.25
-1.16
-0.45
0.54
-0.25
-1.25
0.54
-0.25
-1.25
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 a)
 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.64 -0.22 -0.78 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.51 -0.78 -0.25 -0.41 -0.79 -0.20 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.03 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.39 -0.39 -0.46</th><th>FGFR1
[227705 a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55</th><th>FGFR2 [203538 _ at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.164 -0.55 0.061 0.17 -0.64 -0.55 0.000 -0.57 0.001 -0.52 0.002 -0.53 0.006 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.17 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.010 0.03 0.013 0.01 0.03 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.15 -0.05 0.03 0.21 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.06 0.03 0.01 0.03 0.04 0.05 0.06 0.07 0.08 0.19 0.04 0.07 0.01 0.03 0.03 0.04 0.05 0.05 0.06 0.07 0.08 0.09 <tr t=""> <tr tr=""> 0.010<!--</th--><th>IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42</th><th>1205951 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9</th><th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01
 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 <</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.</th><th>TGFBR1
(224793</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24</th><th>KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37)</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL 16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M</th><th>EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51
-0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 <</th><th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80 0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24</th><th>FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30</th><th>1209501 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73</th><th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 <</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463</th><th>TGFBR1
(224793</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0</th><th>KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39) (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54</th><th>EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69 -0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99<th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36
 -0.12 -0.02</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th><th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th><th>KIT 220591 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th><th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th><th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th><th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54</th><th>EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51
 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24</th><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14 -0.40 -0.63</th><th>1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33</th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63</th><th>NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23<</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52
 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th><th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th><th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35</th><th>EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01</th><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40</th><th>KIT (205951</th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24
 0.25 0.23 0.23 0</th><th>PDGFA
(295463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0</th><th>TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81</th><th>TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A</th><th>EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56</th><th>Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73 -0.55 -0.63
 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43 -0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85
-1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A</th><th>EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64<th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th><th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th><th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71
-0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th></th></tr></tr></th></tr></tr> | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.05 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.05 0.03 -0.05 0.03 -0.15 -0.12 0.41 -0.05 0.05 0.03 -0.12 0.24 -0.05 0.03 0.04 -0.05 0.05 0.06 0.09 0.03

 | IGFIR
[225330
e12
-0.25
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20 | KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 0.03 0.06 0.02 0.04 0.07 0.032 0.04 1.80 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.20 0.20 0.32 0.07 0.32 0.45 0.10 0.71 0.05 2.8 1.47
 | 1203510 41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.96 -0.78 -0.77 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.74 -0.74 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.02 0.02 0.07 0.007 0.007 0.013 -0.18 -0.19 -0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 -0.11 -0.12 | PDGFA
(205463 _ e
1)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.03
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.28
0.48
0.04
0.48
0.28
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0 | TGFBR1
[224793_969
1.57
1.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.59
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.98
-0.28
0.16
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
0.47
1.82
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.04
1.82
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.05
0.05
0.02
0.20
0.20
0.20
0.20
0.22
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4 | TGFBR3
[22652.a4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
0.78
0.79
0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.20
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0. | KDR EXP (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.32 -0.21 0.35 -0.15 0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.31 0.16 0.407 -0.13 0.15 -0.13
 | B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 20 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.15
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.36
0.27
-0.36
0.26
-1.16
-0.85
0.26
-0.26
-1.16
-0.85
0.84
-0.26
-0.35
0.84
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.2 | ERB62
[216536, 9, 4
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.42
-0.22
-0.57
0.32
0.11
-0.94
-0.03
-0.42
-0.57
-0.32
0.11
-0.94
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.32
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.23
-0.22
-0.11
-0.24
-0.18
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.10
-0.42
-0.25
-0.10
-0.42
-0.52
-0.16
-0.16
-0.16
-0.24
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.16
-0.16
-0.24
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.16
-0.16
-0.14
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.2
 | ERB3
[226213 at]
-0.27
-0.27
-0.30
-0.41
-0.01
-0.17
-0.61
-0.31
-0.39
-0.78
-0.61
-0.39
-0.78
-0.61
-0.27
-0.61
-0.39
-0.41
-0.41
-0.41
-0.41
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.79
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.79
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.78
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.78
-0.51
-0.28
-0.28
-0.28
-0.18
-0.28
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.9 | FGFR1
[227058
av]
0-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.45
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-1.47
-0.17
-0.47
-0.47
-0.47
-0.50
-0.50
-0.50
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 -0.57 -0.61 0.71 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.14 -0.57 -0.53 -0.61 0.17 -0.62 -0.55 -0.61 0.17 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.53 -0.54 -0.55 -0.58 -0.57 -0.58 -0.57 -0.58 -0.57 -0.80 -0.71 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.04
0.03
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01 | IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20 | KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 1.33 0.16 0.02 0.31 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.016 0.32 0.03 0.03 0.07 0.32 0.01 0.32
0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.02 0.01 0.71 0.05 2.26 0.47 0.06 0.04 <th>1203510 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 0.93 -0.45 0.09 -0.48 0.02 -0.10 1.11 -0.08 -0.88 -0.02 -1.11 -0.08 -2.29 -0.29 -2.21 -2.23 -2.41 -0.71</th> <th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.04 0.07 0.00 0.03 0.04 0.05 0.07 0.07 0.07 0.07 0.08 0.09 0.013 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 0.21 0.22 0.23 0.41 0.24 0.2</th> <th>PDGFA
(205463 _ e 1)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.08
7
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03</th> <th>ТСРВЯ
[224793</th> <th>TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
205944, 4]
0,223
1.16
0,42
0,77
-0.38
-0.26
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,41
0,55
0,41
0,65
-0,48
0,41
0,61
0,51
-0,44
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0</th> <th>TGFBR3
[22652.4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.59
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73</th> <th>KDR E (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.33 0.16 0.19 -0.13 0.16 0.19 -0.06 0.11</th> | 1203510 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 0.93 -0.45 0.09 -0.48 0.02 -0.10 1.11 -0.08 -0.88 -0.02 -1.11 -0.08 -2.29 -0.29 -2.21 -2.23 -2.41 -0.71 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.04 0.07 0.00 0.03 0.04 0.05 0.07 0.07 0.07 0.07 0.08 0.09 0.013 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22
 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 0.21 0.22 0.23 0.41 0.24 0.2 | PDGFA
(205463 _ e 1)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.08
7
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03 | ТСРВЯ
[224793
 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
205944, 4]
0,223
1.16
0,42
0,77
-0.38
-0.26
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,41
0,55
0,41
0,65
-0,48
0,41
0,61
0,51
-0,44
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0 | TGFBR3
[22652.4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.59
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
 | KDR E (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.33 0.16 0.19 -0.13 0.16 0.19 -0.06 0.11 | B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 2 | EGFR [15543.3 47 [15543.3 47 [15543.3 47 [15543.3 47 [15643.3 47 [| 0 0 1216336 -0 -0 13 -0 13 -0 0.8 -0.54 -0.84 -0.84 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.14 -0.35 -0.10 -0.46 -1.73 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 | ERB3 [226213 at] -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.51 0.39 0.79 -0.81 -0.27 0.30 0.41 0.01 -0.51 0.78 0.51 0.78 0.51 0.30 0.44 0.30 0.90 0.22 0.78 0.51 0.30 0.44 0.30 0.90 0.28 0.48 0.61 0.30 0.91 0.30 0.91 0.93 0.41 0.79
 | FGFR1
[227705 a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.40
-0.46
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.55 | FGFR2 (203538 _ at) -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.64 -0.57 -0.63 -0.64 -0.57 -0.68 0.017 -0.64 -0.55 0.80
 0.06 0.14 -0.53 -0.64 -0.55 0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.15 -0.80 -0.15 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.09
0.18
0.10
0.13
0.21
0.16
0.01
0.01
0.01
0.01
0.05
0.08
0.03
0.05
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03 | IGFIR
[225330 e12
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.68
-0.44
-0.47
-0.33
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.57
-0.11
-0.55
-0.44
-0.57
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.11
-0.55
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11 | KIT 20001 20001 3 0.006 - 4.66 0.28 0.006 - 0.12 0.00 0.05 - 0.06 - 0.07 - 0.08 - 0.09 - 0.00 - 0.012 - 0.02 - 0.032 - 0.04 - 0.05 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.032 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.07 - 0.24 - 0.04 - 0.24 - 0.04 - 0.05 - 0.04 - 0.05 - | 1203510.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 0.09 -0.29 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 0.09 -0.29 -0.441 0.29 -0.48 0.00 -1.11 0.13 -0.88 -0.88 -0.49 -0.42 -0.11 0.12 -1.23 0.49 -0.42
 | NGFR [205555.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.023 0.23 0.21 0.03 0.03 0.011 0.03 0.011 0.03 0.011 0.05 0.07 0.00 -0.13 -0.16 -0.12 -0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.23 -0.14 0.11 0.12 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 | PDGFA
(205463 _ e 1
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.94
0.94
0.03
0.28
0.19
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
1.11
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0. | TGFBR1 1224793 | ToFBR2 205944, aft 0.22 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.45 0.40 0.56 0.42 0.077 -0.45 0.52 1.53 0.41 0.64 0.10 0.41 0.64 0.10 |
TGFBR3
[226625.49]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.23
-0.24
-0.59
-0.23
-0.24
-0.59
-0.29
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.24
-0.29
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.19
-0.10
-0.10
-0.10
-0.10
-0.40
-0.10
-0.40
-0.10
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40 | KDR et
239394.41
239394.41
0.30
0.5
0.24
0.08
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.07
0.05
0.07
0.05
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.02
0.02
0.05
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.09
0.02
0.15
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0 | B 786-0
A375
A549
A549 Acta
A549 Acta
A549 Acta
CAK1-1
COLF 200
COLO 205
COLO 205
CO | EGFR EGFR 155453 av 0.5 -0.16 1.41 -0.37 0.63 -0.41 -0.37 -0.63 0.34 -0.65 -0.63 -0.75 -0.63 -0.83 1.68 -0.79 0.20 -0.36 -0.42 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.26 -1.16 -0.80 -0.25 -1.28 0.54 -0.25 -0.25 -1.28 0.15 0.21 0.5 0.15 0.21 -0.45 | 216536 | ERB3 226213 at -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.78 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.31 -0.78 -0.61
-0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.22 -0.78 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.63 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.20 -0.20 | FGFR1
[22705 a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.55
-0.54
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | GEFR2 [203538 _ at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.057 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.62 -0.53 -0.61 -0.55 -0.62 -0.55 -0.62 -0.57 -0.580 -0.61 -0.25 -0.80 -0.26 -0.27 -0.80 -0.71 -0.80 -0.71 -0.80 -0.71 -0.80 -0.00 | FLT3 206574 atl 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.04 0.04 0.03 0.02 0.04 0.04 0.03 0.01 0.04 0.03 0.05 0.03 0.03 0.02 0.04 0.05 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.06 0.09 0.03 0.01 0.05 0.03 0.06 0.09 0.03 0.01 0.07 0.01 0.03 0.02 0.04 0.03 0.05 0.03 0.07 0.01 | IGFIR
[225330
e12
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.21
-0.30
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.23
-0.21
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25 | 1209091 3 1209091 3 0.03 0.06 0.03 0.06 0.04 0.06 0.05 0.06 0.12 0.00 0.06 0.12 0.00 0.06 0.016 0.02 0.03 0.06 0.04 0.07 0.032 0.016 0.04 1.80 0.032 0.016 0.04 1.80 0.032 0.016 0.045 0.07 0.032 0.016 0.045 0.07 0.032 0.010 0.71 0.05 0.28 1.47 1.406 0.03 0.04 0.019 0.04 0.019 | 1203510 | NGFR
[205558.at] 205559.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.03 0.013 0.010 0.010 0.011 0.02 0.03 0.04 0.05 0.07 0.007 0.007 0.013 -0.18 -0.19 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.21 -0.21 -0.25 -0.26 -0.31 -0.32 -0.33 -0 | PDGFA
(205463 _ e
1
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.48
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.11
0.18
0.07
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.07
0.04
0.03
0.07
0.04
0.04
0.04
0.03
0.07
0.04
0.04
0.04
0.04
0.03
0.04
0.03
0.04
0.04
0.04
0.03
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0. | TGFBR1
[224793 Gene 224793 | ToFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.37 -0.38 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.41 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.45 0.52 1.53 0.41 0.64 0.10 0.99 -0.43 0.41 0.64 0.10 0.99 -0.64 0.10 0.90 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.78 0.79 0.23 0.78 0.79 1.22 0.73 0.65 -0.79 1.12 1.38 -0.12 0.67 0.13 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.41 -0.02 | KDR EXP (23939.4, etc.) -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.03 0.08 -0.18 0.24 0.08
 0.13 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 0.07 -0.21 -0.32 -0.21 0.36 -0.21 0.36 -0.21 0.37 0.15 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.21 -0.13 0.16 -0.19 -1.39 -0.36 | B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
COLO 205
COLO 205
CO | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
0.24
-0.36
0.25
-1.16
0.84
-0.26
1.36
0.84
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0 | ERB62 [216336, a) -0.13 -0.101 -0.54 -0.84 -0.37 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.52 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.33 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.27 -0.39 -0.27 -0.39 -0.16 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.53 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.64 -0.63 -0.44 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.91 -0.91 -0.91 -0.92 -0.41 -0.79 -0.23 -0.91 -0.92 -0.03 -0.99 -0.31 -0.92 | FGFR1
[22705 a)
0
-1.05
-2.30
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.46
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.16 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.12 -0.57 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.80 -0.15 -0.15 -0.71 -0.80 -0.00 -0.18 0.07 -0.03 -0.11
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.03 0.04 0.03 0.03 0.04 0.03 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.16 0.03 -0.21 -0.4 -0.05 0.03 -0.12 0.44 -0.05 0.06 0.03 -0.12 0.40 -0.05 0.06 -0.07 0.08 -0.10 -0.07 0.01 -0.03 -0.04 -0.05 -0.05 -0.06 -0.07 0.03 -0.22 -0.24 0.41 | IGFIR [225330 e1] -0.23 -0.43 -0.46 -0.65 -0.23 -0.43 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.73 -0.73 -0.35 -0.36 -0.68 -0.68 -0.68 -1.73 -0.36 -0.63 -0.68 -0.61 -0.37 -0.61 -1.13 -0.60 -0.71 -0.72 -0.39 -0.03 -0.03 -0.03 -0.03 -0.03 -0.39 -0.39 -0.21 -0.24 | 1209501 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.71 -0.75 -0.71 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.77 -1.13 -0.08 -0.22 -0.29 -0.33 -0.48 -0.02 -0.10 -1.11 -0.88 -0.80 -1.12 -1.21 -1.23 -0.48 -0.77 -1.14 -0.77 -0.41 -0.43 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.05 0.07 0.00 0.00 0.01 0.02 0.07 0.00 0.03 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.23 0.31 0.31 0.33 | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.26
0.28
0.04
0.28
0.28
0.04
0.38
0.71
0.18
1.20
0.87
0.28
0.37
0.24
0.03
0.72
0.18
0.38
0.77
0.18
1.30
0.74
0.08
0.77
0.48
0.07
0.48
0.04
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.05
0.12
0.15
0.48
0.04
0.05
0.13
0.11
0.05
0.13
0.04
0.05
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.14
0.03
0.77
0.18
0.03
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0
 | TGFBR1 1224793
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.077 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.64 0.50 0.52 1.53 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.43 0.52 1.53 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 0.03 0.03
 | TOFERA 1226625.a/g 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.79 0.23 0.79 0.23 0.79 0.23 0.73 0.65 -0.79 1.12 1.38 -0.28 -0.12 0.67 -0.13 0.45 -0.12 0.67 -1.10 -0.56 0.17 0.04 -0.32 -0.32 -0.32 -0.44 -0.05 -0.17 0.04 -0.32 -1.40 -1.35 | KDR (2393)4. et] (2393)4. et] 0.14 0.30 0.53 0.03 0.05 0.24 0.08 0.13 0.06 0.04 0.16 0.40 0.41 0.42 0.06 0.04 0.16 0.40 0.15 0.07 0.021 0.15 0.07 0.02 0.15 0.07 0.02 0.15 0.16 0.07 0.18 0.19 -0.06 0.11 0.12 -1.39 -0.14 0.12
 | B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A547
CARF-CEM
COLO 205
COLO 205

 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
0.21
-0.35
0.54
-0.25
-1.16
-0.45
0.54
-0.25
-1.25
0.54
-0.25
-1.25
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35 | Construction [216536,

 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.64 -0.22 -0.78 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.51 -0.78 -0.25 -0.41 -0.79 -0.20 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.03 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.39 -0.39 -0.46 | FGFR1
[227705 a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
 | FGFR2 [203538 _ at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.164 -0.55 0.061 0.17 -0.64 -0.55 0.000 -0.57 0.001 -0.52 0.002 -0.53 0.006 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.17 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.010 0.03 0.013 0.01 0.03 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.15 -0.05 0.03 0.21 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.06 0.03 0.01 0.03 0.04 0.05 0.06 0.07 0.08 0.19 0.04 0.07 0.01 0.03 0.03 0.04 0.05 0.05 0.06 0.07 0.08 0.09 <tr t=""> <tr tr=""> 0.010<!--</th--><th>IGFIR
[225330
e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42</th><th>1205951 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9</th><th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 <</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.</th><th>TGFBR1
(224793</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24</th><th>KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37)
(0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37)</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL 16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M</th><th>EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 <</th><th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80 0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24</th><th>FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30</th><th>1209501 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73</th><th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 <</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463</th><th>TGFBR1
(224793</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10
 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0</th><th>KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39) (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54</th><th>EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69 -0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99<th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th><th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th><th>KIT 220591 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th><th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e,
4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th><th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th><th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54</th><th>EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24</th><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14
 -0.40 -0.63</th><th>1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33</th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63</th><th>NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23<</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th><th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th><th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35</th><th>EGFR
[15543.3
d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01</th><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40</th><th>KIT (205951</th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.23 0</th><th>PDGFA
(295463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0</th><th>TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81</th><th>TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A</th><th>EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56</th><th>Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73 -0.55 -0.63 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43
-0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43
 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A</th><th>EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64<th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th><th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th><th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28
 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th></th></tr></tr> | IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42 | 1205951 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77
-1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 < | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0. | TGFBR1
(224793
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24 | KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37)
 | B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL 16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M | EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54
 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 | 216536 | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 <
 | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80 0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24 | FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42
 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30 | 1209501 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 < | PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463 | TGFBR1
(224793
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12
 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0 | KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39) (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<> | B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69 -0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27 | Construction [216536, | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99 <th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02</th> <th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th> <th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th> <th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th> <th>KIT 220591 </th> <th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th> <th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29
 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th> <th>PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th> <th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th> <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th> <th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th> | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93 | FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73
 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54 | KIT 220591 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23 | PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15 | TGFBR1
[224793 G 224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04 | B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26 | 216536
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24 | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14 -0.40 -0.63 | 1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63
 | NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23< | PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th> <th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th> | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54 | KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04 | B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35
 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55 | Construction [216536, | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46 | FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01 | FGFR2 [203538 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40 | KIT (205951 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51
 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.23 0 | PDGFA
(295463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0 | TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81 | TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0
 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71 | B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A
 | EGFR
155453
av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56 | Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73 -0.55 -0.63 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43 -0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<> | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59
0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<> | FGFR2 [203538
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23
 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<> | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11 | 1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23 | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0 | TGFBR1
[224793 Gene 224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12
 | TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21 | B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A
 | EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0. | 216536
 | ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64 <th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th> <th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th> <th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73
 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th> | FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304 | FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 | FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<> <th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th> <th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th> <th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th> <th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th> <th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th> <th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38
 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th> | IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 | kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16 | 1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33 | P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38 | TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36 | TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR
(2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<> | TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<> | KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 |
| FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.05 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.05 0.03 -0.05 0.03 -0.15 -0.12 0.41 -0.05 0.05 0.03 -0.12 0.24 -0.05 0.03 0.04 -0.05 0.05 0.06 0.09 0.03 | IGFIR
[225330 e12
-0.25
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20 | KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 0.03 0.06 0.02 0.04 0.07 0.032 0.04 1.80 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.20 0.20 0.32 0.07 0.32 0.45 0.10 0.71 0.05 2.8 1.47
 | 1203510 41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.96 -0.78 -0.77 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.74 -0.74
 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.02 0.02 0.07 0.007 0.007
 0.013 -0.18 -0.19 -0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 -0.11 -0.12
 | PDGFA
(205463 _ e 1)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.03
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.28
0.48
0.04
0.48
0.28
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0

 |
TGFBR1
[224793_969
1.57
1.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.59
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.98
-0.28
0.16
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
0.47
1.82
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.04
1.82
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.05
0.05
0.02
0.20
0.20
0.20
0.20
0.22
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47

 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4 | TGFBR3
[22652.a4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
0.78
0.79
0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.20
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.
 | KDR EXP (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.32 -0.21 0.35 -0.15 0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.31 0.16 0.407 -0.13 0.15 -0.13 | B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 20 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.15
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.36
0.27
-0.36
0.26
-1.16
-0.85
0.26
-0.26
-1.16
-0.85
0.84
-0.26
-0.35
0.84
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.2 | ERB62
[216536, 9,
4
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.42
-0.22
-0.57
0.32
0.11
-0.94
-0.03
-0.42
-0.57
-0.32
0.11
-0.94
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.32
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.23
-0.22
-0.11
-0.24
-0.18
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.10
-0.42
-0.25
-0.10
-0.42
-0.52
-0.16
-0.16
-0.16
-0.24
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.16
-0.16
-0.24
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.16
-0.16
-0.14
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.2 | ERB3
[226213 at]
-0.27
-0.27
-0.30
-0.41
-0.01
-0.17
-0.61
-0.31
-0.39
-0.78
-0.61
-0.39
-0.78
-0.61
-0.27
-0.61
-0.39
-0.41
-0.41
-0.41
-0.41
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.79
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.79
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.78
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.78
-0.51
-0.28
-0.28
-0.28
-0.18
-0.28
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.9 | FGFR1
[227058 av]
0-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.45
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-1.47
-0.17
-0.47
-0.47
-0.47
-0.50
-0.50
-0.50
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 -0.57 -0.61 0.71 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.14 -0.57 -0.53 -0.61 0.17 -0.62 -0.55 -0.61 0.17 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.53 -0.54 -0.55 -0.58 -0.57 -0.58 -0.57 -0.58 -0.57 -0.80 -0.71
 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.04
0.03
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01 | IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20 | KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 1.33 0.16 0.02 0.31 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.016 0.32 0.03 0.03 0.07 0.32 0.01 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.02 0.01 0.71 0.05 2.26 0.47 0.06 0.04 <th>1203510 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 0.93 -0.45 0.09 -0.48 0.02 -0.10 1.11 -0.08 -0.88 -0.02 -1.11 -0.08 -2.29 -0.29 -2.21 -2.23 -2.41 -0.71</th> <th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.04 0.07 0.00 0.03 0.04 0.05 0.07 0.07 0.07 0.07 0.08 0.09 0.013 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 0.21 0.22 0.23 0.41 0.24 0.2</th> <th>PDGFA
(205463 _ e
1)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.08
7
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03</th> <th>ТСРВЯ
[224793</th> <th>TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
205944, 4]
0,223
1.16
0,42
0,77
-0.38
-0.26
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,41
0,55
0,41
0,65
-0,48
0,41
0,61
0,51
-0,44
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0</th> <th>TGFBR3
[22652.4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.59
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73</th> <th>KDR E (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.33 0.16 0.19 -0.13 0.16 0.19 -0.06 0.11</th> | 1203510 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 0.93 -0.45 0.09 -0.48 0.02 -0.10 1.11 -0.08 -0.88 -0.02 -1.11 -0.08 -2.29 -0.29 -2.21 -2.23 -2.41 -0.71 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.04 0.07 0.00 0.03 0.04
 0.05 0.07 0.07 0.07 0.07 0.08 0.09 0.013 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 0.21 0.22 0.23 0.41 0.24 0.2 | PDGFA
(205463 _ e 1)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.08
7
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03 | ТСРВЯ
[224793 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
205944, 4]
0,223
1.16
0,42
0,77
-0.38
-0.26
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,41
0,55
0,41
0,65
-0,48
0,41
0,61
0,51
-0,44
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0 | TGFBR3
[22652.4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.59
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
 | KDR E (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.33 0.16 0.19 -0.13 0.16 0.19 -0.06 0.11 | B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 2 | EGFR [15543.3 47 [15543.3 47 [15543.3 47 [15543.3 47 [15643.3 47
[15643.3 47 [| 0 0 1216336 -0 -0 13 -0 13 -0 0.8 -0.54 -0.84 -0.84 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.14 -0.35 -0.10 -0.46 -1.73 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39
 | ERB3 [226213 at] -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.51 0.39 0.79 -0.81 -0.27 0.30 0.41 0.01 -0.51 0.78 0.51 0.78 0.51 0.30 0.44 0.30 0.90 0.22 0.78 0.51 0.30 0.44 0.30 0.90 0.28 0.48 0.61 0.30 0.91 0.30 0.91 0.93 0.41 0.79 | FGFR1
[227705 a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.40
-0.46
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.55 | FGFR2 (203538 _ at) -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.64 -0.57 -0.63 -0.64 -0.57 -0.68 0.017 -0.64 -0.55 0.80 0.06 0.14 -0.53 -0.64 -0.55 0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.15 -0.80 -0.15 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.09
0.18
0.10
0.13
0.21
0.16
0.01
0.01
0.01
0.01
0.05
0.08
0.03
0.05
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
 | IGFIR
[225330 e12
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.68
-0.44
-0.47
-0.33
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.57
-0.11
-0.55
-0.44
-0.57
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.11
-0.55
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11 | KIT 20001 20001 3 0.006 - 4.66 0.28 0.006 - 0.12 0.00 0.05 - 0.06 - 0.07 - 0.08 - 0.09 - 0.00 - 0.012 - 0.02 - 0.032 - 0.04 - 0.05 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.032 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.07 - 0.24 - 0.04 - 0.24 - 0.04 - 0.05 - 0.04 - 0.05 - | 1203510.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 0.09 -0.29 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 0.09 -0.29 -0.441 0.29 -0.48 0.00 -1.11 0.13 -0.88 -0.88 -0.49 -0.42 -0.11 0.12 -1.23 0.49 -0.42
 | NGFR [205555.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.023 0.23 0.21 0.03 0.03 0.011 0.03 0.011 0.03 0.011 0.05 0.07 0.00 -0.13 -0.16 -0.12 -0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.23 -0.14 0.11 0.12 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 | PDGFA
(205463 _ e
1
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.94
0.94
0.03
0.28
0.19
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
1.11
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0. | TGFBR1 1224793 | ToFBR2 205944, aft 0.22 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.45 0.40 0.56 0.42 0.077 -0.45 0.52 1.53 0.41 0.64 0.10 0.41 0.64 0.10 | TGFBR3
[226625.49]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.23
-0.24
-0.59
-0.23
-0.24
-0.59
-0.29
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.24
-0.29
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.19
-0.10
-0.10
-0.10
-0.10
-0.40
-0.10
-0.40
-0.10
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40 | KDR
et
239394.41
239394.41
0.30
0.5
0.24
0.08
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.07
0.05
0.07
0.05
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.02
0.02
0.05
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.09
0.02
0.15
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0 | B 786-0
A375
A549
A549 Acta
A549 Acta
A549 Acta
CAK1-1
COLF 200
COLO 205
COLO 205
CO | EGFR EGFR 155453 av 0.5 -0.16 1.41 -0.37 0.63 -0.41 -0.37 -0.63 0.34 -0.65 -0.63 -0.75 -0.63 -0.83 1.68 -0.79 0.20 -0.36 -0.42 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.26 -1.16 -0.80 -0.25 -1.28 0.54 -0.25 -0.25 -1.28 0.15 0.21 0.5 0.15 0.21 -0.45 | 216536 | ERB3 226213 at -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.78 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.31 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.22 -0.78 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.63 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.20 -0.20 | FGFR1
[22705
a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.55
-0.54
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | GEFR2 [203538 _ at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.057 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.62 -0.53 -0.61 -0.55 -0.62 -0.55 -0.62 -0.57 -0.580 -0.61 -0.25 -0.80 -0.26 -0.27 -0.80 -0.71 -0.80 -0.71 -0.80 -0.71 -0.80 -0.00 | FLT3 206574 atl 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.04 0.04 0.03 0.02 0.04 0.04 0.03 0.01 0.04 0.03 0.05 0.03 0.03 0.02 0.04 0.05 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.06 0.09 0.03 0.01 0.05 0.03 0.06 0.09 0.03 0.01 0.07 0.01 0.03 0.02 0.04 0.03 0.05 0.03 0.07 0.01 | IGFIR
[225330
e12
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.21
-0.30
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.23
-0.21
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25 | 1209091 3 1209091 3 0.03 0.06 0.03 0.06 0.04 0.06 0.05 0.06 0.12 0.00 0.06 0.12 0.00 0.06 0.016 0.02 0.03 0.06 0.04 0.07 0.032 0.016 0.04 1.80 0.032 0.016 0.04 1.80 0.032 0.016 0.045 0.07 0.032 0.016 0.045 0.07 0.032 0.010 0.71 0.05 0.28 1.47 1.406 0.03 0.04 0.019 0.04 0.019 | 1203510 | NGFR
[205558.at] 205559.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.03 0.013 0.010 0.010 0.011 0.02 0.03 0.04 0.05 0.07 0.007 0.007 0.013 -0.18 -0.19 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.21 -0.21 -0.25 -0.26 -0.31 -0.32 -0.33 -0 | PDGFA
(205463 _ e
1
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.48
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.11
0.18
0.07
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.07
0.04
0.03
0.07
0.04
0.04
0.04
0.03
0.07
0.04
0.04
0.04
0.04
0.03
0.04
0.03
0.04
0.04
0.04
0.03
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0. | TGFBR1
[224793 Gene 224793 | ToFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.37 -0.38 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.41 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.45 0.52 1.53 0.41 0.64 0.10 0.99 -0.43 0.41 0.64 0.10 0.99 -0.64 0.10 0.90 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.78 0.79 0.23 0.78 0.79 1.22 0.73 0.65 -0.79 1.12 1.38 -0.12 0.67 0.13 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.41 -0.02 | KDR EXP (23939.4, etc.) -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.03 0.08 -0.18 0.24 0.08 0.13 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 0.07 -0.21 -0.32 -0.21 0.36 -0.21 0.36 -0.21 0.37 0.15 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.21 -0.13 0.16 -0.19 -1.39 -0.36 | B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
COLO 205
COLO 205
CO | EGFR
[15543.3
d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
0.24
-0.36
0.25
-1.16
0.84
-0.26
1.36
0.84
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0 | ERB62 [216336, a) -0.13 -0.101 -0.54 -0.84 -0.37 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.52 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.33 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.27 -0.39 -0.27 -0.39 -0.16 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.53 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.64 -0.63 -0.44 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.91 -0.91 -0.91 -0.92 -0.41 -0.79 -0.23 -0.91 -0.92 -0.03 -0.99 -0.31 -0.92 | FGFR1
[22705 a)
0
-1.05
-2.30
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.46
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57
 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.16 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.12 -0.57 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.80 -0.15 -0.15 -0.71 -0.80 -0.00 -0.18 0.07 -0.03 -0.11 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.03 0.04 0.03 0.03 0.04 0.03 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.16 0.03 -0.21 -0.4 -0.05 0.03 -0.12 0.44 -0.05 0.06 0.03 -0.12 0.40 -0.05 0.06 -0.07 0.08 -0.10 -0.07 0.01 -0.03 -0.04 -0.05 -0.05 -0.06 -0.07 0.03 -0.22 -0.24 0.41 | IGFIR [225330 e1] -0.23 -0.43 -0.46 -0.65 -0.23 -0.43 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.73 -0.73 -0.35 -0.36 -0.68 -0.68 -0.68 -1.73 -0.36 -0.63 -0.68 -0.61 -0.37 -0.61 -1.13 -0.60 -0.71 -0.72 -0.39 -0.03 -0.03 -0.03 -0.03 -0.03 -0.39 -0.39 -0.21 -0.24 | 1209501 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.71 -0.75 -0.71 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.77 -1.13 -0.08 -0.22 -0.29 -0.33 -0.48 -0.02 -0.10 -1.11 -0.88 -0.80 -1.12 -1.21 -1.23 -0.48 -0.77 -1.14 -0.77 -0.41 -0.43 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.05 0.07 0.00 0.00 0.01 0.02 0.07 0.00 0.03 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.23 0.31 0.31 0.33
 | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.26
0.28
0.04
0.28
0.28
0.04
0.38
0.71
0.18
1.20
0.87
0.28
0.37
0.24
0.03
0.72
0.18
0.38
0.77
0.18
1.30
0.74
0.08
0.77
0.48
0.07
0.48
0.04
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.05
0.12
0.15
0.48
0.04
0.05
0.13
0.11
0.05
0.13
0.04
0.05
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.14
0.03
0.77
0.18
0.03
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0 | TGFBR1 1224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.077 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.64 0.50 0.52 1.53 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.43 0.52 1.53 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 0.03 0.03 | TOFERA 1226625.a/g 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.79 0.23 0.79 0.23 0.79 0.23 0.73 0.65 -0.79 1.12 1.38 -0.28 -0.12 0.67 -0.13 0.45 -0.12 0.67 -1.10 -0.56 0.17 0.04 -0.32 -0.32 -0.32 -0.44 -0.05 -0.17 0.04 -0.32 -1.40 -1.35 | KDR (2393)4. et] (2393)4. et] 0.14 0.30 0.53 0.03 0.05 0.24 0.08 0.13 0.06 0.04 0.16 0.40 0.41 0.42 0.06 0.04 0.16 0.40 0.15 0.07 0.021 0.15 0.07 0.02 0.15 0.07 0.02 0.15 0.16 0.07 0.18 0.19 -0.06 0.11 0.12 -1.39 -0.14 0.12 | B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A547
CARF-CEM
COLO 205
COLO 205 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
0.21
-0.35
0.54
-0.25
-1.16
-0.45
0.54
-0.25
-1.25
0.54
-0.25
-1.25
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
 | Construction [216536,
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.64 -0.22 -0.78 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.51 -0.78 -0.25 -0.41 -0.79 -0.20 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.03 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.39 -0.39 -0.46
 | FGFR1
[227705 a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | FGFR2 [203538 _ at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.164 -0.55 0.061 0.17 -0.64 -0.55 0.000 -0.57 0.001 -0.52 0.002 -0.53 0.006 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.17 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.010 0.03 0.013 0.01 0.03 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.15 -0.05 0.03 0.21 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.06 0.03 0.01 0.03 0.04 0.05 0.06 0.07 0.08 0.19 0.04 0.07 0.01 0.03 0.03 0.04 0.05 0.05 0.06 0.07 0.08 0.09 <tr t=""> <tr tr=""> 0.010<!--</th--><th>IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42</th><th>1205951 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9</th><th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03
-0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 <</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.</th><th>TGFBR1
(224793</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24</th><th>KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37)</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL 16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M</th><th>EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28
-0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 <</th><th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80 0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24</th><th>FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30</th><th>1209501 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73</th><th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 <</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463</th><th>TGFBR1
(224793</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0</th><th>KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39) (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54</th><th>EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69 -0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99<th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01
0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th><th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th><th>KIT 220591 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th><th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th><th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th><th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54</th><th>EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63
 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24</th><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14 -0.40 -0.63</th><th>1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33</th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63</th><th>NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23<</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66
0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th><th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th><th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35</th><th>EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01</th><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40</th><th>KIT (205951</th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.23 0</th><th>PDGFA
(295463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0</th><th>TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81</th><th>TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A</th><th>EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56</th><th>Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73 -0.55 -0.63 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43
-0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43
 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A</th><th>EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64<th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th><th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th><th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28
 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th></th></tr></tr> | IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42 | 1205951

 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 <
 | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0. | TGFBR1
(224793

 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42
0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24 | KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) | B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL 16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M | EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56
 | 216536
 | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 < | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80 0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24 | FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30 | 1209501 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73
 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 < | PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463 | TGFBR1
(224793
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0 | KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39)
 (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<> | B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69 -0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27 | Construction [216536, | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99 <th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02</th> <th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th> <th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th> <th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th> <th>KIT 220591 </th> <th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th> <th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th> <th>PDGFA
(205463, e,
4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th> <th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th> <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th> <th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th> | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93 | FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54 | KIT 220591 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43
 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03
 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23 | PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15 | TGFBR1
[224793 G 224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04 | B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26 | 216536 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99
 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24 | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14 -0.40 -0.63 | 1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63 | NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23< | PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41
0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th> <th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th> | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54 | KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04 | B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55 | Construction [216536,
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46 | FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01 | FGFR2 [203538 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40 | KIT (205951 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.23 0 | PDGFA
(295463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0 | TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81 | TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71 | B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A | EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56 | Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73
-0.55 -0.63 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43 -0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05
 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<> | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<> | FGFR2 [203538 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43
 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<> | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11 | 1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10
 0.33
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23
 | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0 | TGFBR1
[224793 Gene 224793
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12 | TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21 | B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A
 | EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0. | 216536 | ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64 <th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th> <th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th> <th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24
0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th> | FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304 | FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 | FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<> <th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th> <th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th> <th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th> <th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24
 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th> <th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th> <th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th> | IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 | kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16 | 1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27
 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33 | P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38 | TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70
 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36 | TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<> | TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32
0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<> | KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 | | | | | | |
| FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.05 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.05 0.03 -0.05 0.03 -0.15 -0.12 0.41 -0.05 0.05 0.03 -0.12 0.24 -0.05 0.03 0.04 -0.05 0.05 0.06 0.09 0.03 | IGFIR
[225330 e12
-0.25
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20 | KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 0.03 0.06 0.02 0.04 0.07 0.032 0.04 1.80 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.20 0.20 0.32 0.07 0.32 0.45 0.10 0.71 0.05 2.8 1.47
 | 1203510 41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.96 -0.78 -0.77 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.71 -0.75 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.72 -0.74 -0.74 -0.74
 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.02 0.02 0.07 0.007 0.007
 0.013 -0.18 -0.19 -0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 -0.11 -0.12
 | PDGFA
(205463 _ e 1)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.03
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.28
0.48
0.04
0.48
0.28
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.47
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0

 |
TGFBR1
[224793_969
1.57
1.27
-0.47
-0.16
0.15
0.90
-0.13
0.55
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.59
-0.70
-0.60
0.20
-0.13
0.98
-0.28
0.16
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
1.82
0.47
0.47
1.82
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.04
1.82
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.05
0.05
0.02
0.20
0.20
0.20
0.20
0.22
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.55
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47
0.47

 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4 | TGFBR3
[22652.a4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
0.78
0.79
0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.20
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.
 | KDR EXP (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.32 -0.21 0.35 -0.15 0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.31 0.16 0.407 -0.13 0.15 -0.13 | | |
 | | |
 | | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | | |
 | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | | |

 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | | |
 |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 20 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.15
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.36
0.27
-0.36
0.26
-1.16
-0.85
0.26
-0.26
-1.16
-0.85
0.84
-0.26
-0.35
0.84
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.2 | ERB62
[216536, 9, 4
-0.13
-1.01
-0.54
-0.84
-0.42
-0.22
-0.57
0.32
0.11
-0.94
-0.03
-0.42
-0.57
-0.32
0.11
-0.94
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.34
-0.32
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.23
-0.22
-0.11
-0.24
-0.18
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.16
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.10
-0.42
-0.25
-0.10
-0.42
-0.52
-0.16
-0.16
-0.16
-0.24
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.16
-0.16
-0.24
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.16
-0.16
-0.14
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.22
-0.2
 | ERB3
[226213 at]
-0.27
-0.27
-0.30
-0.41
-0.01
-0.17
-0.61
-0.31
-0.39
-0.78
-0.61
-0.39
-0.78
-0.61
-0.27
-0.61
-0.39
-0.41
-0.41
-0.41
-0.41
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.79
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.79
-0.44
-0.61
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.22
-0.78
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.78
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.51
-0.52
-0.78
-0.51
-0.28
-0.28
-0.28
-0.18
-0.28
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.29
-0.29
-0.28
-0.19
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.99
-0.9
 | FGFR1
[227058
av]
0-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.45
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-1.47
-0.17
-0.47
-0.47
-0.47
-0.50
-0.50
-0.50
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 -0.57 -0.61 0.71 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.14 -0.57 -0.53 -0.61 0.17 -0.62 -0.55 -0.61 0.17 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.53 -0.54 -0.55 -0.58 -0.57 -0.58 -0.57 -0.58 -0.57 -0.80 -0.71

 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.04
0.03
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01
0.01

 | IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20 | KIT 20001 3 20001 3 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.06 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.016 0.02 1.33 0.16 0.02 0.31 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.016 0.32 0.03 0.03 0.07 0.32 0.01 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.07 0.32 0.02 0.01 0.71 0.05 2.26 0.47 0.06 0.04 <th>1203510 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 0.93 -0.45 0.09 -0.48 0.02 -0.10 1.11 -0.08 -0.88 -0.02 -1.11 -0.08 -2.29 -0.29 -2.21 -2.23 -2.41 -0.71</th> <th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.04 0.07 0.00 0.03 0.04 0.05 0.07 0.07 0.07 0.07 0.08 0.09 0.013 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 0.21 0.22 0.23 0.41 0.24 0.2</th> <th>PDGFA
(205463 _ e
1)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.08
7
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03</th> <th>ТСРВЯ
[224793</th> <th>TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
205944, 4]
0,223
1.16
0,42
0,77
-0.38
-0.26
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,41
0,55
0,41
0,65
-0,48
0,41
0,61
0,51
-0,44
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0</th> <th>TGFBR3
[22652.4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.59
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73</th> <th>KDR E (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.33 0.16 0.19 -0.13 0.16 0.19 -0.06 0.11</th> | 1203510 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 -0.71 -0.96 0.93 -0.45 0.93 -0.45 0.09 -0.48 0.02 -0.10 1.11 -0.08 -0.88 -0.02 -1.11 -0.08 -2.29 -0.29 -2.21 -2.23 -2.41 -0.71 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.04
 0.07 0.00 0.03 0.04 0.05 0.07 0.07 0.07 0.07 0.08 0.09 0.013 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.21 0.21 0.22 0.23 0.41 0.24 0.2 | PDGFA
(205463 _ e 1)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.08
7
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03 | ТСРВЯ
[224793 | TGFBR2
[205944, 4]
205944, 4]
205944,
4]
0,223
1.16
0,42
0,77
-0.38
-0.26
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,25
0,35
0,41
0,55
0,41
0,65
-0,48
0,41
0,61
0,51
-0,44
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0,51
-0 | TGFBR3
[22652.4]
1.49
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.78
-0.29
-1.22
0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.28
-0.73
0.65
-0.79
1.12
-0.59
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.65
-0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73
0.73 | KDR E (2393)4.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.21 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 -0.07 -0.21 -0.32 -0.21 -0.33 0.16 0.19 -0.13 0.16 0.19 -0.06 0.11 |
 | |
 | | |
 | | |
 | | |
 |
 | | | |
 | | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | |
 |
 |
 |

 | |

 | |
 | |

 | | | | |
 |
 | | |
 | | | |
 | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | |
 | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 |
 | |
 | |
 | |

 | |
 | |
 | | | | |
 | |
 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | | | | | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Asc1
A549 Asc1
A549 Asc1
CA46
CA46-1
CCRF-CEM
COLO 205
COLO 2 | EGFR [15543.3 47 [15543.3 47 [15543.3 47 [15543.3 47 [15643.3 47 [| 0 0 1216336 -0 -0 13 -0 13 -0 0.8 -0.54 -0.84 -0.84 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.14 -0.35 -0.10 -0.46 -1.73 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39
 | ERB3 [226213 at] -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.51 0.39 0.79 -0.81 -0.27 0.30 0.41 0.01 -0.51 0.78 0.51 0.78 0.51 0.30 0.44 0.30 0.90 0.22 0.78 0.51 0.30 0.44 0.30 0.90 0.28 0.48 0.61 0.30 0.91 0.30 0.91 0.93 0.41 0.79
 | FGFR1
[227705
a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.46
-0.48
-0.40
-0.46
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.50
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.55
 | FGFR2 (203538 _ at) -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.64 -0.57 -0.63 -0.64 -0.57 -0.68 0.017 -0.64 -0.55 0.80 0.06 0.14 -0.53 -0.64 -0.55 0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.15 -0.80 -0.15

 | FLT3
[206574 at]
0.03
0.02
0.00
0.04
0.04
0.04
0.09
0.18
0.10
0.13
0.21
0.16
0.01
0.01
0.01
0.01
0.05
0.08
0.03
0.05
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03

 | IGFIR
[225330 e12
-0.43
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.68
-0.44
-0.47
-0.33
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.32
-0.68
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.46
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.45
-0.42
-0.68
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.55
-0.44
-0.57
-0.11
-0.55
-0.44
-0.57
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.55
-0.11
-0.11
-0.55
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.57
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11
-0.11 | KIT 20001 20001 3 0.006 - 4.66 0.28 0.006 - 0.12 0.00 0.05 - 0.06 - 0.07 - 0.08 - 0.09 - 0.00 - 0.012 - 0.02 - 0.032 - 0.04 - 0.05 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.032 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.05 - 0.24 - 0.07 - 0.24 - 0.04 - 0.24 - 0.04 - 0.05 - 0.04 - 0.05 -
 | 1203510.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 0.09 -0.29 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 0.09 -0.29 -0.441 0.29 -0.48 0.00 -1.11 0.13 -0.88 -0.88 -0.49 -0.42 -0.11 0.12 -1.23 0.49 -0.42 | NGFR [205555.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.023 0.23 0.21 0.03 0.03 0.011 0.03 0.011 0.03 0.011 0.05 0.07 0.00 -0.13 -0.16 -0.12 -0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.23 -0.14 0.11 0.12 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 | PDGFA
(205463 _ e
1
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.94
0.94
0.03
0.28
0.19
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
1.11
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0. | TGFBR1 1224793 | ToFBR2 205944, aft 0.22 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.38 -0.42 0.37 -0.45 0.40 0.56 0.42 0.077 -0.45 0.52 1.53 0.41 0.64 0.10 0.41 0.64 0.10 |
TGFBR3
[226625.49]
1.49
-0.77
-0.59
0.27
-0.23
0.32
-0.34
0.79
0.23
0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.23
-0.24
-0.59
-0.23
-0.24
-0.59
-0.29
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.24
-0.29
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.23
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.29
-0.19
-0.10
-0.10
-0.10
-0.10
-0.40
-0.10
-0.40
-0.10
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40
-0.40 | KDR et
239394.41
239394.41
0.30
0.5
0.24
0.08
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.08
0.21
0.06
0.24
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.04
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.04
0.05
0.07
0.05
0.07
0.05
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.02
0.02
0.05
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.02
0.07
0.07
0.09
0.02
0.15
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0.15
0 | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | | | | | |
 | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | | | |
 |
 | |
 |
 |
 |

 | |
 |
 |
 | |

 |
 | | | | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | |
 | | |
 | | | |
 | | | | | |
 |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | | | | | | | | |
 | | | | | | |

 | |
 | |
 | |
 | |

 | |
 | | | | | | |

 | | | | | |
 | | |
 | | |
 | | | |
 | | | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 Acta
A549 Acta
A549 Acta
CAK1-1
COLF 200
COLO 205
COLO 205
CO | EGFR EGFR 155453 av 0.5 -0.16 1.41 -0.37 0.63 -0.41 -0.37 -0.63 0.34 -0.65 -0.63 -0.75 -0.63 -0.83 1.68 -0.79 0.20 -0.36 -0.42 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.26 -1.16 -0.80 -0.25 -1.28 0.54 -0.25 -0.25 -1.28 0.15 0.21 0.5 0.15 0.21 -0.45 | 216536
 | ERB3 226213 at -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.78 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.31 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.22 -0.78 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.63 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.41 -0.79 -0.41 -0.79 -0.20 -0.20
 | FGFR1
[22705
a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.41
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.55
-0.54
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
 | GEFR2 [203538 _ at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.057 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.63 -0.61 -0.57 -0.62 -0.53 -0.61 -0.55 -0.62 -0.55 -0.62 -0.57 -0.580 -0.61 -0.25 -0.80 -0.26 -0.27 -0.80 -0.71 -0.80 -0.71 -0.80 -0.71 -0.80 -0.00

 | FLT3 206574 atl 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.04 0.04 0.03 0.02 0.04 0.04 0.03 0.01 0.04 0.03 0.05 0.03 0.03 0.02 0.04 0.05 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.05 0.03 0.06 0.09 0.03 0.01 0.05 0.03 0.06 0.09 0.03 0.01 0.07 0.01 0.03 0.02 0.04 0.03 0.05 0.03 0.07 0.01

 | IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.20
-0.21
-0.30
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.33
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.35
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.21
-0.23
-0.21
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.21
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.23
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25
-0.25 | 1209091 3 1209091 3 0.03 0.06 0.03 0.06 0.04 0.06 0.05 0.06 0.12 0.00 0.06 0.12 0.00 0.06 0.016 0.02 0.03 0.06 0.04 0.07 0.032 0.016 0.04 1.80 0.032 0.016 0.04 1.80 0.032 0.016 0.045 0.07 0.032 0.016 0.045 0.07 0.032 0.010 0.71 0.05 0.28 1.47 1.406 0.03 0.04 0.019 0.04 0.019
 | 1203510 | NGFR
[205558.at] 205559.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.03 0.013 0.010 0.010 0.011 0.02 0.03 0.04 0.05 0.07 0.007 0.007 0.013 -0.18 -0.19 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.21 -0.21 -0.25 -0.26 -0.31 -0.32 -0.33 -0 | PDGFA
(205463 _ e
1
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.48
0.04
0.28
0.04
0.28
0.04
0.48
0.04
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.05
0.11
0.11
0.18
0.07
0.03
0.03
0.03
0.03
0.03
0.07
0.04
0.03
0.07
0.04
0.04
0.04
0.03
0.07
0.04
0.04
0.04
0.04
0.03
0.04
0.03
0.04
0.04
0.04
0.03
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0. | TGFBR1
[224793 Gene 224793 | ToFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.37 -0.38 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.41 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.45 0.52 1.53 0.41 0.64 0.10 0.99 -0.43 0.41 0.64 0.10 0.99 -0.64 0.10 0.90 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.78 0.79 0.23 0.78 0.79 1.22 0.73 0.65 -0.79 1.12 1.38 -0.12 0.67 0.13 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.45 -0.17 0.41 -0.02
 | KDR EXP (23939.4, etc.) -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.03 0.05 0.03 0.08 -0.18 0.24 0.08 0.13 -0.06 0.04 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.16 0.40 -0.15 0.07 -0.21 -0.32 -0.21 0.36 -0.21 0.36 -0.21 0.37 0.15 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.21 -0.13 0.16 -0.19 -1.39 -0.36 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
COLO 205
COLO 205
CO | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
0.24
-0.36
0.25
-1.16
0.84
-0.26
1.36
0.84
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0 | ERB62 [216336, a) -0.13 -0.101 -0.54 -0.84 -0.37 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.52 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.32 0.11 -0.94 -0.33 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.27 -0.39 -0.27 -0.39 -0.16 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.39 -0.53
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.64 -0.63 -0.44 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.91 -0.91 -0.91 -0.92 -0.41 -0.79 -0.23 -0.91 -0.92 -0.03 -0.99 -0.31 -0.92
 | FGFR1
[22705
a)
0
-1.05
-2.30
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.54
-0.54
-0.54
-0.55
-0.46
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.45
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
 | FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.16 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.12 -2.55 0.80 0.12 -0.57 -0.58 -0.59 -0.50 -0.51 -0.52 -0.80 -0.15 -0.15 -0.71 -0.80 -0.00 -0.18 0.07 -0.03 -0.11

 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.03 0.04 0.03 0.03 0.04 0.03 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.16 0.03 -0.21 -0.4 -0.05 0.03 -0.12 0.44 -0.05 0.06 0.03 -0.12 0.40 -0.05 0.06 -0.07 0.08 -0.10 -0.07 0.01 -0.03 -0.04 -0.05 -0.05 -0.06 -0.07 0.03 -0.22 -0.24 0.41

 | IGFIR [225330 e1] -0.23 -0.43 -0.46 -0.65 -0.23 -0.43 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.73 -0.73 -0.35 -0.36 -0.68 -0.68 -0.68 -1.73 -0.36 -0.63 -0.68 -0.61 -0.37 -0.61 -1.13 -0.60 -0.71 -0.72 -0.39 -0.03 -0.03 -0.03 -0.03 -0.03 -0.39 -0.39 -0.21 -0.24 | 1209501
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 0.37 -0.71 -0.75 -0.71 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.76 -0.73 -0.77 -1.13 -0.08 -0.22 -0.29 -0.33 -0.48 -0.02 -0.10 -1.11 -0.88 -0.80 -1.12 -1.21 -1.23 -0.48 -0.77 -1.14 -0.77 -0.41 -0.43 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.05 0.07 0.00 0.00 0.01 0.02 0.07 0.00 0.03 0.13 0.14 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.22 0.23 0.31 0.31 0.33 | PDGFA
(205463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.26
0.28
0.04
0.28
0.28
0.04
0.38
0.71
0.18
1.20
0.87
0.28
0.37
0.24
0.03
0.72
0.18
0.38
0.77
0.18
1.30
0.74
0.08
0.77
0.48
0.07
0.48
0.04
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.04
0.05
0.11
0.05
0.12
0.15
0.48
0.04
0.05
0.13
0.11
0.05
0.13
0.04
0.05
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.13
0.14
0.03
0.77
0.18
0.03
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0 | TGFBR1 1224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.077 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.64 0.50 0.52 1.53 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.43 0.52 1.53 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 0.03 0.03 | TOFERA 1226625.a/g 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.79 0.23 0.79 0.23 0.79 0.23 0.73 0.65 -0.79 1.12 1.38 -0.28 -0.12 0.67 -0.13 0.45 -0.12 0.67 -1.10 -0.56 0.17 0.04 -0.32 -0.32 -0.32 -0.44 -0.05 -0.17 0.04 -0.32 -1.40 -1.35
 | KDR (2393)4. et] (2393)4. et] 0.14 0.30 0.53 0.03 0.05 0.24 0.08 0.13 0.06 0.04 0.16 0.40 0.41 0.42 0.06 0.04 0.16 0.40 0.15 0.07 0.021 0.15 0.07 0.02 0.15 0.07 0.02 0.15 0.16 0.07 0.18 0.19 -0.06 0.11 0.12 -1.39 -0.14 0.12 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
A549 A547
CARF-CEM
COLO 205
COLO 205 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
-0.37
0.53
0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.25
-0.34
1.55
-0.44
-0.69
-0.08
1.55
0.21
-0.35
0.54
-0.25
-1.16
-0.45
0.54
-0.25
-1.25
0.54
-0.25
-1.25
0.54
-0.25
-0.35
0.54
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.25
-0.35
-0.25
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35
-0.35 | Construction [216536,
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.64 -0.22 -0.78 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.51 -0.78 -0.25 -0.41 -0.79 -0.20 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.03 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.39 -0.39 -0.46
 | FGFR1
[227705
a)
0
-1.05
-2.30
-0.53
-0.53
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.46
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.47
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.53
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
 | FGFR2 [203538 _ at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 0.80 0.164 -0.55 0.061 0.17 -0.64 -0.55 0.000 -0.57 0.001 -0.52 0.002 -0.53 0.006 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.17 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11

 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.010 0.03 0.013 0.01 0.03 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.15 -0.05 0.03 0.21 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.06 0.03 0.01 0.03 0.04 0.05 0.06 0.07 0.08 0.19 0.04 0.07 0.01 0.03 0.03 0.04 0.05 0.05 0.06 0.07 0.08 0.09 <tr t=""> <tr tr=""> 0.010<!--</th--><th>IGFIR
[225330
e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42</th><th>1205951 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9</th><th>NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 <</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.</th><th>TGFBR1
(224793</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24</th><th>KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37)
(0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37) (0.37)</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL 16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M</th><th>EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 <</th><th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80 0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24</th><th>FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30</th><th>1209501 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73</th><th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 <</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463</th><th>TGFBR1
(224793</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10
 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12</th><th>TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0</th><th>KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39) (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54</th><th>EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69 -0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99<th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th><th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th><th>KIT 220591 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th><th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e,
4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th><th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th><th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54</th><th>EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53</th><th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24</th><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14
 -0.40 -0.63</th><th>1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33</th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63</th><th>NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23<</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th><th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th><th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35</th><th>EGFR
[15543.3
d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55</th><th>Construction [216536,</th><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01</th><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1</th><th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40</th><th>KIT (205951</th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.23 0</th><th>PDGFA
(295463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0</th><th>TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34</th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81</th><th>TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71</th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A</th><th>EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56</th><th>Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73 -0.55 -0.63 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43
-0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43
 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<></th></tr><tr><th>B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A</th><th>EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.</th><th>216536 </th><th>ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64<th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th><th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th><th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28
 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th></th></tr></tr> | IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42 | 1205951
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9
 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 < | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0. | TGFBR1
(224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42
 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24 | KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) | B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL
16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M | EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 | 216536
 | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 < | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80 0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24
 | FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30 | 1209501
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 < | PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463
 | TGFBR1
(224793
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0 | KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39) (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<> | B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69
-0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27 | Construction [216536, | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99 <th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02</th> <th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th> <th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th> <th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th> <th>KIT 220591 </th> <th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th> <th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th> <th>PDGFA
(205463, e,
4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th> <th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th> <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th> <th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th> | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93
 | FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54 | KIT 220591 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43
 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23 | PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15 | TGFBR1
[224793 G 224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13
 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04 | B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26 | 216536
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24 | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14 -0.40 -0.63
 | 1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63 | NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23< | PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77
 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th> <th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th> | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54 | KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04 | B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35 | EGFR
[15543.3
d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55 | Construction [216536, | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46 | FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01 | FGFR2 [203538
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40 | KIT (205951 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.23 0 | PDGFA
(295463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0
 | TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05
 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81
 | TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71
 | B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A

 | EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
 | Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73 -0.55 -0.63 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43 -0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<> | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59
0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<> | FGFR2 [203538
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23
 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<>

 | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11 | 1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23
 | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0 | TGFBR1
[224793 Gene 224793
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12 | TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21
 | B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A | EGFR
155453
av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0. | 216536 | ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64 <th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th> <th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th> <th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02
 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th> | FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304 | FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 | FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<> <th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th>
<th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th> <th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th> <th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th> <th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th> <th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th> | IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 | kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16 | 1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33 | P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17
 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38 | TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36 | TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<>
 | TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<> | KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 |
 | | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42 | 1205951 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9
 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 <
 | PDGFA
(205463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.
 | TGFBR1
(224793

 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03

 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24 | KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37)
 | B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL 16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M | EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 | 216536
 | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 < | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80 0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24 | FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30 | 1209501 | 1203510 -0.25
-0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 <
 | PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463 | TGFBR1
(224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0 | KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39) (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<>
 | B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69 -0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27
 | Construction [216536, | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99 <th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02</th> <th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th> <th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th> <th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th> <th>KIT 220591 </th> <th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th> <th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th> <th>PDGFA
(205463, e,
4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th> <th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th> <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th> <th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th> | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93
 | FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54 | KIT 220591 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23
 | PDGFA
(205463, e,
4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15 | TGFBR1
[224793 G 224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21
-0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04 | B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26 | 216536
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24 | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14 -0.40 -0.63
 | 1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63 | NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23< | PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42
 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th> <th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th> | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54 | KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04 | B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35 | EGFR
[15543.3
d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55 | Construction [216536, | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46 | FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01 | FGFR2 [203538
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40 | KIT (205951 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23
 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.23 0 | PDGFA
(295463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0 | TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81 | TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71 | B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A | EGFR
155453
av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56 | Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73 -0.55 -0.63 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43 -0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<> | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59
0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<> | FGFR2 [203538
 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16
0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<> | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11

 | 1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43
 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13
-0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23 | PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0
 | TGFBR1
[224793 Gene 224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12

 | TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13
 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21 | B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A | EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0. | 216536 | ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64 <th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th> <th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62
-0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th> <th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th> | FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304 | FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61
-0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 | FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<> <th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th> <th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th> <th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th> <th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th> <th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th> <th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th> | IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30
 | kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16 | 1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33
 | P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38 | TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36 | TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34
 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<> | TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<> | KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 |
 | | | |
 | | | | | |
 |
 | | | | | | | | |
 | | | | | | | | |
 | | | | | |
 | | | | | | | | |
 | | | | | | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | | |
 | | |
 | | | |
 | | | | | |
| IGFIR
[225330 e12
-0.23
-0.23
-0.43
-0.46
-0.65
-0.20
-1.25
-0.04
-0.35
-0.20
-0.32
-0.68
-0.44
-0.37
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.36
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.47
-0.13
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.44
-0.45
-0.20
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.35
-0.21
-0.63
-0.44
-0.41
-0.42
-0.32
-0.68
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.44
-0.41
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42
-0.42 | 1205951 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -1.41 -0.79 -0.25 -0.73 -0.56 -0.02 -0.68 -0.51 0.37 -0.97 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 0.02 -1.11 0.08 -1.22 2.49 -4.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.41 -0.77 -1.43 -0.43 -0.73 -2.9
 | NGFR [205558.ad] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.12 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.23 -0.14 -0.11 -0.12 -0.23 -0.24 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.31 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.23 -0.23 -0.23 <
 | PDGFA
(205463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
1.00
0.94
0.03
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
0.48
0.04
0.28
0.04
0.11
0.28
0.28
0.03
0.28
0.38
0.71
0.18
1.00
0.87
0.38
0.74
0.08
0.74
0.08
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.18
1.00
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.087
0.74
0.037
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.087
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.18
1.00
0.77
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.04
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.74
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.07
0.
 | TGFBR1
(224793

 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.42 0.35 0.26 0.37 -0.43 0.56 0.42 0.07 -0.77 -0.52 0.56 0.42 0.57 0.52 0.53 0.41 0.65 0.42 0.07 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 -0.03 -0.041 0.64 0.00 0.00 0.00 0.00 0.03

 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.59 0.27 -0.33 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.73 0.65 0.79 1.22 1.35 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.32 0.32 0.32 0.41 0.32 0.17 0.64 0.32 0.135 0.22 0.14 0.32 0.13 0.24 | KDR (2393)4. eff (2393)4. eff (30) (-0.14) (0.30) (-0.33) (0.32) (0.33) (0.34) (0.35) (0.34) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37) (0.36) (0.37)
 | | | |
 | | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549 A549
A549 A549
A549 A549
CAKI-1
CCAF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
CAKI-1
CCRF-CEM
EVXX
GTL 16
HCT-116
HCT-116
HCT-115
HL-80/TB)
HOP-92
HT-29
HoL-4-IuC
HUH-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
K-562
HUT-7
HUA-MB-23
MDA-MB-23
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
MDA-MB-30
M | EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.79 0.70 0.85 1.168 -0.079 0.26 -1.16 -0.85 -1.16 -0.85 -1.16 -0.84 -0.98 -0.26 -1.36 0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.55 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 | 216536
 | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.64 -0.64 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.61 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.78 -0.63 -0.44 -0.30 0.90 -0.28 -0.41 -0.78 -0.25 -0.41 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.91 -0.09 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.99 -0.03 -0.99 -0.39 -0.66 -0.33 -0.99 -0.201 -0.99 <
 | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 0.04 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.47 -0.17 0.47 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.47 0.17 -0.80 0.53 -1.43 0.18 -0.80
0.53 -1.81 0.53 -0.12 0.53 -1.33 0.53 -0.13 0.53 -0.14 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.53 -0.15 0.05 -0.18 0.026 -0.36 0.12 -0.24
 | FGFR2 [203538] -1.54 0.77 -1.01 0.41 0.69 0.14 -2.21 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.7 -0.63 -0.61 0.57 -0.63 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.00 -2.55 0.80 0.14 -0.25 -0.80 -0.11 -0.15 -0.27 -0.80 -0.18 -0.71 -0.80 -0.11 -0.11 -0.11 -0.11

 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.08 0.08 0.018 0.019 0.138 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.25 0.06 0.03 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.01 0.03 0.041 0.02 0.24 0.41 0.42 0.19 0.42

 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.32 -0.68 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.47 -0.37 -0.38 -0.44 -0.41 -0.63 -0.44 -0.63 -0.44 -0.57 -0.11 -0.30 -0.12 -0.39 -0.13 -0.24 -0.30 -0.14 -0.24 -0.30 | 1209501
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.74 -0.79 -0.48 -0.02 -0.09 -1.11 -0.08 -0.29 -0.90 -1.12 -1.23 -0.43 -0.73 -1.41 -0.77 -1.41 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.01 0.03 0.11 0.03 0.01 0.03 0.01 0.03 0.03 -0.18 -0.02 -0.02 -0.03 -0.18 -0.18 -0.18 -0.22 -0.22 -0.22 -0.22 -0.24 -0.25 -0.11 -0.11 -0.12 -0.21 -0.22 -0.23 -0.24 -0.25 -0.25 -0.26 -0.27 -0.28 -0.29 -0.20 -0.23 -0.23 -0.23 < | PDGFA
(205463, e, 4)
(205463, e, 4)
(205463 | TGFBR1
(224793
 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.26 0.37 -0.38 -0.40 0.36 0.37 -0.52 0.56 0.42 0.07 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.43 0.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.10 0.09 -0.64 0.03 1.03 1.12 | TOFERA 1226625.al/ 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.64 0.73 0.65 0.17 0.64 0.32 0.14 0.05 0.17 0.64 0.72 0.14 0.05 0.17 0.64 0.73 0.83 0.99 1.35 0 | KDR (2393)4. et] (2393)4. et] (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (30) (31) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (31) (32) (32) (32) (33) (34) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (35) (36) (37) (38) (39) (31) (32) (33) (34) (35) (36) <td< th=""></td<>
 | | |
 | |
 | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | | |

 | |
 | |
 |

 |
 |
 | |
 | |

 | | | |
 | |
 | | |
 | | |
 |
 | | |
 | | | | | | |

 | | | | | | | | | | |
 | | | | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | |
 | |
 | |
 |
 |
 | |
 | |
 |
 | | | | | |
 | | |
 | | |

 | | |
 | | | | | | | |
 | |
| B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.68 0.41 -0.37 0.51 -0.41 -0.69 -0.08 -0.75 -0.16 -0.75 -0.36 -0.36 -0.36 -0.42 -0.68 -1.16 -0.80 -0.26 -1.35 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.54 -0.25 -0.21 -0.32 -0.32 -0.32 -0.32 -0.37 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.56 -0.57 -0.27 | Construction [216536,
 | ERB3 226213 31 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.21 -0.27 -0.30 0.41 -0.01 -0.17 -0.61 0.31 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.64 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.29 -0.28 -0.43 -0.30 -0.91 -0.91 -0.03 -0.91 -0.03 -0.92 -0.23 -0.31 -0.93 -0.20 -0.23 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.99 -0.33 -0.93 -0.33 -0.99 /td> -0.33 -0.99 <th>FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33
 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02</th> <th>FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93</th> <th>FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21</th> <th>IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54</th> <th>KIT 220591 </th> <th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43</th> <th>NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23</th> <th>PDGFA
(205463, e, 4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15</th> <th>TGFBR1
[224793 G 224793 </th> <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13</th> <th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04</th> | FGFR1 [225705 30 -1.05 -2.30 -2.33 -0.53 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.46 -0.81 -0.47 -0.17 -0.80 -0.80 -0.79 -0.79 -0.79 -0.79
 -0.79 -0.63 -0.53 -1.44 -1.15 -0.63 -0.53 -0.53 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.53 -0.15 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.15 -0.36 -0.12 -0.02
 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -0.25 0.02 0.19 -1.42 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.64 -0.57 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.25 0.80 0.014 -0.26 -0.15 0.27 -0.80 -0.18 0.07 -0.03 189 -0.11 -0.11 -0.80 -0.11 -0.81 -0.92 -0.92 -0.93

 | FLT3 [206574.4] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.23 0.03 0.20 0.03 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.26 0.09 0.03 0.00 0.01 0.03 0.02 0.24 0.41 0.15 0.11 0.21

 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.467 -0.43 -0.46 -0.65 -0.21 -0.22 -0.68 -0.47 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.73 -0.74 -0.77 -1.73 -0.32 -0.68 -0.67 -0.71 -0.39 -0.11 -0.30 -1.13 -2.46 -0.57 -0.21 -0.39 -0.14 -0.30 -1.78 -0.43 -0.54 | KIT 220591
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.77 -0.78 -0.79 -2.05 -0.71 -0.78 -0.73 -0.68 -0.79 -1.41 -0.79 -0.48 -0.29 0.30 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -0.43 -0.73 -0.43 -0.77 -1.88 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 -0.73 -0.43 | NGFR [205553.at] -0.11 -0.47 0.15 0.03 0.02 -0.23 0.21 0.03 0.011 0.03 0.013 0.00 0.010 0.011 0.02 0.00 0.010 0.010 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.18 -0.22 0.02 0.02 0.02 0.03 -0.13 -0.14 0.21 0.22 0.22 0.23 0.24 0.25 0.26 0.27 0.28 0.29 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23 | PDGFA
(205463, e,
4)
-0.94
-0.04
-0.05
-0.48
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.38
-0.74
-0.087
-0.18
-0.37
-0.18
-0.24
-0.087
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15
-0.15 | TGFBR1
[224793 G 224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.77 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.35 0.22 -0.39 -0.43 0.40 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.42 0.77 0.37 -0.52 1.56 0.41 0.66 0.41 0.64 0.00 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.03 0.03 0.03 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.59 0.27 -0.59 0.27 0.32 0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 0.13 0.45 0.17 0.44 0.32 0.14 0.032 0.14 0.032 0.13 0.28 0.14 0.020 0.21 0.22 0.14 0.020 0.202 0.13 0.202 0.13
 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.08 -0.13 0.06 0.04 0.016 0.40 0.021 -0.15 0.05 -0.07 -0.09 -0.21 -0.36 -0.02 -0.15 0.16 0.007 -0.12 -0.13 0.16 0.19 -0.06 -0.11 -0.12 -1.30 -0.16 0.16 0.19 -0.12 -0.13 0.16 0.21 -0.33 -0.16 0.21 -0.45 -0.04 -0.04 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A54 | EGFR EGFR (15543) 0.55 0.16 1.41 -0.37 0.66 1.41 -0.37 0.56 1.68 -0.08 1.75 -1.68 -0.08 -0.73 1.68 -0.73 1.68 -0.74 -0.68 -0.36 0.26 -1.16 -0.80 -0.26 1.35 0.54 -0.25 0.25 0.25 0.21 -0.32 -0.28 -0.32 -0.27 -0.26 -0.78 -0.32 -0.27 -0.26 | 216536
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.31 -0.39 -0.64 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.41 -0.79 -0.22 -0.30 -0.91 -0.03 -0.92 -0.28 -0.41 -0.79 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.39 -0.46 -0.31 -0.93 -0.46 -0.41
 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.25 2.44 0.17 0.17 0.080 0.53 0.53 1.84 1.15 0.053
0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.53 0.15 0.05 0.53 0.15 0.03 0.53 0.15 0.03 0.15 0.03 0.15 0.026 0.36 1.51 0.02 0.029 0.036 1.51 0.02 0.020 0.02 0.036 1.51 0.04 0.53
 | FGFR2 [203538at] -1.54 0.77 -1.01 -0.69 0.14 -0.57 0.019 -1.42 0.57 -0.61 0.17 -0.61 0.017 -0.64 -0.57 -0.00 -2.255 0.80 0.14 -0.25 -0.61 0.17 -0.64 -0.55 -0.80 0.06 0.14 -0.26 -0.15 -0.27 -0.80 -0.77 -0.80 -0.77 -0.80 -0.11 -0.18 -0.11 -0.81 -0.11 -0.81 -0.92 -0.93 -0.93

 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.18 0.10 0.13 0.21 0.16 0.01 0.03 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.07 0.08 0.15 -0.12 0.24 0.05 0.29 0.06 0.09 0.03 0.10 0.07 0.08 0.10 0.01 0.02 0.24 0.41 0.12 0.21 0.21 0.22 0.21 0.22 0.21 0.22 0.24

 | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.20 -0.75 -0.32 -0.68 -0.47 -0.73 -0.13 -0.66 -0.44 -0.47 -0.13 -0.66 -0.21 -0.60 -0.85 -0.11 -0.30 -1.13 -0.46 -0.57 -0.71 -0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.16 -1.13 -0.30 -0.14 -0.30 -0.14 -0.40 -0.63 | 1205951 4.66 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.06 0.16 0.02 0.03 0.16 0.02 1.33 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.32 0.16 0.24 1.80 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 0.07 0.32 0.10 0.71 0.05 0.28 0.71 0.05 0.28 1.47 1.60 0.04 0.19 0.05 0.28 1.50 0.19 0.104 1.50 0.19 0.10 0.33 0.33
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -0.68 0.09 -0.68 0.00 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.43 0.02 0.10 -1.12 1.23 0.49 0.42 -1.91 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.63 0.73 -0.63 | NGFR [205558.a] -0.11 -0.47 0.03 0.03 0.03 0.23 0.21 0.03 0.11 0.13 0.03 0.111 0.13 0.00 0.01 0.01 0.02 0.00 0.03 0.13 0.06 0.10 0.00 0.13 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.02 0.13 0.22 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.22 0.23 0.24 0.25 0.23< | PDGFA
(205463, e,
4)
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.94
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.11
-0.24
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.04
-0.05
-0.11
-0.87
-0.18
-0.88
-0.88
-0.88
-0.87
-0.18
-0.87
-0.18
-0.33
-0.74
-0.08
-0.37
-0.18
-0.37
-0.18
-0.28
-0.94
-0.15
-0.15
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55
-0.55 | TGFBR1
[224793 Gene 224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.59 0.70 -0.60 0.20 0.13 0.98 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.47 -0.28 0.16 0.47 0.22 0.13 0.98 -0.21 0.47 0.29 0.55 -0.04 0.27 -0.13 0.86 -0.45 0.21 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.74 -0.29 0.54 -0.49 0.29 -0.51 0.34 -0.23 0.34 -0.13 <th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22</th> <th>TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54</th> <th>KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04</th> | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 0.41 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.42 0.77 0.52 0.53 0.41 0.66 0.41 0.65 0.41 0.64 0.07 0.52 1.56 0.61 0.03 1.03 1.17 1.56 0.19 0.20 0.22 | TOFERA 1226625.49 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.37 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.12 0.67 -0.13 0.41 0.42 0.17 0.44 0.054 0.17 0.44 0.62 0.17 0.41 0.42 0.13 0.43 0.54 0.54 0.54
 | KDR EXD 223934.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.33 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.06 0.04 0.06 0.04 0.07 -0.15 0.08 -0.15 0.09 -0.09 -0.21 -0.36 -0.07 -0.02 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.07 -0.12 -0.18 -0.16 0.19 -0.12 -0.12 -0.13 0.16 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.45 -0.04 -0.04 -0.04 -0.04 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A354
A35 | EGFR
[15543.3 d)
0.55
0.16
1.41
0.37
0.34
1.93
0.34
1.95
0.34
1.25
0.53
1.65
0.25
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.36
0.42
0.55
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.54
0.55
0.54
0.55
0.54
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55 | Construction [216536,
 | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.61 -0.27 -0.30 -0.78 -0.51 -0.33 -0.44 -0.64 -0.27 -0.30 -0.97 -0.84 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.28 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.91 -0.03 -0.93 -0.46 -0.30 -0.99 -0.48 -0.30 -0.93 -0.46 -0.33 -0.99 -0.39 -0.46
 | FGRM 128705 30 -1.05 3 -2.30 -2.30 -0.53 0.04 0.41 0.05 0.46 0.81 0.46 0.81 0.47 0.17 0.10 -0.80 0.44 0.17 0.17 0.080 0.53 -0.46 0.81 0.026 0.53
 -0.18 0.026 0.53 -0.15 0.05 0.051 -0.18 0.053 -0.15 0.03 -0.53 -0.15 0.03 0.051 -0.18 0.029 -0.36 1.51 0.02 0.026 -0.31 0.12 -0.02 0.03 -0.15 0.04 -0.02 0.051 -0.12 0.021 -0.02 0.023 -0.01
 | FGFR2 [203538

 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.13 0.11 0.12 0.16 0.01 0.03 0.01 0.05 0.08 0.15 -0.15 -0.12 0.21 0.24 0.03 0.02 0.03 0.03 0.04 0.05 0.29 0.24 0.05 0.29 0.03 0.001 0.03 0.002 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.15 0.11 0.12 0.24 0.35 0.1

 | IGFIR [225330 e1] -0.25 -0.33 -1.67 -0.43 -0.65 -0.20 -0.33 -0.65 -0.21 -0.86 -0.68 -0.68 -0.68 -0.77 -1.73 -0.35 -0.32 -0.68 -0.67 -0.73 -0.13 -0.36 -0.63 1.48 0.21 -0.60 0.85 1.17 -0.30 -1.13 -0.46 -0.37 -0.13 -0.30 -0.14 0.30 -1.78 -0.40 -0.40 -0.40 -0.41 -0.40 -0.41 -0.40 | KIT (205951
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.79 -1.41 0.29 0.33 -0.45 -0.51 0.37 0.09 -2.05 0.79 -1.41 0.02 0.10 -1.11 0.03 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.29 0.30 -0.43 0.07 0.01 -1.41 0.07 0.13 0.77 -1.38 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 0.15 0.03 0.11 0.13 0.01 0.01 0.02 0.00 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 0.22 0.23 0.13 -0.24 0.25 0.26 0.27 0.20 0.21 0.21 0.21 0.21 0.23 0.24 0.25 0.28 0.29 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.23 0 | PDGFA
(295463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.94
0.08
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.11
0.48
0.04
0.04
0.11
1.10
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.55
1.21
0.33
0.77
0.18
1.32
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.45
0.55
0.11
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.43
0.43
0.43
0.43
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.48
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0.55
0 | TGERT 1224793 -9 -0.9 -9 -1.27 -0.47 -0.16 0.15 0.90 -0.13 0.55 -0.70 -0.60 0.20 0.13 0.55 0.060 0.20 0.13 0.98 0.28 0.16 0.47 1.82 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.86 -0.45 -0.21 0.47 0.22 -0.13 0.38 0.86 -0.45 -0.21 0.55 -0.04 0.22 -0.13 0.70 0.02 0.70 0.74 0.70 0.74 0.29 -0.51 0.34 -0.13 0.36 -0.34 0.36 -0.34 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.73 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.86 0.40 0.56 0.41 0.56 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.56 0.41 0.66 0.42 0.77 -0.37 -0.52 0.54 0.64 0.64 0.00 0.02 0.10 0.03 1.03 1.71 1.56 0.19 0.22 0.81 | TOFERA 1226525.40 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.23 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.17 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.13 0.28 0
 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.13 0.03 -0.13 0.04 -0.14 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.07 0.12 -0.13 0.16 0.23 0.17 -0.06 0.11 -0.12 -0.35 -0.12 -0.12 -0.12 -0.12 -0.14 -0.12 -0.12 -0.14 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.71 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A | EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
-0.58
-0.37
0.63
0.34
-0.59
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.05
-0.03
-0.25
-0.25
-0.25
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.35
-0.22
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.27
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56
-0.57
-0.56 | Construction 1216336 -0.13 -0.13 -0.14 -0.54 -0.84 -0.42 -0.27 -0.32 -0.11 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.94 -0.93 -0.13 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.34 -0.35 -0.16 -0.16 -0.16 -0.16 -0.17 -0.55 -0.39 -0.37 -0.39 -0.39 -0.39 -0.33 -0.46 -1.73 -0.55 -0.63 -0.44 -0.33 -0.42 -0.33 -0.43 -0.33 -0.44 -0.33 -0.42 -0.16 -0.17 -0.55 -0.63 -0.46 -0.17 -0.55 -0.63 -0.42 -0.16 -0.17 -0.17 <td< th=""><th>ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46</th><th>FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32
 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<></th></td<> | ERB3 226213 a) -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.11 -0.17 -0.61 -0.31 -0.79 -0.84 -0.61 -0.31 -0.78 -0.51 -0.78 -0.51 -0.30 -0.44 -0.61 -0.22 -0.78 -0.51 -0.30 -0.99 -0.84 -0.66 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.48 -0.63 -0.11 -0.84 -0.03 -0.99 -0.20 -0.03 -0.93 -0.46 -0.31 -0.93 -0.48 -0.30 -0.39 -0.46
 | FGRM 128705 30 -1.05 30 -1.05 30 -0.53 0.04 0.45 0.46 0.81 0.025 2.44 0.17 0.17 0.17 0.18 0.025 2.44 0.17 0.053 0.053 0.079 0.026 0.53 0.051 0.053
 0.051 0.053 0.015 0.051 0.15 0.03 0.053 0.15 0.03 0.053 0.15 0.026 0.33 0.15 0.03 0.053 0.15 0.020 0.026 1.12 0.027 0.028 0.018 0.029 0.036 1.51 0.023 0.021 0.252 0.023 0.011 0.753 0.012 0.026 0.023 <t< th=""><th>FGFR2 [203538</th><th>FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04
 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<></th></t<> | FGFR2 [203538

 | FLT3 [206574 at] 0.03 0.02 0.00 0.04 0.09 0.08 0.018 0.019 0.03 0.013 0.01 0.05 0.06 0.03 0.015 -0.12 0.04 0.03 0.021 -0.05 0.029 -0.06 -0.09 0.03 0.001 0.03 0.029 0.044 0.05 0.029 0.03 0.001 0.003 0.003 0.001 0.003 0.010 0.03 0.021 0.024 0.11 0.12 0.13 0.11 0.12 0.11 0.12 <t< th=""><th>IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11</th><th>1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03
 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33 </th><th>1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43</th><th>NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23</th><th>PDGFA
(205463, e, 4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0</th><th>TGFBR1
[224793 Gene 224793 </th><th>TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12</th><th>TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13</th><th>KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21</th></t<>

 | IGFIR [225330 -0.25 -0.23 -0.25 -0.43 -0.66 -0.00 -0.25 -0.43 -0.46 -0.65 -0.20 -0.43 -0.46 -0.55 -0.32 -0.68 -0.67 -0.77 -1.73 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -0.44 -0.47 -0.13 -0.36 -1.48 -0.21 -0.39 -0.16 -1.13 -2.46 -0.51 -0.63 -0.16 -1.13 -0.17 -0.21 -0.39 -0.14 -0.40 -0.30 -1.178 -2.18 -0.40 -0.40 -0.51 -0.51 -0.63 -0.11 -0.12 -0.40 -0.40 -0.40 -0.11 -0.15 -1.36 -0.11 | 1205951 9.81 1205951 9.81 0.03 0.06 4.66 0.28 0.06 0.12 0.00 0.66 0.12 0.00 0.016 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.03 0.06 0.16 0.02 0.01 0.32 0.16 0.20 0.03 0.07 0.32 0.16 0.24 1.80 0.071 0.05 0.28 1.47 0.05 0.28 1.47 1.06 0.04 0.19 0.05 0.28 1.47 1.60 0.28 1.47 0.02 0.59 0.02 0.59 0.10 1.33 0.60 0.29 0.10 0.33 0.60 0.29 0.10 0.33
 | 1203510 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.73 -0.79 -1.41 -0.75 0.73 -0.79 -0.79 -1.41 0.09 2.05 0.79 -0.48 0.02 0.10 1.11 0.08 -0.80 -1.12 1.23 0.44 0.07 0.10 -1.41 0.07 0.77 -1.38 -0.43 0.73 1.60 0.98 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 0.73 -0.43 | NGFR [20555.a] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.03 0.13 -0.23 0.21 0.03 0.11 -0.12 0.03 0.010 0.010 0.010 0.02 0.000 -0.13 -0.02 0.02 -0.22 0.22 -0.22 0.20 -0.11 -0.12 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 -0.11 -0.28 0.28 0.29 0.20 0.20 0.21 0.23 0.24 0.25 0.23 0.24 0.25 0.23 | PDGFA
(205463, e,
4)
0.94
1.00
0.94
0.94
0.03
0.15
0.48
0.04
0.04
0.04
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.04
0.17
1.10
0.48
0.04
0.05
1.21
0.48
0.05
1.21
0.11
0.87
0.18
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.18
1.02
0.18
0.07
0.23
0.07
0.24
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.07
0.23
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.07
0.23
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0.05
0 | TGFBR1
[224793 Gene 224793 | TGFBR2 205944, aft 0.23 -1.16 -0.42 -0.38 -0.26 0.35 0.22 -0.39 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -1.05 0.85 -0.43 0.56 0.41 0.65 -0.43 0.56 -0.41 0.65 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.41 0.64 0.00 0.03 -0.10 0.03 -1.12 1.03 -1.12 | TOFERA 1226525 49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.27 -0.59 0.23 0.32 0.32 -0.34 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.73 0.65 0.74 0.28 0.12 0.67 -0.13 0.45 0.17 0.40 -0.56 0.17 0.64 0.42 0.17 0.64 0.42 0.14 0.64 0.62 0.17 0.64 0.62 0.99 1.35 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.10 0.53 0.54 0.64 0.62 0.52 0.13
 | KDR EXD (23) 33.4 -0.14 0.30 -0.14 0.30 -0.14 0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.13 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.16 0.04 -0.15 0.05 -0.07 -0.21 -0.36 -0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.07 -0.12 -0.13 0.16 0.12 -0.13 0.16 -0.23 0.12 -0.12 -0.35 -0.12 -0.42 -0.45 -0.04 -0.04 0.04 -0.21 -0.23 -0.21 -0.24 -0.21 | |
 | |
 | | | |
 |
 | | | |
 |
 | | | | |
 |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 |
 |
 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 | | | |
| B 786-0
A375
A3549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A549
A | EGFR
155453 av
0.55
-0.16
1.41
-0.57
0.63
0.34
1.95
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
1.25
-0.08
0.70
-0.08
0.70
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.08
-0.25
-0.25
-0.27
-0.56
-0.27
-0.05
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.05
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.27
-0.04
-0.52
-0.04
-0.05
-0.04
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0.05
-0. | 216536
 | ERB3 226213 -0.27 -0.27 -0.27 -0.30 -0.27 -0.30 -0.41 -0.17 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.61 -0.31 -0.39 -0.79 -0.64 -0.61 -0.17 -0.61 -0.13 -0.27 -0.78 -0.51 -0.22 -0.78 -0.21 -0.28 -0.44 -0.61 -0.30 -0.99 -0.28 -0.44 -0.63 -0.90 -0.29 -0.28 -0.44 -0.63 -0.91 -0.99 -0.41 -0.79 -0.20 -0.30 -0.99 -0.31 -0.99 -0.32 -0.93 -0.64 -0.41 -0.79 -0.20 -0.33 -0.93 -0.41 -0.73 -0.93 -0.64 <th>FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a)
 [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304</th> <th>FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95</th> <th>FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<><th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th><th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th><th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th><th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th><th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th><th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th></th> | FGRM [28705 a) [28705 a) [28705 a) [28705 a) [303 [-0.53 [304 [305 [305 [206 [307 [308 [308 [309 [300 [301 [302 [303 [304 [305 [305 [306 [307 [308
 [308 [309 [301 [302 [303 [303 [303 [304
 | FGFR2 203538 atl -1.54 0.77 -1.01 0.41 -0.69 0.14 -2.21 0.25 0.02 0.19 -1.42 1.03 -0.43 -0.61 -0.61 0.55 -0.62 -0.63 -0.64 -0.55 -0.25 -0.62 -0.80 0.06 0.14 -2.55 -0.02 -2.55 -0.03 -0.61 -0.11 -0.64 -0.55 -0.02 -0.63 -0.61 -0.64 -0.55 -0.03 -0.61 -0.18 0.07 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.22 -2.95 -0.03 -1.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95 -0.33 -3.89 -0.11 -0.43 -0.29 -2.95

 | FLT3 206674.01 0.03 0.02 0.03 0.02 0.04 0.03 0.02 0.03 0.04 0.03 0.018 0.03 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.04 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.23 0.24 0.05 0.06 0.03 0.021 0.24 0.05 0.06 0.07 0.01 0.021 0.024 0.025 0.026 0.027 0.024 0.107 0.01 0.11 0.12 0.21 0.21 <t< th=""><th>IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 </th></t<> <th>kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16
 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16</th> <th>1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27</th> <th>NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33</th> <th>P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.38</th> <th>TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36</th> <th>TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<></th>

 | IGF IR 125330 0.25 -0.43 -0.63 -0.43 -0.66 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.33 -0.46 -0.65 -0.20 -1.25 -0.04 -0.35 -0.32 -0.68 0.663 -0.47 -1.73 -0.13 -0.36 0.63 1.48 0.21 -0.68 0.63 1.17 -0.11 -0.50 0.57 -0.21 0.39 -0.16 -1.13 -0.46 -0.57 -0.21 0.39 -0.13 -0.30 -0.16 -1.13 -0.39 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.39 -0.31 -0.41 0.30 -0.12 0.39 -0.31 -0.31 -0.31 -0.31 -0.41 0.30 | kiii (20001) 3 -2006 -3 -0.06 -0.06 -0.12 -0.06 -0.12 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.06 -0.16 -0.24 -0.05 -0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.05 0.24 -0.06 -0.24 -0.07 -0.32 -0.45 -0.07 -0.32 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.24 -0.10 0.71 -0.5 0.28 -0.47 -0.10 0.36 0.04 -0.19 0.10 0.44 -0.18 -0.59 -0.16 -0.16 -0.16
 | 1 2203510.4 4 -0.25 -0.41 -0.25 -0.41 -0.56 -0.02 -0.68 -0.33 -0.45 -0.51 -0.37 -0.06 -0.30 -0.45 -0.16 -0.79 -3.41 -0.29 -0.30 -0.48 -0.20 -0.10 -1.11 -1.13 -0.48 -0.02 -0.10 -1.12 -1.23 -0.49 -0.42 -0.11 -0.13 -0.42 -0.19 -0.73 -0.41 -0.73 -0.68 -0.12 -0.43 -0.73 -0.62 -0.13 -0.34 -0.73 -0.34 -0.73 -0.41 -0.33 -0.34 -0.73 -0.66 -0.33 -0.54 -0.73 -0.34 -0.73 -0.34 -0.37 -0.34 -0.27 -0.34 -0.35 -0.34 -0.27 | NGFR [205558.at] -0.11 -0.47 0.15 -0.03 0.21 0.03 -0.11 0.47 0.03 -0.13 0.10 -0.02 -0.03 0.04 0.05 -0.07 -0.07 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.02 -0.03 -0.64 -0.23 -0.03 -0.04 -0.21 -0.05 -0.23 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.23 -0.33 -0.42 -0.23 -0.33 | P0674 (25463) 0.94 .004 0.28 0.19 0.13 0.48 0.04 0.17 1.11 -0.24 0.03 0.43 -0.89 -0.52 0.17 1.11 -0.24 0.037 -0.87 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.24 0.37 -0.23 -0.56 0.57 -0.23 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37 -0.37
 -0.38 | TGERT 224793 -0.69 -5.7 -0.16 -0.15 -0.90 -0.70 -0.16 0.15 -0.90 -0.70 -0.60 0.20 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.90 -0.13 0.98 -0.45 0.45 -0.16 0.47 -1.82 0.38 -0.65 -0.44 -0.62 0.55 -0.04 0.22 -0.13 -0.054 -0.049 0.70 -0.54 -0.70 -0.54 -0.70 -0.49 0.70 -0.24 0.29 -0.51 -0.34 -0.36 -0.35 -0.36 -0.36 -0.36 -0.37 -0.36 -0.38 -0.36 | TGFBR2 205344. afg 0.23 -1.23 -1.16 -0.42 0.77 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 -0.26 0.35 0.26 0.35 0.27 0.38 0.26 0.85 0.642 0.07 0.37 0.43 0.56 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.35 0.42 0.07 0.42 0.07 0.42 0.07 0.43 0.44 0.64 0.01 0.64 0.02 0.15 0.61 0.62 0.71 <t< th=""><th>TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<></th></t<> | TOFERA 122625.41 1.49 -0.77 -0.59 0.27 -0.32 0.32 -0.34 0.79 0.27 -0.34 0.79 0.22 0.73 0.78 -0.79 1.12 -1.38 -0.12 0.65 -0.12 0.67 -0.13 -0.45 -0.17 -0.40 -0.16 -0.17 -0.40 -0.18 -0.17 -0.13 -0.45 -0.17 0.40 -0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.64 0.62 0.52 <t< th=""><th>KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 </th></t<>
 | KDR (2393)4. at) 2393,4. at) -0.14 0.30 -0.03 -0.03 0.05 0.24 0.08 -0.18 0.21 -0.06 0.04 0.05 0.04 0.06 0.01 -0.18 0.21 -0.06 0.01 -0.15 -0.07 -0.21 -0.36 0.14 0.07 -0.13 0.16 0.19 -0.36 -1.39 -0.16 0.23 0.12 -1.39 -0.16 0.23 0.24 -1.39 -0.12 0.24 -0.25 -0.04 0.04 -0.27 -0.27 -0.27 | | |
 |
 | | | |
 | |
 | | |
 | |
 | | | | |

 | | | | | |
 | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | | |
 | | | |
 | | | | | |
 | | | | | |
 |
 | |
 | |
 |

 | |
 | |
 |
 |

 | | |
 | | |
 | | |
 | |
 | |
 | | |
 | | | | |
 | |
 | | | | | |
 | |
 | | | | | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | | | | | | |
 | | | | | |
 | |

 | |
 | |
 | |
 |
 |
 | | | | | | |
 | |
 | |
 | |
 | | | | | | |
 | | | | | | |
 | | |

Figure 4 Change in expression from P1 to P10 for a subset of transcripts coding for receptor tyrosine kinases (RTKs). A) Log2 normalized expression values for each transcript in all models at P1. B) Change in log2 normalized expression for each transcript in all models from P1 to P10. For each probe set, entries are formatted where red is the highest value, green is the lowest and the median is black.



cross-hybridizing mouse mRNA from the xenograft samples. Although cell sorting can remove mouse cell contamination [26], an alternative strategy involves identifying probe sets on the Affymetrix HG-U133 Plus 2.0 array with the potential to cross-hybridize with mouse mRNA and excluding these from analysis or flagging them for additional evaluation. To this end, 5 murine mRNA samples (mouse universal RNA, B16F10 murine melanomas and skin from the C57BL/6 mice bearing the tumor, colon 26 murine tumors and skin from the Balb/c mice bearing the tumor), all performed in triplicate, were applied to the human Affymetrix HG-U133 Plus 2.0 arrays to generate a list of cross-hybridizing probe sets [see Methods]. Mouse RNAs of varied origin were used to provide diversity in the detection of cross-hybridizing events. Results demonstrated a total of 7963 probe sets have the potential to bind mouse mRNA. This includes all possible binding events ranging from just one of the mouse samples cross hybridizing to a probe set to the cross hybridization of all five of the different murine samples. Although relatively large, this list likely includes probe sets that bind nonspecifically to any cDNA population along with those mRNAs showing high homology between mouse and human. Increasing the stringency to 4 and 5 out of 5 murine samples that must bind to a particular probe set before that probe is excluded from the analysis reduces the number of probe sets with the potential to crosshybridize to murine RNA by 3-fold (to 2614). To provide flexibility to the investigator the list of transcripts with the total number of mouse RNA samples found to crosshybridize to each probe set is shown in Additional file 6.

As an example of the *in vitro* to *in vivo* transition, Table 2 shows the results from pairwise analysis of prostate lines (PC-3 and PC-3/M at P0) with their respective P1 xenografts. The 50 highest up-regulated transcripts before removal of the 14 cross hybridizing probe sets are shown in Table 2, with transcripts showing potential mouse artifacts identified. Hemoglobin epsilon 1 (HBE1) [217683_at] is a probable cross-hybridization event that is important because PC-3 cells are not expected to express this mRNA. Other genes of note that were removed as a result of mouse cross-hybridization include SERPINB6, CXCL1, COL3A1 and ADM. All with the exception of SERPINB6 are genes of the stromal compartment [27-29]. Removal of the mouse cross-hybridizing probes provides greater confidence that observations such as increased expression of IL-8 (202859_x_at), CXCL6 (206336_at), and ANGPTL4 (223333_s_at) represent genuine adaptations of PC-3/PC3-M cells to in vivo growth. These upregulated genes point toward activation of pathways involved in invasion and metastasis [30-32]. Table 3 shows DAVID gene ontology (GO) analysis for the top 50 up-regulated genes following removal of the mouse cross-hybridizing probes. Consistent with the literature [33-37] genes involved in the extracellular matrix (ECM), cell adhesion, chemotaxis, cytokine, immune response, tumor-host interaction and growth factor induced signal transduction were up-regulated in xenograft tumors relative to those cells grown in vitro. A spreadsheet of fold-change data for the P0 to P1 transition (with cross-hybridizing transcripts noted) is shown in Additional file 7. Similar analyses for the P0 to P1 transition for the top 50 up-regulated genes and respective DAVID GO analysis for 9 of the 13 model classes (see Table 1) can be found in Additional file 8.

Conclusions

The evaluation of cancer therapeutics using xenograft models is a resource-intensive and time-consuming endeavor. Currently, molecular profiling with large-scale genetic, proteomic and metabolic screening technologies

Table 2 Top 50 up-regulated probe sets in the prostate tumor type

Prostate mouse & human probe set ID	Prostate gene symbol	Prostate P0->P1 average fold change	# Mouse cross-Hyb tissues	Prostate human probe set ID	Prostate gene symbol	Prostate P0->P1 average fold change
231628_s_at	SERPINB6	8.169	5	202859_x_at	IL8	5.290
216405_at		6.239	5	206336_at	CXCL6	5.190
217683_at	HBE1	6.171	5	209183_s_at	C10orf10	4.672
202859_x_at	IL8	5.290		223333_s_at	ANGPTL4	4.479
206336_at	CXCL6	5.190		211506_s_at	IL8	4.451
209183_s_at	C10orf10	4.672		201438_at	COL6A3	4.328
204470_at	CXCL1	4.551	1	212977_at	CXCR7	4.231
223333_s_at	ANGPTL4	4.479		1570537_a_at		4.170
211506_s_at	IL8	4.451		211756_at	PTHLH	4.153
201438_at	COL6A3	4.328		203828_s_at	IL32	3.987
217572_at		4.301	5	241436_at	SCNN1G	3.967
212977_at	CXCR7	4.231		214157_at	GNAS	3.756
1570537_a_at		4.170		221009_s_at	ANGPTL4	3.744
211756_at	PTHLH	4.153		213711_at	KRT81	3.485
203828_s_at	IL32	3.987		206300_s_at	PTHLH	3.460
241436_at	SCNN1G	3.967		1569978_x_at		3.456
215076_s_at	COL3A1	3.775	5	211071_s_at	MLLT11	3.355
202912_at	ADM	3.763	1	201578_at	PODXL	3.249
214157_at	GNAS	3.756		222449_at	PMEPA1	3.230
221009_s_at	ANGPTL4	3.744		205199_at	CA9	3.189
224344_at	COX6A1	3.700	5	201890_at	RRM2	3.106
213711_at	KRT81	3.485		211030_s_at	SLC6A6	3.100
201852_x_at	COL3A1	3.483	5	222608_s_at	ANLN	3.062
206300_s_at	PTHLH	3.460		210095_s_at	IGFBP3	3.028
1569978_x_at		3.456		207291_at	PRRG4	3.006
211071_s_at	MLLT11	3.355		209774_x_at	CXCL2	2.979
201578_at	PODXL	3.249		211161_s_at	COL3A1	2.974
222449_at	PMEPA1	3.230		206157_at	PTX3	2.970
205199_at	CA9	3.189		203373_at	SOCS2	2.969
201890_at	RRM2	3.106		232381_s_at	DNAH5	2.929
211030_s_at	SLC6A6	3.100		212143_s_at	IGFBP3	2.928
1570107_at		3.091	5	238513_at	PRRG4	2.922
222608_s_at	ANLN	3.062		201291_s_at	TOP2A	2.911
210095_s_at	IGFBP3	3.028		202404_s_at	COL1A2	2.908
207291_at	PRRG4	3.006		205479_s_at	PLAU	2.892
209270_at	LAMB3	3.002	2	205680_at	MMP10	2.803
209774_x_at	CXCL2	2.979		217875_s_at	PMEPA1	2.797
211161_s_at	COL3A1	2.974		230280_at	TRIM9	2.763
206157_at	PTX3	2.970		227556_at	NME7	2.723
203373_at	SOCS2	2.969		242517_at	KISS1R	2.699
232381_s_at	DNAH5	2.929		218691_s_at	PDLIM4	2.688
212143_s_at	IGFBP3	2.928		219148_at	PBK	2.684
238513_at	PRRG4	2.922		203691_at	PI3	2.684

201291_s_at	TOP2A	2.911		202998_s_at	LOXL2	2.681
202404_s_at	COL1A2	2.908		210538_s_at	BIRC3	2.669
223484_at	C15orf48	2.896	1	229435_at	GLIS3	2.667
205479_s_at	PLAU	2.892		41469_at	PI3	2.649
227140_at	INHBA	2.830	1	218355_at	KIF4A	2.624
211668_s_at	PLAU	2.829	1	214438_at	HLX	2.623
205680_at	MMP10	2.803		209156_s_at	COL6A2	2.597

Table 2 Top 50 up-regulated probe sets in the prostate tumor type (Continued)

Left table includes all probe sets, the mouse RNA binding probe sets are identified by the number of cross hybridizing mouse tissue probes that occurred (1-5 see column 4). Right side of table shows the top 50 human up-regulated probe sets following removal of the mouse component.

is emerging as a powerful tool to improve and guide model selection. In this study, cDNA microarray data was generated for 49 xenograft models routinely used within the Developmental Therapeutics Program at the NCI. The majority of these tumor cell lines are available to the research community through the DCTD Tumor Repository (NCI at Frederick) thus allowing this data to provide guidance for other research studies. Aside from the obvious utility of ranking models in terms of transcript expression for specific genes of interest, analysis demonstrated that prolonged *in vivo* passage markedly alters the transcriptome of many models. This observation emphasizes the importance of maintaining passage consistency to minimize experimental artifacts. Similarly, these findings provide one explanation for the difficulties reported in reproducing experimental data since the methods for generating test tumors can impact the study profoundly [38]. These data are deposited at http://dtp.nci.nih.gov/microxeno/download.html and in the Gene Expression Omnibus (http:// www.ncbi.nlm.nih.gov/geo/) under accessions GSE48433 and GSE49353. All subsequent data releases will be deposited in the same locations.

Methods

Cell lines and mice

All cell lines were obtained from the Division of Cancer Treatment and Diagnosis Tumor Repository (DTP, National Cancer Institute at Frederick, Frederick, MD) or American Type Culture Collection (ATCC) (Manassas, Va). In addition, the identities of all cell lines used in this

Table 3 DAVID Gene Ontology (GO) functional annotation on the prostate tumor models during their transition from in vitro to in vivo growth

Accession	Gene Ontology Term generated from DAVID analysis of human-RNA-only-binding probe sets	Gene count	PValue	Fold enrichment	Benjamini	False discovery rate (%)
GO:0044421	extracellular region part	14	4.68E-07	5.33	4.12E-05	5.07E-04
GO:0005615	extracellular space	12	8.91E-07	6.40	3.92E-05	9.65E-04
GO:0005576	extracellular region	18	3.26E-06	3.27	9.55E-05	3.53E-03
GO:0005578	proteinaceous extracellular matrix	7	1.75E-04	7.99	3.84E-03	0.19
GO:0031012	extracellular matrix	7	2.63E-04	7.41	4.61E-03	0.28
GO:0009611	response to wounding	7	0.0019	5.10	0.6674	2.70
GO:0019932	second-messenger-mediated signaling	5	0.0027	8.22	0.5559	3.96
GO:0001568	blood vessel development	5	0.0032	7.89	0.4668	4.58
GO:0001944	vasculature development	5	0.0035	7.70	0.4022	4.99
GO:0005581	collagen	3	0.0039	31.30	0.0553	4.11
GO:0048870	cell motility	5	0.0071	6.30	0.4510	9.91
GO:0051674	localization of cell	5	0.0071	6.30	0.4510	9.91
GO:0008009	chemokine activity	3	0.0072	22.88	0.6673	8.26
GO:0006935	chemotaxis	4	0.0074	9.66	0.4245	10.41
GO:0042330	taxis	4	0.0074	9.66	0.4245	10.41
GO:0001501	skeletal system development	5	0.0081	6.06	0.4132	11.24
GO:0042379	chemokine receptor binding	3	0.0081	21.48	0.4633	9.29
GO:0005125	cytokine activity	4	0.0166	7.20	0.5732	18.13
GO:0005201	extracellular matrix structural constituent	3	0.0236	12.24	0.5992	24.90

study were confirmed using Identifiler® STR genotyping (Applied Biosystems). All mice used in the study were obtained from the Animal Production Program (National Cancer Institute at Frederick, Frederick, MD). All studies were conducted in an Association for Assessment and Accreditation of Laboratory Animal Care International (AAALACi) accredited facility under a protocol approved by the NCI at Frederick Animal Care and Use Committee. This facility operates under an Office of Laboratory Animal Welfare (OLAW) assurance in compliance with the U.S. Public Health Service Policy on Humane Care and Use of Animals (1996) and the Guide for the Care and Use of Laboratory Animals Eighth Edition. PCR primers were purchased from ABI (Applied Biosystems). Karyotype analysis and STR genotyping results for most seed lines are available at http://dtp.cancer.gov/branches/btb/characterizationNCI60.html.

Tumor growth, propagation and sampling

Tumor cells for inoculation were derived from the 4th in vitro passage from cryopreserved cell stocks. Cells (1 × 10' cells/0.1 ml/inoculation) were inoculated subcutaneously into mice (n = 10 or more mice depending on the)tumor cell line). For comparative purposes, 2-3 samples of in vitro cultivated cells at passage 4 (same as used for in vivo implantation) were also prepared for microarray analysis (P0). When tumors at passage 1 (P1), passage 4 (P4) and passage 10 (P10) reached approximately 500 mg (10×10 mm), 5 tumors were harvested, cut into small pieces and flash frozen in liquid nitrogen using pre-chilled cryovials. Samples were transferred to a -70°C freezer for holding prior to processing. Serial tumor passage was achieved by harvesting donor tumor material (n = 2 to 5)donors) at each passage, mincing the tumors (2x2 mm fragments), pooling the samples and inoculating the recipients subcutaneously using tumor implant trocars. Athymic nude mice (athymic NCr-nu/nu) served as the primary host for most xenograft studies. In several instances [particularly with human leukemias and lymphomas] it was difficult to establish and passage tumors in athymic nude mice. In these instances, SCID/NCr or NOD.SCID/NCr mice were assessed for suitability. In general, female mice were used as they are less aggressive, easily group-housed and are routinely used in xenograft experiments. Male mice were used for prostate tumors (PC-3, PC-3/M). Two tumors (SF-268 and SF-539) required the use of Matrigel[™] (Collaborative Research, Bectin Dickinson, Bedford, Ma) during the initial tumor cell inoculation to achieve progressive tumor growth. Finally, in those instances where hormone effects on tumor growth are important (e.g., estradiol-dependent breast cancers) mice were supplemented with estradiol (up to 3 mg/kg) administered subcutaneously once weekly to maintain progressive tumor growth. Exceptions to the standard protocol are noted in Table 1.

Comparison of HCT-15 sensitivity to paclitaxel at early and late *in vivo* passage

In vivo antitumor activity assays were performed with six-week-old female athymic nude mice (Animal Production Program, Frederick, MD). Forty mice were each implanted subcutaneously with 1x10⁷ HCT-15 human colon cancer cells (DCTD Repository, Frederick, MD). Thirty of these passage 1 (P1) tumor-bearing mice were randomized into 2 groups (n = 20/vehicle control group and 10/treated group) and the remaining tumors were used to serially passage the tumors. For this, tumors were harvested from donor mice, cut into fragments of 2-3 mm and the resulting fragments were implanted subcutaneously into recipient mice using a tumor implant trocar. This process was repeated when the tumors reached 500-750 mg until the tumors reached their eighth in vivo passage (P8). At P8, tumor-bearing animals were randomized into 2 groups (n = 18/vehicle control group and 9/treated group). At P1 and P8 the vehicle control groups received 12.5% cremaphor/12.5% ethanol/75% saline while the treated group received 10 mg paclitaxel/kg. Both treatments were administered intravenously (IV) once daily for 5 days (QDx5) using a standard dosing volume of 10 ml/kg body weight. Tumor growth was monitored by caliper measurements, and tumor weights were calculated as: [tumor length in $mm \times (tumor width^2)$ in mm)]/2 = weight in mg (1). Tumor measurements were collected every 3 to 4 days throughout the course of the study. Student's t-test was used to assess the significance in response of the paclitaxel treated animals to the corresponding controls with significance set at a p value of 0.05 or less. The studies were terminated 12 - 15 days after the last drug dose.

In vivo sensitivity testing of MOLT-4 and A549 xenografts to cisplatin treatment

In vivo antitumor activity assays were performed with six-week-old female athymic nude mice (Animal Production Program, Frederick, MD). MOLT-4 and A549 tumors were established in cohorts of mice for evaluation of cisplatin sensitivity. When MOLT-4 tumors reached a median of 150 mg the mice were randomized into vehicle control (n = 20) and cisplatin treated groups (n = 10). The vehicle control group received 0.9% saline while the cisplatin was administered at 3.24 mg/kg. When A549 tumors reached a median of 110 mg the mice were randomized into vehicle control (n = 15) and cisplatin-treated groups (n = 6). The vehicle control group received 0.9% saline while the cisplatin was administered at 6.7 mg/kg. All treatments were administered intraperitoneally (IP) at one dose per day every fourth day for a total of 3 doses (Q4Dx3) using a standard dosing volume of 10 ml/kg body weight. Tumor growth was monitored as noted above. The studies were terminated when control tumor

weights exceeded 2500 mg or 3 weeks post-last drug dose, whichever occurred first.

Tumor homogenization and RNA Isolation

Frozen xenograft tumor specimens were removed from the freezer and kept in liquid nitrogen. Tumors were cut into smaller pieces using a pill cutter pre-chilled by submersion into liquid nitrogen. A tumor fragment was placed into the pill cutter and quickly cut into smaller pieces (approximately 10-25 milligrams each). The tumor samples were homogenized in RLT-ME buffer (Qiagen, Germantown, MD) using a single 5 mm steel bead per sample in a Tissuelyser (Qiagen, Germantown, MD) for two minutes at 28 Hz. The volume of RLT-ME buffer for each sample was calculated using a standard formula of 20 µL RLT-ME per mg of tissue. Samples were incubated at RT for 10 min after homogenization following which the tumor material was further homogenized using a QiaShredder column. The RNA was extracted using RNeasy® Mini Kits (Qiagen, Germantown, MD) following the manufacturer's protocol. The tumor cells $(5-7 \times 10^6)$ were harvested from sub-confluent flasks at passage 4 by scraping. Following centrifugation, the cell pellets were flash-frozen in liquid nitrogen and stored at -80°C. RNA from the cell pellets was isolated using the RNeasy® Mini Kit following the manufacturer's protocol.

RNA quantitation and quality control

Following extraction, RNA quantitation was performed using a Nanodrop spectrophotometer (Thermo Scientific, Wilmington, DE). Microelectrophoresis was performed on all samples using an Agilent Bioanalyzer (Santa Clara, CA) to assess sample quality. The Agilent software algorithm evaluates the entire electrophoretic trace to estimate the total RNA integrity in a sample. The algorithm calculates an RNA Integrity Number (RIN), which classifies the quality of the RNA on a numeric system from 1 to 10, with 1 being the most degraded and 10 being the most intact. The RIN number allows comparison of the quality of the RNA between samples and ensures better reproducibility. In this study, 73% of RNA samples scored a RIN of >9, while 25% had a RIN of 7–9 and 2% had a RIN 5.7-7.

Microarray analysis

The RNA samples were submitted to Expression Analysis, Inc. (Durham, NC) for microarray analysis using the HG-U133 Plus 2.0 array (Affymetrix, Santa Clara, CA). Samples were prepared and hybridized according to the "Affymetrix Technical Manual" (www.expressionanalysis. com). Following staining of the microarray, the fluorescent images were detected in a GeneChip[®] Scanner 3000 and expression data were extracted using the GeneChip Command Console Software (AGCC) v 2.0 (Affymetrix). All GeneChips were scaled to a median intensity setting of 500. Raw array (.CEL files) data are available for direct download from the Developmental Therapeutics Program (http://dtp.nci.nih.gov/microxeno/download.html) and from the Gene Expression Omnibus (http://www.ncbi. nlm.nih.gov/geo/), accessions GSE49353 and GSE48433.

Microarray data were analyzed using the default 'guided workflow' option within Genespring 12.6.1 (Agilent, Santa Clara, CA). In brief, raw data (.CEL) files were imported and replicates assigned to relevant conditions (e.g. 786–0 P0). All data files within the experiment were then normalized using RMA [39], to generate a spreadsheet containing log2 normalized gene expression values. Next, probe sets were filtered with reference to flags [attributes that denote poor quality entities] along with a percentile cut-off (20%) - which makes the assumption that 20% of the probe sets on any given genome-wide array have intensity values that represent noise (since they are not expressed). Next, significance was determined by performing one-way ANOVA p < 0.05. For the remaining observations a fold change cut-off could then be applied [default +/- 2 fold].

Mouse/human endpoint PCR

As described in Alcoser *et al.* [14] human- or mousespecific forward primers from the prostaglandin E receptor 2 (*PTGER2*) gene were used to amplify 189 bp fragments, thereby identifying the presence of mouse DNA and/or human DNA in each tissue/cell sample. Human-specific primers: Forward, 5'- gctgcttctcattgtctcgg-3'; Reverse, 5'- gccaggagaatgaggtggtc-3'. Mouse-specific primers: Forward, 5'- cctgctgcttatcgtggctg-3'; Reverse, 5'- gccag gagaatgaggtggtc-3'. PCR was performed using neutralized, unpurified tissue/cell lysate on an ABI-2720 Thermocycler (Applied Biosystems). PCR conditions: 95°C-5 min, 30 cycles of (95°C-45 sec, 60°C-30 sec, 72°C-90 sec), 72°C-10 min. DNA bands were resolved on a 2% agarose gel containing ethidium bromide (0.5 mg/ml).

Identification of probe sets on Affymetrix U133 Plus 2 array with the potential to cross-hybridize with mouse transcripts

Array data were generated for 5 different mouse RNA populations hybridized to human Affymetrix U133 Plus 2 chips (3 replicates for each biological sample). The samples were A) mouse Universal RNA (Strategene, La Jolla, CA), B) B16F10 murine melanoma tumors, C) skin from C57BL/6 mice bearing B16F10 tumors, D) colon 26 murine tumors, and E) skin from Balb/C mice bearing Colon 26 tumors. Mouse RNAs of varied origin were used to provide a diversity of mouse transcripts for subsequent qualitative detection of array binding. The 15 .txt files generated (5 biological samples, 3 replicates each) were interrogated and for each sample type, all probe sets with a PPP, PPM or PPA [P = present, M = marginal, A = absent] detection call were sorted into a separate

file (total 5 files). Each letter of the PPP or PPM, or PPA nomenclature represents 1 array from the triplicate samples. The five lists of probes were combined into a single file and the Microsoft Excel utility DigDb [www.Digdb.com] was used to remove redundancy and to determine how many biological samples contained detectable transcript (shown as PPX ID in # Mouse Tissues – out of five). The resultant list of probe sets and number of mouse RNA samples in which they are called present (PPX) can be found in Additional file 7.

Availability of supporting data

The data sets supporting the results of this article are available for direct download from the Developmental Therapeutics Program (http://dtp.nci.nih.gov/microxeno/ download.html) and from the Gene Expression Omnibus (http://www.ncbi.nlm.nih.gov/geo/), accessions GSE49353 and GSE48433 as well as in the Additional Files.

Additional files

Additional file 1: Hierarchical clustering of cell line and xenograft samples. 823 arrays [47 complete models] were uploaded into Genespring (Agilent, Santa Clara, CA) using the Affymetrix expression guided workflow and data normalized using RMA. Entities were then assigned and log2 gene expression data generated for those transcripts that met the following criteria: percentile cut-off = 20, ANOVA p < 0.05, probe sets must be differentially expressed +/- 100 fold in 1 group. The probe sets meeting these criteria were then subjected to Hierarchical clustering according to both conditions [cell lines/passages] and entities [probe sets] with a Pearson absolute distance metric and centroid linkage.

Additional file 2: Issues identified during Hierarchical clustering. Additional file 3: RMA normalized log2 gene expression data for all 49 models - unfiltered, includes all probe sets on the U133 Plus 2.0 Array.

Additional file 4: Antitumor efficacy of paclitaxel against HCT-15 xenografts at passages 1 (P1) and 8 (P8). Vehicle treated mice received 12.5% cremaphor/12.5% ethanol/75% saline QDx5 IV while paclitaxel was administered at 10 mg/kg QDx5 IV. Statistically significant differences between the treated and control mice were determined with Student's t-test, those points with significant paclitaxel responses are designated by showing the p value adjacent to the data point. A) P1 tumors B) P8 tumors.

Additional file 5: Antitumor efficacy of cisplatin against MOLT-4 and A549 xenografts. Vehicle treated mice received 0.9% saline once every 4 days for 3 treatments (Q4Dx3) by the intraperitoneal (IP) route. Statistically significant differences between the treated and control mice were determined with Student's t-test, those points with significant cisplatin responses are designated by with the p value adjacent to the data point A) MOLT-4 xenografts, the cisplatin dose was 3.24 mg/kg. B) A549 xenografts, the cisplatin dose was 6.7 mg/kg.

Additional file 6: List of transcripts identified as cross-hybridizing with mouse cDNA.

Additional file 7: Change in expression (log2) across the entire U133 plus 2 array for all models from P0 to P1 with cross-hybridizing probe sets shown.

Additional file 8: A) Top 50 up-regulated probe sets in 9 of 13 tumor types. Left table includes all probe sets, where mouse cross-hybridizing probe sets are shaded grey. Right table shows the top 50 up-regulated probe sets following removal of the cross hybridizing component. B) DAVID gene ontology (GO) functional annotation for each tumor model during transition from *in vitro* to *in vivo* growth.

Competing interests

The authors declare that they have no competing interests.

Authors' contributions

MGH had overall responsibility for study design, execution, analysis and manuscript production. LHS and DLN participated in analysis and interpretation of data and manuscript production, SYA participated in analysis and interpretation of data, BCO in analysis and interpretation of data, CAB, SDB, RD, KD, GK, DJK, AM, MEM, SH, EJH participated in data generation, SLH and MK participated in interpretation and analysis of the data, JC participated in study design. All authors read and approved the final manuscript.

Acknowledgements

This project has been funded in whole or in part with federal funds from the National Cancer Institute, National Institutes of Health, under Contract No. HHSN261200800001E. The content of this publication does not necessarily reflect the views or policies of the Department of Health and Human Services, nor does mention of trade names, commercial products, or organizations imply endorsement by the U.S. Government. This research was supported [in part] by the Developmental Therapeutics Program in the Division of Cancer Treatment and Diagnosis of the National Cancer Institute. NCI-Frederick is accredited by AAALAC International and follows the Public Health Service Policy for the Care and Use of Laboratory Animals. All animals used in this research project were cared for and used humanely according to the following policies: The U.S. Public Health Service Policy on Humane Care and Use of Animals (1996); the Guide for the Care and Use of Laboratory Animals Eighth Edition; and the U.S. Government Principles for Utilization and Care of Vertebrate Animals Used in Testing, Research, and Training (1985). All studies were approved by the NCI at Frederick Animal Care and Use Committee (ACUC) prior initiation of work. The NCI at Frederick ACUC operates under an active Office of Laboratory Animal Welfare assurance.

Author details

¹Biological Testing Branch, National Cancer Institute at Frederick, 1050 Boyles Street, Building 1043, Room 11, Frederick, MD 21702, USA. ²Biological Testing Branch, Developmental Therapeutics Program, Leidos Biomedical Research, Inc, Frederick National Laboratory for Cancer Research, Frederick, MD 21702, USA. ³Biological Testing Branch, Developmental Therapeutics Program, National Cancer Institute at Frederick, Frederick, MD 21702, USA. ⁴Thermo Fisher, 134 Yorkshire Boulevard, Indianapolis, IN, USA. ⁵Information Technology Branch, Developmental Therapeutics Program, Division of Cancer Treatment and Diagnosis, NCI, Bethesda, MD 20892, USA. ⁶Molecular Pharmacology Branch, Developmental Therapeutics Program, National Cancer Institute at Frederick, Frederick, MD 21702, USA. ⁷Developmental Therapeutics Program, Division of Cancer Treatment and Diagnosis, NCI, Bethesda, MD 20892, USA.

Received: 18 November 2013 Accepted: 9 May 2014 Published: 22 May 2014

References

- Hollingshead MG: Antitumor efficacy testing in rodents. J Natl Cancer Inst 2008, 100(21):1500–1510.
- Whiteford CC, Bilke S, Greer BT, Chen Q, Braunschweig TA, Cenacchi N, Wei JS, Smith MA, Houghton P, Morton C, Reynolds CP, Lock R, Gorlick R, Khanna C, Thiele CJ, Takikita M, Catchpoole D, Hewitt SM, Khan J: Credentialing preclinical pediatric xenograft models using gene expression and tissue microarray analysis. *Cancer Res* 2007, 67(1):32–40.
- Weinstein JN: Integromic analysis of the NCI-60 cancer cell lines. Breast Dis 2004, 19:11–22.
- Holbeck S, Chang J, Best AM, Bookout AL, Mangelsdorf DJ, Martinez ED: Expression profiling of nuclear receptors in the NCI60 cancer cell panel reveals receptor-drug and receptor-gene interactions. *Mol Endocrinol* 2010, 24(6):1287–1296.
- Scherf U, Ross DT, Waltham M, Smith LH, Lee JK, Tanabe L, Kohn KW, Reinhold WC, Myers TG, Andrews DT, Scudiero DA, Eisen MB, Sausville EA, Pommier Y, Botstein D, Brown PO, Weinstein JN: A gene expression database for the molecular pharmacology of cancer. *Nat Genet* 2000, 24(3):236–244.

- Sausville EA, Holbeck SL: Transcription profiling of gene expression in drug discovery and development: the NCI experience. *Eur J Cancer* 2004, 40(17):2544–2549.
- Liu H, D'Andrade P, Fulmer-Smentek S, Lorenzi P, Kohn KW, Weinstein JN, Pommier Y, Reinhold WC: mRNA and microRNA expression profiles of the NCI-60 integrated with drug activities. *Mol Cancer Ther* 2010, 9(5):1080–1091.
- Gmeiner WH, Reinhold WC, Pommier Y: Genome-wide mRNA and microRNA profiling of the NCI 60 cell-line screen and comparison of FdUMP [10] with fluorouracil, floxuridine, and topoisomerase 1 poisons. *Mol Cancer Ther* 2010, 9(12):3105–3114.
- Nishizuka S, Charboneau L, Young L, Major S, Reinhold WC, Waltham M, Kouros-Mehr H, Bussey KJ, Lee JK, Espina V, Munson PJ, Petricoin E 3rd, Liotta LA, Weinstein JN: Proteomic profiling of the NCI-60 cancer cell lines using new high-density reverse-phase lysate microarrays. Proc Natl Acad Sci U S A 2003, 100(24):14229–14234.
- Paull KD, Shoemaker RH, Hodes L, Monks A, Scudiero DA, Rubinstein L, Plowman J, Boyd MR: Display and analysis of patterns of differential activity of drugs against human tumor cell lines: development of mean graph and COMPARE algorithm. J Natl Cancer Inst 1989, 81(14):1088–1092.
- Zembutsu H, Ohnishi Y, Tsunoda T, Furukawa Y, Katagiri T, Ueyama Y, Tamaoki N, Nomura T, Kitahara O, Yanagawa R, Hirata K, Nakamura Y: Genome-wide cDNA microarray screening to correlate gene expression profiles with sensitivity of 85 human cancer xenografts to anticancer drugs. *Cancer Res* 2002, 62(2):518–527.
- Smith V, Wirth GJ, Fiebig HH, Burger AM: Tissue microarrays of human tumor xenografts: characterization of proteins involved in migration and angiogenesis for applications in the development of targeted anticancer agents. *Cancer Genomics Proteomics* 2008, 5(5):263–273.
- Harbig J, Sprinkle R, Enkemann SA: A sequence-based identification of the genes detected by probesets on the Affymetrix U133 plus 2.0 array. *Nucleic Acids Res* 2005, 33(3):e31.
- Alcoser SY, Kimmel DJ, Borgel SD, Carter JP, Dougherty KM, Hollingshead MG: Real-time PCR-based assay to quantify the relative amount of human and mouse tissue present in tumor xenografts. *BMC Biotechnol* 2011, 11:124.
- Shultz LD, Schweitzer PA, Christianson SW, Gott B, Schweitzer IB, Tennent B, McKenna S, Mobraaten L, Rajan TV, Greiner DL: Multiple defects in innate and adaptive immunologic function in NOD/LtSz-scid mice. J Immunol 1995, 154(1):180–191.
- Li Q, Birkbak NJ, Gyorffy B, Szallasi Z, Eklund AC: Jetset: selecting the optimal microarray probe set to represent a gene. *BMC Bioinformatics* 2011, 12:474.
- 17. Junttila MR, Evan GI: p53–a Jack of all trades but master of none. *Nat Rev Cancer* 2009, 9(11):821–829.
- 18. Kruse JP, Gu W: Modes of p53 regulation. Cell 2009, 137(4):609-622.
- Stathis A, Oza A: Targeting Wee1-like protein kinase to treat cancer. Drug News Perspect 2010, 23(7):425–429.
- 20. Essmann F, Schulze-Osthoff K: Translational approaches targeting the p53 pathway for anti-cancer therapy. *Br J Pharmacol* 2012, 165(2):328–344.
- Ueda K, Clark DP, Chen CJ, Roninson IB, Gottesman MM, Pastan I: The human multidrug resistance (mdr1) gene. cDNA cloning and transcription initiation. J Biol Chem 1987, 262(2):505–508.
- Johansson K, Ahlen K, Rinaldi R, Sahlander K, Siritantikorn A, Morgenstern R: Microsomal glutathione transferase 1 in anticancer drug resistance. *Carcinogenesis* 2007, 28(2):465–470.
- Plowman J, Dykes DJ Jr, Hollingshead MG, Simpson-Herren L, Alley MC: Human tumor xenograft models in NCI drug development. In Anticancer Drug Development Guide: Preclinical Screening, Clinical Trials and Approval. Edited by Teicher BA. Totowa, NJ: Humana Press; 1997:101–125.
- 24. An Y, Ongkeko WM: ABCG2: the key to chemoresistance in cancer stem cells? Expert Opin Drug Metab Toxicol 2009, 5(12):1529–1542.
- McConkey DJ, Choi W, Marquis L, Martin F, Williams MB, Shah J, Svatek R, Das A, Adam L, Kamat A, Siefker-Radtke A, Dinney C: Role of epithelialto-mesenchymal transition (EMT) in drug sensitivity and metastasis in bladder cancer. *Cancer Metastasis Rev* 2009, 28(3–4):335–344.
- Dalerba P, Dylla SJ, Park IK, Liu R, Wang X, Cho RW, Hoey T, Gurney A, Huang EH, Simeone DM, Shelton AA, Parmiani G, Castelli C, Clarke MF: Phenotypic characterization of human colorectal cancer stem cells. Proc Natl Acad Sci U S A 2007, 104(24):10158–10163.

- Kogan-Sakin I, Cohen M, Paland N, Madar S, Solomon H, Molchadsky A, Brosh R, Buganim Y, Goldfinger N, Klocker H, Schalken JA, Rotter V: Prostate stromal cells produce CXCL-1, CXCL-2, CXCL-3 and IL-8 in response to epithelia-secreted IL-1. *Carcinogenesis* 2009, 30(4):698–705.
- West RB, Nuyten DS, Subramanian S, Nielsen TO, Corless CL, Rubin BP, Montgomery K, Zhu S, Patel R, Hernandez-Boussard T, Goldblum JR, Brown PO, van de Vijver M, van de Rijn M: Determination of stromal signatures in breast carcinoma. *PLoS Biol* 2005, 3(6):e187.
- Baranello C, Mariani M, Andreoli M, Fanelli M, Martinelli E, Ferrandina G, Scambia G, Shahabi S, Ferlini C: Adrenomedullin in ovarian cancer: foe in vitro and friend *in vivo? PLoS One* 2012, **7**(7):e40678.
- Kuai WX, Wang Q, Yang XZ, Zhao Y, Yu R, Tang XJ: Interleukin-8 associates with adhesion, migration, invasion and chemosensitivity of human gastric cancer cells. *World J Gastroenterol* 2012, 18(9):979–985.
- Keeley EC, Mehrad B, Strieter RM: Chemokines as mediators of tumor angiogenesis and neovascularization. Exp Cell Res 2011, 317(5):685–690.
- Nakayama T, Hirakawa H, Shibata K, Nazneen A, Abe K, Nagayasu T, Taguchi T: Expression of angiopoietin-like 4 (ANGPTL4) in human colorectal cancer: ANGPTL4 promotes venous invasion and distant metastasis. Oncol Rep 2011, 25(4):929–935.
- Creighton CJ, Bromberg-White JL, Misek DE, Monsma DJ, Brichory F, Kuick R, Giordano TJ, Gao W, Omenn GS, Webb CP, Hanash SM: Analysis of tumor-host interactions by gene expression profiling of lung adenocarcinoma xenografts identifies genes involved in tumor formation. *Mol Cancer Res* 2005, 3(3):119–129.
- Nakamura T, Fidler IJ, Coombes KR: Gene expression profile of metastatic human pancreatic cancer cells depends on the organ microenvironment. *Cancer Res* 2007, 67(1):139–148.
- Camphausen K, Purow B, Sproull M, Scott T, Ozawa T, Deen DF, Tofilon PJ: Influence of *in vivo* growth on human glioma cell line gene expression: convergent profiles under orthotopic conditions. *Proc Natl Acad Sci U S A* 2005, **102**(23):8287–8292.
- Stein WD, Litman T, Fojo T, Bates SE: A Serial Analysis of Gene Expression (SAGE) database analysis of chemosensitivity: comparing solid tumors with cell lines and comparing solid tumors from different tissue origins. *Cancer Res* 2004, 64(8):2805–2816.
- Creighton C, Kuick R, Misek DE, Rickman DS, Brichory FM, Rouillard JM, Omenn GS, Hanash S: Profiling of pathway-specific changes in gene expression following growth of human cancer cell lines transplanted into mice. *Genome Biol* 2003, 4(7):R46.
- Begley CG, Ellis LM: Drug development: raise standards for preclinical cancer research. Nature 2012, 483(7391):531–533.
- Irizarry RA, Hobbs B, Collin F, Beazer-Barclay YD, Antonellis KJ, Scheff U, Speed TP: Exploration, normalization, and summaries of high density oligonucleotide array probe level data. *Biostatistics* 2003, 4(2):249–264.

doi:10.1186/1471-2164-15-393

Cite this article as: Hollingshead *et al.*: Gene expression profiling of 49 human tumor xenografts from *in vitro* culture through multiple *in vivo* passages - strategies for data mining in support of therapeutic studies. *BMC Genomics* 2014 15:393.

Submit your next manuscript to BioMed Central and take full advantage of:

- Convenient online submission
- Thorough peer review
- No space constraints or color figure charges
- Immediate publication on acceptance
- Inclusion in PubMed, CAS, Scopus and Google Scholar
- Research which is freely available for redistribution

) BioMed Central

Submit your manuscript at www.biomedcentral.com/submit