



Since January 2020 Elsevier has created a COVID-19 resource centre with free information in English and Mandarin on the novel coronavirus COVID-19. The COVID-19 resource centre is hosted on Elsevier Connect, the company's public news and information website.

Elsevier hereby grants permission to make all its COVID-19-related research that is available on the COVID-19 resource centre - including this research content - immediately available in PubMed Central and other publicly funded repositories, such as the WHO COVID database with rights for unrestricted research re-use and analyses in any form or by any means with acknowledgement of the original source. These permissions are granted for free by Elsevier for as long as the COVID-19 resource centre remains active.

Revue générale

Puces à protéines et perspectives d'applications médicales Protein arrays and perspectives of medical applications

V. Sakanyan^{a,b,*}, M.-C. Arnaud^a

^a *Biotechnologie, biocatalyse et biorégulation, UMR CNRS 6204, faculté des sciences et techniques, université de Nantes, 2, rue de la Houssinière, 44322 Nantes cedex 3 France*

^b *ProtNeteomix SAS, 2, rue de la Houssinière, 44322 Nantes cedex 3 France*

Reçu le 9 juillet 2007 ; accepté le 11 octobre 2007

Disponible sur Internet le 26 novembre 2007

Résumé

Les puces à protéines permettent de détecter les interactions moléculaires avec divers partenaires (protéines, peptides, acides nucléiques, sucres, etc.). Leurs avantages sont cruciaux pour l'analyse à haut débit des protéomes entiers de différents organismes. De plus, les résultats récents prouvent la performance des puces par rapport aux méthodes immunologiques conventionnelles. C'est pourquoi, les puces à antigènes et à anticorps deviennent des outils incontournables dans le domaine médical, en particulier, pour le diagnostic et le pronostic des maladies infectieuses, auto-immunes et allergiques. Les avancées technologiques permettent d'envisager l'introduction de puces miniaturisées dans la pratique médicale pour le monitoring multiparamétrique de pathologies humaines.

© 2007 Elsevier Masson SAS. Tous droits réservés.

Abstract

Protein microarrays make it possible to detect molecular interactions with various partners (proteins, peptides, nucleic acids, sugars, etc.). Their advantages are crucial for high-throughput analysis of proteomes of different organisms. Moreover, the recent data reveal the performance of microarrays over current immunological methods. Therefore, the antigen and antibody microarrays become indispensable for medical applications, in particular, for diagnosis and prognosis of microbial infections, autoimmune and allergic diseases. The further technological progress might provide the extension of the miniaturized assays for multiparametric monitoring of human pathologies in practical medicine.

© 2007 Elsevier Masson SAS. Tous droits réservés.

Mots clés : Protéomique ; Puces à protéines ; Interaction antigène–anticorps ; Réponse immunitaire ; Immunodiagnostic

Keywords: Proteomics; Protein arrays; Antigen–antibody interaction; Immune response; Immunodiagnostics

Contents

1. Introduction	188
2. Principe de la technologie	188
3. Maladies infectieuses	189
4. Maladies auto-immunes	190
5. Allergies	191
6. Perspectives des puces à protéines	191
Remerciements	192
Références	192

* Auteur correspondant.

Adresses e-mail : Vehary.Sakanyan@univ-nantes.fr, v.sakanyan@protneteomix.com (V. Sakanyan).

1. Introduction

Les succès de l'analyse des génomes de nombreux organismes au cours de la dernière décennie ont prédéterminé l'entrée de la recherche biomédicale dans une nouvelle époque, la protéomique, avec pour objectif l'identification des fonctions de toutes les protéines et l'élucidation des réseaux des interactions protéiques dans les cellules. La technologie des puces à protéines n'a émergé et n'est devenue attractive pour des recherches sur les protéomes qu'au début des années 2000. La détection des interactions entre deux protéines, une immobilisée sous forme d'un mini-spot sur une surface plane (phase solide) et une autre en solution (phase liquide), est plus sensible par rapport aux autres méthodes conventionnelles si l'affinité entre les molécules est supérieure au seuil critique [1]. Cette technologie miniaturisée à haut débit permet de détecter les interactions des protéines spottées avec diverses molécules (protéines, peptides, acides nucléiques, sucres, etc.). De plus, étant donné qu'une faible quantité d'échantillons cliniques est nécessaire pour l'analyse, les puces à protéines deviennent hautement attractives comme outils uniques pour l'étude des pathologies humaines. Dans ce contexte, les domaines médicaux, où la détection des antigènes et/ou anticorps est à la base de l'analyse, se situent en première ligne des exigences des méthodes plus performantes pour un diagnostic précoce, le choix d'un traitement efficace et le suivi d'une thérapie appropriée. Les résultats obtenus au cours de ces dernières années sont impressionnants et soulignent l'intérêt croissant que suscitent les puces à protéines pour répondre aux questions médicales urgentes. Des applications potentielles sont présentées dans le [Tableau 1](#).

Dans cette revue nous décrivons succinctement le principe de la technologie des puces à protéines (antigènes et anticorps) en renvoyant les lecteurs aux informations plus détaillées publiées dans d'autres revues [2,3]. Nous présentons les progrès récents réalisés dans le développement des puces à antigènes et à anticorps destinées au diagnostic des maladies humaines.

2. Principe de la technologie

On distingue deux types de puces à protéines à finalité biomédicale, les puces à antigènes et les puces à anticorps ([Fig. 1](#)). Les puces à antigènes, constituées de protéines et de peptides, peuvent être utilisées pour détecter la présence des anticorps spécifiques dans le sérum et quantifier les immunoglobulines correspondantes chez les sujets atteints de la maladie suspectée. En générale, la détection est réalisée par un anticorps secondaire dirigé contre l'immunoglobuline de reconnaissance. Les puces à anticorps peuvent servir pour détecter, dans divers échantillons cliniques (cellules, sérum, biopsies, etc.) des marqueurs ou cibles protéiques. La technique sandwich, couramment utilisée pour ces puces, nécessite un couple d'anticorps dirigés contre deux épitopes différents de la même protéine.

Plusieurs facteurs jouent un rôle important dans la performance des puces à antigènes et à anticorps. Le développement des supports pour immobiliser les protéines sur la surface d'une lame de verre a été l'objet de nombreuses investigations [4]. Selon la nature de l'immobilisation des protéines, les supports proposés sont regroupés pour :

- un accrochage covalent, qui est assuré par la fonctionnalisation d'un radical de la protéine ou de la surface recouverte de la lame ;
- un accrochage non-covalent, qui est assuré par l'environnement d'un hydrogel ou par la structure poreuse de la membrane de nitrocellulose.

Sur les supports du premier type, la densité des molécules dans les spots peut être augmentée via l'immobilisation orientée des protéines, ce qui favorise les contacts avec les partenaires de la phase liquide. En revanche, la structure tridimensionnelle des supports du second type ne nécessite pas une telle orientation et assure, de plus, un meilleur maintien de la structure des protéines déposées.

Actuellement, parmi les différentes approches de détection, la fluorescence est la plus couramment utilisée. Les anticorps de détection sont marqués par des fluorophores via une approche

Tableau 1
Les applications biomédicales des puces à protéines

Destination	Molécules déposées		
	Protéines/peptides	Antigènes	Anticorps
Évaluation de la réponse immunitaire ^a	x	x	
Recherche des candidats aux vaccins ^a	x	x	
Cartographie d'épitopes ^b	x	x	
Profil d'expression des protéines ^c	x (lysats)		x
Étude des modifications post-traductionnelles (phosphorylation, etc.) ^c	x (lysats)		x
Recherche des biomarqueurs	x	x	x
Recherche de cibles thérapeutiques	x		x
Suivi de l'effet des médicaments	x (lysats)		x
Criblage des agents thérapeutiques	x		
Développement d'essais immunologiques	x	x	x
Développement d'outils diagnostiques	x	x	x

^a Les puces peuvent aussi contenir des molécules non protéiques (sucres, oligosaccharides, ADN, etc.).

^b Cette cartographie est habituellement effectuée par des courts peptides correspondant à la séquence de la protéine d'intérêt.

^c On peut utiliser les puces constituées de lysats avec les protéines totales (puce à reverse phase).

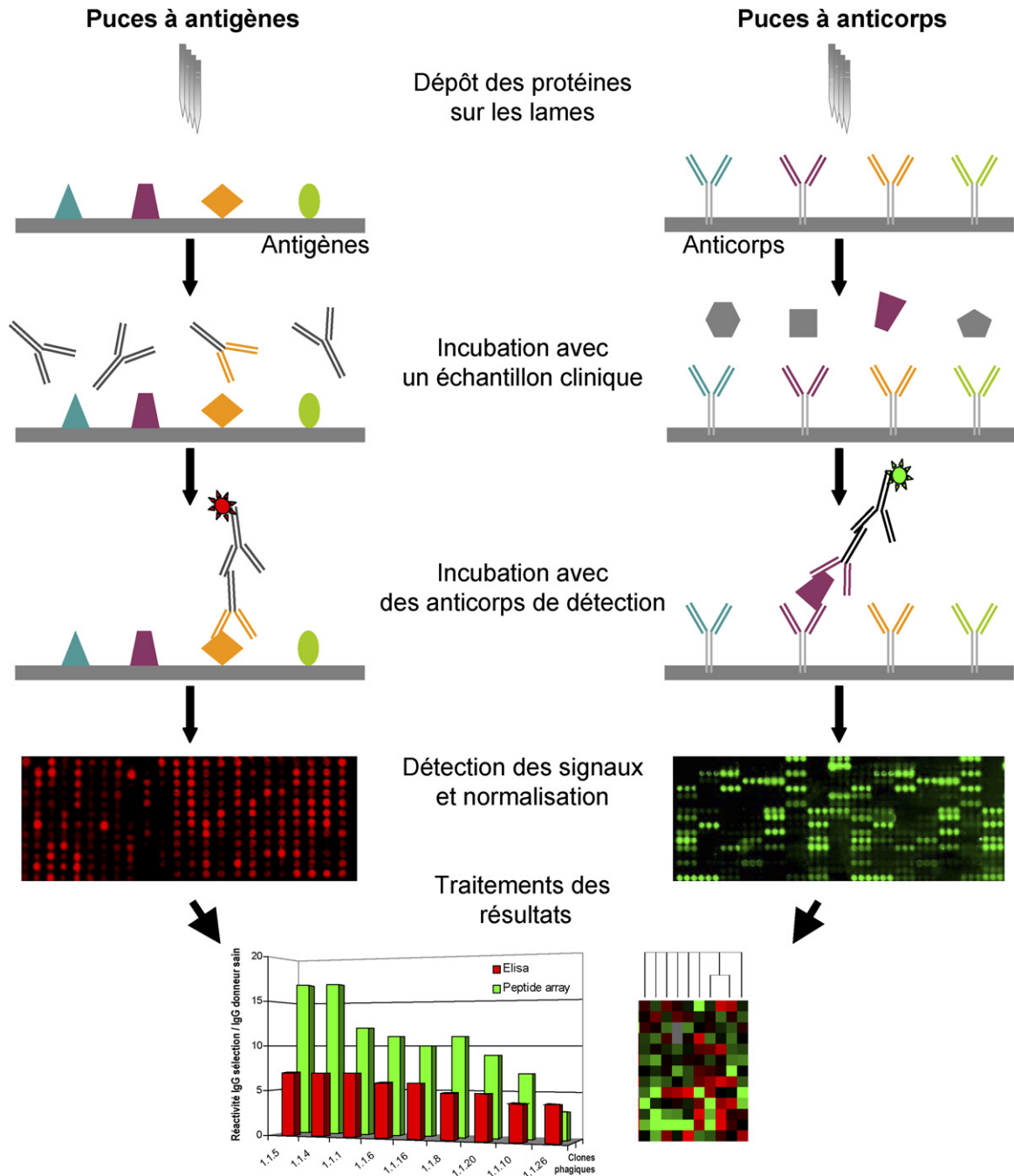


Fig. 1. Technologie des puces à antigènes et à anticorps.

Sur les puces à antigènes, la détection des immunoglobulines réagissant avec les molécules spotted est réalisée par des anticorps anti-IgG, anti-IgM ou anti-IgE marqués (en rouge). Sur les puces à anticorps, la détection des protéines-cibles, captées par des anticorps primaires, est réalisée par des anticorps secondaires marqués (en vert). La détection peut être aussi réalisée par d'autres molécules capables de reconnaître des anticorps avec un tag (par exemple, l'interaction de l'avidine avec l'immunoglobuline biotinylée).

chimique connue comme la bioconjugaison. La sensibilité de détection, qui dépend du rapport signal/bruit de fond, peut être améliorée de différentes façons, en particulier, par l'utilisation de supports émettant une faible autofluorescence ou des fluorophores de l'infrarouge proche ou par l'amplification des signaux [3]. L'intensité du signal de détection de la fluorescence est une fonction de la concentration de la/des protéine(s) présente(s) dans l'analyte. En utilisant un ou deux fluorophores l'abondance des cibles peut être évaluée sur une échelle dynamique d'au

moins trois log [5]. Le fait que les puces à antigènes et à anticorps permettent d'identifier, de caractériser et de quantifier à haut débit des protéines dans les fluides biologiques devient très important pour le diagnostic clinique.

3. Maladies infectieuses

Les maladies infectieuses restent globalement la cause la plus commune de mortalité et de morbidité dans le monde. Dès leur

Tableau 2
Puces à antigènes dédiées aux maladies infectieuses

Pathologie	Agent pathogène	Nature des antigènes	Source du sérum	Références
Sida	<i>SHIV</i>	Peptides, protéines recombinantes	Macaque	[7]
	<i>HIV-1</i>	Peptides mimétiques (phage display)	Homme	[8]
Sars	<i>Coronavirus</i>	Protéines recombinantes	Homme	[10]
Peste	<i>Yersinia pestis</i>	Protéines recombinantes	Lapin	[11]
Méningite	<i>Neisseria meningitidis</i>	Protéines recombinantes	Homme	[12]
Tuberculose	<i>Mycobacterium tuberculosis</i>	Fractions protéiques	Homme	[13]
	<i>Mycobacterium tuberculosis</i>	Protéines recombinantes		[14]
Lèpre	<i>Mycobacterium leprae</i>	Protéines natives	Homme	[15]
	<i>Mycobacterium leprae</i>	Protéines recombinantes		[15]
Tularémie	<i>Francisella tularensis</i>	Protéines recombinantes	Souris	[16]
Malaria	<i>Plasmodium falciparum</i>	Protéines synthétisées dans un système acellulaire	Homme	[17]
	<i>Plasmodium falciparum</i>			[18]
Variole	<i>Vaccinia</i>	Protéines recombinantes	Souris, homme	[19]

apparition, les puces ont été particulièrement attractives pour évaluer la réponse immunitaire de patients atteints de diverses infections virales ou bactériennes [6]. De nombreux travaux mettent en évidence leurs avantages pour les études fondamentales et appliquées de ces pathologies (Tableau 2).

Une des premières puces à antigènes a été dédiée à l'étude du Sida pour suivre la cinétique de la réponse antivirale après immunisation de macaques par le virus ou l'ADN recombinant [7]. Une réponse immunitaire due à la présence majoritaire d'anticorps dirigés contre les épitopes des glycoprotéines gp 120 et gp 41 a été détectée. À notre tour, nous avons réalisé une puce à peptides mimétiques de l'épitope immunodominant de la protéine gp 41, sélectionnés par la méthode *phage display* [8]. La réactivité des anticorps du sérum de patients avant et après la trithérapie a été évaluée par les méthodes des puces et de l'Elisa qui ont révélé des variations similaires de la concentration des immunoglobulines. Cependant, l'essai par les puces s'est avéré plus sensible et plus représentatif de la réponse immunitaire vis-à-vis des peptides possédant l'affinité la plus ou la moins élevée.

Plus récemment, les puces à protéines ont été utilisées pour suivre une autre infection virale très grave, le syndrome respiratoire aigu, provoquée par le *Coronavirus Sars-CoV* [9,10]. Les puces, constituées des protéines caractérisées et non caractérisées de six souches de *coronavirus*, ont servi pour le monitoring du sérum de centaines de sujets infectés et non infectés. Il a été montré que les fragments correspondant à l'extrémité C-terminale de la protéine N de la nucléocapside possèdent la réactivité la plus antigénique suggérant leur importance pour la création des vaccins. De plus, ces puces ont permis de différencier de nombreux sérums selon leur degré de spécificité et d'évaluer la réactivité de différentes souches. Les nouveaux algorithmes, développés pour l'analyse par clustering hiérarchique, ont permis de classer les sérums Sars positifs et Sars négatifs avec une précision de 92 % par les puces contre 91 % par Elisa. Il est remarquable de constater, en outre, que 1 µl de sérum a été suffisant pour l'analyse sur une puce avec une sensibilité d'environ 50 fois plus importante que par Elisa [10].

Les puces à protéines ont été aussi exploitées avec succès pour évaluer la réponse immunitaire après une infection provoquée par des bactéries pathogènes et par des parasites. En

particulier, les protéines membranaires, possédant une réactivité antigénique importante, ont été identifiées chez *Yersinia pestis* [11], *Neisseria meningitidis* [12], *Mycobacterium tuberculosis* [13,14], *M. leprae* [15], *Francisella tularensis* [16] et *Plasmodium falciparum* [17,18]. Certaines de ces protéines seraient de bons candidats pour la vaccination ou pourraient servir de biomarqueurs pour l'évaluation sérologique de l'état de santé des patients. Toutefois, on a découvert que, dans le cas de la malaria, la réponse immunitaire s'avère plus complexe car elle n'est pas corrélée avec la réactivité du sérum contre les antigènes individuels [18].

Il faut noter, qu'une puce à antigènes peut être mixte, c'est-à-dire constituée, en plus des protéines, de polysaccharides, de lipopolysaccharides et de fractions de cultures de mycobactéries [13]. En outre, l'analyse du sérum des patients, atteints de lèpre, sur une puce constituée par des fractions de protéines natives, extraites de la paroi et de la membrane de *M. leprae*, ainsi que par des protéines recombinantes de cette bactérie, a permis de discriminer les différentes formes de cette maladie [15]. Par ailleurs, pour réaliser des puces couvrant un large répertoire d'antigènes d'un organisme pathogène, les protéines peuvent être synthétisées dans un système acellulaire en évitant les étapes fastidieuses de leur surexpression et purification [17,19].

Ainsi, les puces à protéines, y compris à protéomes, apportent les informations indispensables pour comprendre les mécanismes de l'immunité. De plus, elles peuvent aider à choisir des candidats protéiques individuels ou une combinaison de candidats possédant les propriétés antigéniques nécessaires pour le développement, dans un avenir proche, de vaccins efficaces et d'outils immunodiagnostiques.

4. Maladies auto-immunes

Les maladies auto-immunes affectent environ 5 % de la population mondiale [20]. Bien que les mécanismes des pathologies auto-immunes restent encore à élucider, il est connu qu'elles sont caractérisées par une surproduction d'auto-anticorps dirigés contre les propres protéines humaines. La détection d'un nombre restreint d'antigènes est actuellement basée sur un test d'immunofluorescence indirecte ou Elisa combiné parfois avec l'analyse par *western blot* [21]. Les puces à antigènes plus repré-

sentatives seraient particulièrement adaptées pour la recherche de biomarqueurs dans les sérums des patients et pour définir un panel d'antigènes dédié à l'identification, en un seul essai, des signatures spécifiques des maladies auto-immunes.

Les premières puces, composées d'auto-antigènes connus, ont servi à analyser le sérum de patients présentant des symptômes cliniques différents, dont le rhumatisme articulaire, le lupus érythémateux systémique, le syndrome de Sjögren, les polymyosites et la sclérose systémique [22,23]. Ces travaux ont permis de mettre en évidence des profils d'auto-anticorps spécifiques des maladies testées avec une concordance de plus de 85 % avec les méthodes conventionnelles. Des puces, composées de plusieurs centaines d'antigènes incluant des peptides synthétiques et des protéines de la myéline, ont été utilisées pour évaluer leurs potentiels antigéniques chez le modèle murin de la sclérose multiple afin de choisir les meilleurs candidats pour générer des vaccins ADN codant pour les protéines les plus réactives [24]. De même, l'utilisation d'une puce présentant plusieurs dizaines d'auto-antigènes a permis d'établir la prévalence et la signification clinique d'un éventail d'auto-anticorps IgG et IgM chez des patients atteints de lupus érythémateux systémique et des syndromes incomplets de cette maladie [25].

Pour certaines pathologies auto-immunes, les auto-antigènes restent encore non identifiés. Une approche proposée pour rechercher des antigènes potentiels est basée sur le criblage de puces à extraits cellulaires, provenant d'une banque de c-ADN du cerveau du fœtus humain [26]. De cette manière, plusieurs biomarqueurs potentiels, impliqués dans la cardiomyopathie dilatée et la perte de cheveux (*Alopecia areata*), ont été découverts et utilisés à leur tour pour préparer des puces à antigènes destinées à l'étude de ces maladies [27,28]. En outre, une puce commerciale, composée d'environ 8000 protéines humaines, a été proposée pour rechercher de nouveaux auto-anticorps (www.invitrogen.com).

En fournissant des signatures spécifiques, les puces se révèlent être des outils performants pour le diagnostic différentiel de pathologies auto-immunes. Il est particulièrement important de noter que le caractère des clusters reflétant la réactivité des anticorps dans le sérum des patients peut avoir une valeur pronostique.

5. Allergies

Environ 25 % de la population des pays industriels souffrent d'allergies qui posent aussi un problème important de santé publique. Les allergies de type 1 (asthme, dermatite, conjonctivite, sinusite, etc.) sont médiées par les IgE, les anticorps les moins répandus dans le sérum, qui reconnaissent les antigènes, y compris des protéines, provenant des nutriments, des cosmétiques ou de l'environnement. En conséquence, dans le sérum des personnes sensibles aux réactions allergiques, la concentration des IgE libres, spécifiques aux allergènes correspondants, est élevée.

Depuis longtemps, il existe des méthodes conventionnelles de détection des produits allergiques, basées sur le dosage des IgE dans le sang des patients [29]. La technologie des puces a été appliquée avec succès, en exploitant une approche enzymatique

d'amplification du signal fluorescent [30–33]. Les puces, constituées à la fois de nombreuses protéines recombinantes purifiées, d'extraits bruts et de molécules d'origine non protéique, permettent d'identifier les allergènes environnementaux et de les regrouper selon leur puissance de réactivité. Récemment, des puces constituées de protéines natives et dénaturées du lait de vache ont été aussi utilisées pour évaluer leur réaction allergique dans une faible quantité de sérum des enfants [34]. Bien que différents auteurs exploitent divers supports pour immobiliser des allergènes protéiques et non protéiques, il semblerait que les puces développées répondent aux standards internationaux des tests allergiques.

6. Perspectives des puces à protéines

Les résultats issus de plusieurs laboratoires démontrent que les puces à antigènes et à anticorps assurent une analyse des protéines et d'autres molécules avec une haute sensibilité et spécificité et avec une faible consommation des échantillons cliniques qui ne sont disponibles qu'en quantités infimes. Ces puces s'avèrent plus avantageuses par rapport aux essais immunologiques conventionnels, y compris « le standard d'or » Elisa et ainsi deviendraient indispensables pour une nouvelle génération de méthodes diagnostiques. Les questions concernant le contrôle de la qualité des puces à protéines et la reproductibilité des résultats font actuellement l'objet de plusieurs recherches pour répondre aux critères exigeants du diagnostic des pathologies humaines [35]. Toutefois, l'entrée récente en clinique d'une puce composée de 14 biomarqueurs pour identifier et quantifier la concentration des IgG correspondant à dix maladies auto-immunes (www.whatman.com) est la première « hirondelle » donnant l'espoir de la création d'autres micropuces diagnostiques.

Les puces à anticorps possèdent aussi un potentiel important pour élucider la régulation globale et évaluer l'activité fonctionnelle des voies de signalisation dans les cellules et tissus cancéreux. L'approche la plus appropriée est basée sur la comparaison du profil de l'expression des protéines et de leurs modifications post-traductionnelles (phosphorylation, acétylation, etc.) en se basant sur la détection par deux fluorophores [36]. Cependant, la faible concentration des protéines-cibles, la réactivité croisée des anticorps avec plusieurs protéines et aussi le manque de biomarqueurs crédibles constituent encore des obstacles pour l'extension des puces à anticorps au diagnostic précoce du cancer [37,38]. Néanmoins, les techniques d'enrichissement ou du fractionnement des protéines-cibles des différents compartiments ou de la déplétion des protéines majoritaires présentes dans certains fluides biologiques peuvent diminuer les interactions non spécifiques et abaisser le seuil de détection des molécules de faible abondance [39–42]. Par ailleurs, la découverte des biomarqueurs du cancer et d'autres maladies, en combinant les avantages des puces à protéines avec d'autres techniques à haut débit et la génération d'anticorps ou d'autres molécules de reconnaissance de haute qualité sont des sujets « chauds » pour la recherche biomédicale [43–45]. Les progrès dans ces directions seront essentiels pour l'introduction, dans la pratique médicale, des micropuces multiplexes pour

le diagnostic précoce et le monitoring multiparamétrique des maladies humaines.

Remerciements

Nous remercions les membres du laboratoire de biotechnologie de l'université de Nantes et de la société ProtNeteomix qui ont participé aux développements technologiques sur la plateforme « Puces à protéines » d'Ouest Génomôle. Nous exprimons notre reconnaissance à la région des pays de la Loire pour les subventions accordées pour ces travaux. Nous remercions également Michele Lecocq pour la relecture de l'article.

Références

- [1] Ekins R, Chu F, Biggart E. Multispot, multianalyte, immunoassay. *Ann Biol Clin (Paris)* 1990;48:655–66.
- [2] Sakanyan V. Puces à protéines : nouvelle approche du diagnostic des maladies infectieuses. *Antibiotiques* 2004;6:185–92.
- [3] Sakanyan V. High-throughput and multiplexed protein array technology: protein-DNA and protein-protein interactions. *J Chromatogr B Analyt Technol Biomed Life Sci* 2005;815:77–95.
- [4] Angenendt P, Glökler J, Sobek J, Lehrach H, Cahill DJ. Next generation of protein microarray support materials: evaluation for protein and antibody microarray applications. *J Chromatogr A* 2003;1009:97–104.
- [5] Haab BB, Dunham MJ, Brown PO. Protein microarrays for highly parallel detection and quantitation of specific proteins and antibodies in complex solutions. *Genome Biol* 2001, 2: RESEARCH0004.(on-line).
- [6] Mezzasoma L, Bacarese-Hamilton T, Di Cristina M, Rossi R, Bistoni F, Crisanti A. Antigen microarrays for serodiagnosis of infectious diseases. *Clin Chem* 2002;48:121–30.
- [7] Neuman de Vegvar HE, Amara RR, Steinman L, Utz PJ, Robinson HL, Robinson WH. Microarray profiling of antibody responses against simian-human immunodeficiency virus: postchallenge convergence of reactivities independent of host histocompatibility type and vaccine regimen. *J Virol* 2003;77:11125–38.
- [8] Arnaud MC, Gazarian T, Rodriguez YP, Gazarian K, Sakanyan V. Array assessment of phage-displayed peptide mimics of human immunodeficiency virus type 1 gp41 immunodominant epitope: binding to antibodies of infected individuals. *Proteomics* 2004;4:1959–64.
- [9] Qiu LW, Tang HW, Wang YD, Liao JE, Hao W, Wen K, et al. Development and application of triple antibodies-based sandwich ELISA for detecting nucleocapsid protein of SARS-associated coronavirus. *Zhonghua Liu Xing Bing Xue Za Zhi* 2005;26:277–81.
- [10] Zhu H, Hu S, Jona G, Zhu X, Kreiswirth N, Willey BM, et al. Severe acute respiratory syndrome diagnostics using a coronavirus protein microarray. *Proc Natl Acad Sci USA* 2006;103:4011–6.
- [11] Li B, Jiang L, Song Q, Yang J, Chen Z, Guo Z, et al. Protein microarray for profiling antibody responses to *Yersinia pestis* live vaccine. *Infect Immun* 2005;73:3734–9.
- [12] Steller S, Angenendt P, Cahill DJ, Heuberger S, Lehrach H, Kreutzberger J. Bacterial protein microarrays for identification of new potential diagnostic markers for *Neisseria meningitidis* infections. *Proteomics* 2005;5:2048–55.
- [13] Tong M, Jacobi CE, van de Rijke FM, Kuijper S, van de Werken S, Lowary TL, et al. A multiplexed and miniaturized serological tuberculosis assay identifies antigens that discriminate maximally between TB and non-TB sera. *J Immunol Methods* 2005;301:154–63.
- [14] Sartain MJ, Slayden RA, Singh KK, Laal S, Belisle JT. Disease state differentiation and identification of tuberculosis biomarkers via native antigen array profiling. *Mol Cell Proteomics* 2006;5:2102–13.
- [15] Grothouse NA, Amin A, Marques MA, Spencer JS, Gelber R, Knudson DL, et al. Use of protein microarrays to define the humoral immune response in leprosy patients and identification of disease-state-specific antigen profiles. *Infect Immun* 2006;74:6458–66.
- [16] Eyles JE, Unal B, Hartley MG, Newstead SL, Flick-Smith H, Prior JL, et al. Immunodominant *Francisella tularensis* antigens identified using proteome microarray. *Proteomics* 2007;7:2172–83.
- [17] Sundaresh S, Doolan DL, Hirst S, Mu Y, Unal B, Davies DH, et al. Identification of humoral immune responses in protein microarrays using DNA microarray data analysis techniques. *Bioinformatics* 2006;22:1760–6.
- [18] Gray JC, Corran PH, Mangia E, Gaunt MW, Li Q, Tetteh KK, et al. Profiling the antibody immune response against blood stage malaria vaccine candidates. *Clin Chem* 2007;53:1244–53.
- [19] Davies DH, McCausland MM, Valdez C, Huynh D, Hernandez JE, Mu Y, et al. Vaccinia virus H3L envelope protein is a major target of neutralizing antibodies in humans and elicits protection against lethal challenge in mice. *J Virol* 2005;79:11724–33.
- [20] Jacobson DL, Gange SJ, Rose NR, Graham NM. Epidemiology and estimated population burden of selected autoimmune diseases in the United States. *Clin Immunol Immunopathol* 1997;84:223–43.
- [21] Miles J, Charles P, Riches P. A review of methods available for the identification of both organ-specific and non-organ-specific autoantibodies. *Ann Clin Biochem* 1998;35:19–47.
- [22] Robinson WH, DiGennaro C, Hueber W, Haab BB, Kamachi M, Dean EJ, et al. Autoantigen microarrays for multiplex characterization of autoantibody responses. *Nat Med* 2002;8:295–301.
- [23] Feng Y, Ke X, Ma R, Chen Y, Hu G, Liu F. Parallel detection of autoantibodies with microarrays in rheumatoid diseases. *Clin Chem* 2004;50:416–22.
- [24] Robinson WH, Fontoura P, Lee BJ, de Vegvar HE, Tom J, Pedotti R, et al. Protein microarrays guide tolerizing DNA vaccine treatment of autoimmune encephalomyelitis. *Nat Biotechnol* 2003;21:1033–9.
- [25] Li QZ, Zhou J, Wandstrat AE, Carr-Johnson F, Branch V, Karp DR, et al. Protein array autoantibody profiles for insights into systemic lupus erythematosus and incomplete lupus syndromes. *Clin Exp Immunol* 2007;147:60–70.
- [26] Bussow K, Cahill D, Nietfeld W, Bancroft D, Scherzinger E, Lehrach H, et al. A method for global protein expression and antibody screening on high-density filters of an arrayed cDNA library. *Nucleic Acids Res* 1998;26:5007–8.
- [27] Lueking A, Huber O, Wirths C, Schulte K, Stieler KM, Blume-Peytavi U, et al. Profiling of Alopecia areata autoantigens based on protein microarray technology. *Mol Cell Proteomics* 2005;4:1382–90.
- [28] Horn S, Lueking A, Murphy D, Staudt A, Gutjahr C, Schulte K, et al. Profiling humoral autoimmune repertoire of dilated cardiomyopathy (DCM) patients and development of a disease-associated protein chip. *Proteomics* 2006;6:605–13.
- [29] Harwanegg C, Hiller R. Protein microarrays for the diagnosis of allergic diseases: state-of-the-art and future development. *Clin Chem Lab Med* 2005;43:1321–6.
- [30] Wiltshire S, O'Malley S, Lambert J, Kukanskis K, Edgar D, Kingsmore SF, et al. Detection of multiple allergen-specific IgEs on microarrays by immunoassay with rolling circle amplification. *Clin Chem* 2000;46:1990–3.
- [31] Kim TE, Park SW, Cho NY, Choi SY, Yong TS, Nahm BH, et al. Quantitative measurement of serum allergen-specific IgE on protein chip. *Exp Mol Med* 2002;34:152–8.
- [32] Lebrun SJ, Petchpud WN, Hui A, McLaughlin CS. Development of a sensitive, colorimetric microarray assay for allergen-responsive human IgE. *J Immun Methods* 2005;300:24–31.
- [33] Hiller R, Laffer S, Harwanegg C, Huber M, Schmidt WM, Twardosz A, et al. Microarrayed allergen molecules: diagnostic gatekeepers for allergy treatment. *Faseb J* 2002;16:414–6.
- [34] Gaudin JC, Rabesona H, Choiset Y, Yeretssian G, Chobert JM, Sakanyan V, et al. Assessment of the IgE-mediated immune response to milk-specific native and recombinant protein in allergic patients by using microarrays. (*submitted*).
- [35] Master SR, Bierl C, Kricka LJ. Diagnostic challenges for multiplexed protein microarrays. *Drug Discov Today* 2006;11:1007–11.
- [36] Sakanyan V, Yeretssian G. Near infrared fluorescence detection of antigen-antibody interactions on microarrays. In: Sem D, editor. *Spectral Techniques in Proteomics*. CRC Press; 2007. p. 185–205.
- [37] Hanash S. Disease proteomics. *Nature* 2003;422:226–32.

- [38] Ling MM, Ricks C, Lea P. Multiplexing molecular diagnostics and immunoassays using emerging microarray technologies. *Expert Rev Mol Diagn* 2007;7:87–98.
- [39] Huang HL, Stasyk T, Morandell S, Mogg M, Schreiber M, Feuerstein I, et al. Enrichment of low-abundant serum proteins by albumin/immunoglobulin G immunoaffinity depletion under partly denaturing conditions. *Electrophoresis* 2005;26:2843–9.
- [40] Yeretssian G, Lecocq M, Lebon G, Hurst H, Sakanyan V. Competition on nitrocellulose-immobilized antibody arrays: from bacterial protein binding assay to protein profiling in breast cancer cells. *Mol Cell Proteomics* 2005;4:605–17.
- [41] Ingvarsson J, Lindstedt M, Borrebaeck CA, Wingren C. One-step fractionation of complex proteomes enables detection of low abundant analytes using antibody-based microarrays. *J Proteome Res* 2006;5:170–6.
- [42] Granger J, Siddiqui J, Copeland S, Remick D. Albumin depletion of human plasma also removes low abundance proteins including the cytokines. *Proteomics* 2005;5:4713–8.
- [43] Bradford TJ, Wang X, Chinnaiyan AM. Cancer immunomics: using autoantibody signatures in the early detection of prostate cancer. *Urol Oncol* 2006;24:237–42.
- [44] Li Y, Lee HJ, Corn RM. Detection of protein biomarkers using RNA aptamer microarrays and enzymatically amplified surface plasmon resonance imaging. *Anal Chem* 2007;79:1082–8.
- [45] Järäs K, Ressine E, Malm J, Marko-Varga G, Lilja H, et al. Reverse-phase versus sandwich antibody microarray, technical comparison from a clinical perspective. *Anal Chem* 2007;79:5817–25.